



FACULDADE DE CIÊNCIAS

Curriculum Vitae

Octávio Fernando de Sousa Salgueiro Godinho Paulo
Janeiro 2020

Índice

Dados Pessoais.....	1
Nota Biográfica.....	2
Formação Académica.....	3
Graus Académicos.....	3
Carreira Académica.....	3
Formação Avançada.....	4
Avaliação do Desempenho	5
Ensino.....	6
Docência.....	6
Unidades curriculares de plano doutoral	8
Unidades curriculares de pós-graduações e mestrados.....	8
Regências	8
Participação.....	12
Unidades curriculares de licenciatura.....	13
Regências	13
Participação.....	14
Outras Unidades Curriculares	15
Cursos de formação avançada	16
Outros Cursos.....	18
Qualidade das atividades profissionais relacionadas com a docência	18
Materiais Pedagógicos	23
Inovação Pedagógica.....	24
Criação ou reestruturação de planos de estudo	25
Criação ou reestruturação de unidades curriculares.....	27
Criação ou reforço de infraestruturas laboratoriais	28
Novas iniciativas pedagógicas.....	29
Mestrado de Biologia Humana e Ambiente	29
Mestrado de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento	30
Mestrado de Bioinformática e Biologia Computacional.....	31
Orientação.....	31
Supervisão de bolseiros de pós-doutoramento.....	31
Orientação de teses de doutoramento	33
Acompanhamento de teses de doutoramento	35
Orientação de teses de mestrado.....	35
Orientação de teses de mestrado como orientador interno da FCUL	39
Orientação de estágios de licenciatura.....	41

Estágios de licenciatura.....	41
Orientação de cursos pós-graduados de especialização em Biologia	42
Supervisão de bolseiros de investigação	42
Orientação de estágios pedagógicos	45
Investigação	46
Publicações Científicas.....	46
Publicações Seleccionadas.....	46
Listagem de Publicações	49
Teses.....	49
Livros (autor)	49
Livros (editor)	49
Capítulos de livros.....	49
Artigos em revistas científicas internacionais com árbitros.....	53
Artigos em revistas nacionais com árbitros	64
Atas de conferências.....	64
Relatórios técnicos e científicos.....	67
Bibliometria.....	73
Identificadores individuais	73
Métricas	73
Variação temporal das publicações e citações	74
Projetos Científicos	74
Projetos com financiamento competitivo Internacional	74
Participação.....	74
Projetos com financiamento competitivo Nacional	75
Coordenação	75
Participação.....	76
Contratos com financiamento competitivo Nacional.....	79
Coordenação	79
Contratos com financiamento não-competitivo	81
Coordenação	81
Participação.....	83
Autonomia e liderança.....	84
Reconhecimento interpares	84
Prémios e Bolsas	84
Atividades editoriais de avaliação em revistas científicas.....	85
Membro de conselhos editoriais	85
Avaliação em revistas científicas	85
Atividades de avaliação por pares	86

Avaliação de projetos.....	86
Avaliação de bolsas	87
Comissões de programa de eventos científicos	87
Coordenação	87
Participação.....	87
Comunicações	88
Palestras por convite em eventos internacionais.....	88
Palestras por convite em eventos nacionais	89
Palestras em conferencias internacionais	91
Palestras em conferências nacionais	98
Painéis em conferências internacionais	102
Painéis em conferências nacionais	114
Inovação.....	120
Outras Atividades.....	122
Outreaching	122
Artigos em revistas de divulgação	122
Conferências nacionais e internacionais.....	123
Serviços resultantes da atividade de I&D	123
Participação em atividades que envolvam o meio empresarial e/ou o sector público.....	123
Participação e coordenação de iniciativas de divulgação científica:.....	124
Junto do comunidade científica	124
Junto do sistema de ensino pré-Universitário	125
Junto da comunicação social e do público em geral	125
Cargos e desempenhos de natureza científica e/ou académica	127
Cargos individuais de gestão.....	127
Participação na avaliação de candidaturas a programas científicos	128
Avaliação de projetos.....	128
Avaliação de bolsas	128
Participação em Júris de provas académicas.....	128
Júris de teses de doutoramento na qualidade de arguente.....	129
Júris de teses de doutoramento na qualidade de vogal	129
Júris de teses de mestrado na qualidade de Presidente do Júri	131
Júris de teses de mestrado na qualidade de arguente	135
Júris de teses de mestrado na qualidade de vogal	136
Júris de teses de estágios profissionalizantes.....	137
Participação em jurís de concursos	138
Na qualidade de Presidente	138

Na qualidade de Vogal	138
Outros cargos	139
Membro das seguintes sociedades científicas e organizações:	139

Dados Pessoais

Nome: Octávio Fernando de Sousa Salgueiro Godinho Paulo

Data de nascimento: 26/12/1963

Naturalidade: Marinha Grande

Nacionalidade: Portuguesa

Cartão de Cidadão nº 6558224

Estado Civil: Casado, dois filhos

Endereço Pessoal: Rua Prof. Barbosa Sueiro nº3, 3B, 1600-598 Lisboa

Endereço Profissional:

cE3c - Centre for Ecology, Evolution and Environmental Changes

Departamento de Biologia Animal

Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa

P-1749-016 Lisboa

Telefone Geral: 217500000 ext. 22359

Telefone Direto: 217500614

Fax: 217500618

Email: octavio.paulo@fc.ul.pt

Situação Profissional atual:

Professor Auxiliar no Departamento de Biologia Animal da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa, desde 1 de Agosto de 2001.

Líder do grupo Computational Biology and Population Genomics Group (CoBiG²) do cE3c – Centre for Ecology, Evolution and Environmental Changes, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Nota Biográfica

Octávio Salgueiro Paulo é atualmente Professor Auxiliar no Departamento de Biologia Animal da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Doutorou-se pela Universidade de Londres (Queen Mary and Westfield College) em 2001, ano em que passou da posição de Assistente a Professor Auxiliar no Departamento de Biologia Animal da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. É membro fundador do Centro de Biologia Ambiental, posteriormente transformado na unidade de investigação Centre for Ecology, Evolution and Environmental Changes (cE3c), que possui atualmente a classificação de Excelente. Desde a sua fundação em 2008 é o líder do grupo de investigação Computational Biology and Population Genomics Group (CoBiG²). Este grupo é um dos 13 grupos de investigação do cE3c e é composto atualmente por 10 doutorados. Publicou até à data 76 artigos em revistas indexadas em bases de dados internacionais, assim como 4 livros, como autor ou editor, e vários capítulos de livros. De acordo com o Google Scholar tem 2527 citações (1389 desde 2015) e um h-index de 24 (17 desde 2015). Está atualmente envolvido em 10 projetos de investigação financiados, na área da Biologia Evolutiva, Filogenética, Genómica e Bioinformática. Supervisionou com sucesso seis estudantes de doutoramento e inúmeros estudantes de mestrado e técnicos de investigação. Tem lecionado a disciplina do tronco comum da licenciatura em Biologia, Biogeografia, e a cadeira de Biologia Evolutiva para os alunos do ramo de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento. Leciona unidades curriculares em vários mestrados, nomeadamente: Biologia Evolutiva e Desenvolvimento, Bioinformática e Biologia Computacional e Biologia Humana e Ambiente. É membro proponente do Plano Doutoral em Biologia e Ecologia da Alterações Globais, colaboração entre Universidade de Aveiro e a Universidade de Lisboa. Foi responsável pela criação do mestrado interdepartamental de Bioinformática e Biologia Computacional da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa em 2008 e seu coordenador até 2013, sendo novamente o seu coordenador no período 2017-2020. Exerceu a atividade de Vice-presidente do Departamento de Biologia Animal entre os anos de 2014 e 2017. Organizou o congresso da European Society for Evolutionary Biology, que decorreu em Lisboa em 2013 (<http://eseb2013.com/>). Obteve sempre a classificação máxima de excelente nos cinco períodos de avaliação de desempenho efetuados pela Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa (2004-2018).

Formação Académica

Graus Académicos

Doutor of Philosophy (Ph.D.) pelo Queen Mary and Westfield College, University of London, em 2001.

Licenciado em Recursos Faunísticos e Ambiente (Curso de Biologia) pela Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa, no ano de 1988 com a classificação de 17 valores.

Carreira Académica

2006/presente – Professor-auxiliar com nomeação definitiva no Departamento de Biologia Animal, da Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

2001/2006 – Professor-auxiliar sem nomeação definitiva no Departamento de Biologia Animal, da Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

2001 - Doutoramento. The phylogeography of reptiles of the Iberian Peninsula. Queen Mary and Westfield College, University of London. Sob a Orientação do Professor Richard Nichols e Michael Bruford.

1993/2001 - Assistente no Departamento de Zoologia e Antropologia da Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa, de 15 de Dezembro de 1993 a 31 de Julho de 2001.

1993 - Provas de Aptidão Pedagógica e Capacidade Científica em 13 e 14 de Dezembro de 1993, nos temas "Doseamento de Androgénios por Radioimunoensaio no Plasma de Machos de Rana perezi" e "Bases Endocrinológicas do Comportamento Reprodutor e Agonístico dos Répteis"

1989/1993 - Assistente-estagiário no Departamento de Zoologia e Antropologia da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa, de 18 de Dezembro de 1989 a 14 de Dezembro de 1993.

1988 – Licenciatura (5 anos) com a classificação final de 17 valores.

1988 - Estágio Profissionalizante sob a orientação do Professor Catedrático Eduardo G. Crespo sobre o tema "Estudo Eco-etológico da População de *Lacerta lepida* (Daudin 1802) (Sauria, Lacertidae) da Ilha da Berlenga", classificação de 19 valores.

1987/1989 - Monitor no Departamento de Zoologia e Antropologia da Faculdade de Ciências de Lisboa entre Janeiro de 1987 e Dezembro de 1989.

Formação Avançada

2012 – Curso de formação “Introdução à Análise de dados em R” – ministrado pela empresa We Value.

2010 – Laboratory Animal Science Practical Course. Sociedade Portuguesa de Ciências em Animais de Laboratório.

2005 – How to write a competitive proposal for the sixth framework programme, ministrado pelo Dr. Sean McCarthy e organizado Universidade de Lisboa.

2004 - Curso de formação em sistemas de informação geográfica – Introdução ao ArcGis – Nível II, - Ministrado pela empresa ESRI Portugal – Sistemas de Informação Geográfica, SA.

2004 - Curso de formação em sistemas de informação geográfica – Introdução ao ArcGis – Nível I, - Ministrado pela empresa ESRI Portugal – Sistemas de Informação Geográfica, SA.

1996 - Curso “The analysis of Survival Data from Marked Animal Populations”, de 26 a 29 de Março, na Universidade de Kent, UK.

1992 - Curso Intensivo de Pós-Graduação em Análise Multivariada, na Universidade do Algarve, de 13 a 17 de Abril. Curso ministrado pelo Prof. R. Thorpe da Universidade de Aberdeen, UK.

1991 - Curso no âmbito dos Estudos Avançados da Universidade Coimbra, denominado "Biostatistics - Quantitative Ecology" de 7 a 18 de Outubro. Curso ministrado por Dr. F.Wrona da University of Calgary e Dr. D.J. Baird da University of Stirling.

1991 - Curso Intensivo em Análise de Dados, no Centro de Valorização de Recursos Minerais da Universidade Técnica de Lisboa, de 4 a 9 de Fevereiro. Curso ministrado pelos Professores H.G. Pereira e A.J. Sousa.

1988 - Estágio em técnicas imunológicas e radio imunológicas no Departamento de Biologia Celular da Universidade de estudos de Camerino, Itália, em Abril. Estágio com a Professora A. Polzonetti-Magni.

1988 - Curso de utilização do programa de análise de dados biométricos e ecológicos BIOMECO do Goupe de Biometrie do CEPE-CNRS, Montpellier, França, em Outubro. Curso ministrado por Dr. J.D. Lebreton e Dr M. Roux do CNRS.

1986 - Estágio em Ecologia de Répteis no Laboratório de Biogeografia e Ecologia dos Vertebrados, da Escola Pratica de Altos Estudos de Montpellier, em Junho. Estágio com o Dr. M. Cheylan.

1985 - Estágio em Ecologia de Répteis no Laboratório de Biogeografia e Ecologia dos Vertebrados, da Escola Pratica de Altos Estudos de Montpellier, em Junho. Estágio com o Dr. M. Cheylan

Avaliação do Desempenho

Avaliação do Desempenho dos Docentes da Universidade de Lisboa

A Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa realizou até ao presente três momentos de avaliação de desempenho. O primeiro em 2012, correspondendo à avaliação dos quadriénios 2004-2007 e 2007-2011, o segundo em 2017 correspondendo aos biénios 2012-2013 e 2014-2015, e o último em 2019 correspondendo ao trénio 2016-2018. Em todos os períodos de avaliação foi obtida a classificação de Excelente.

Ensino

Docência

Nas várias secções deste capítulo é apresentada a listagem das unidades curriculares por nível de ensino lecionadas, na qualidade de regente e docente, ou em alguns casos, apenas como docente do Departamento de Biologia Animal (DBA) da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa (FCUL). Para além destas existe um segundo conjunto de unidades curriculares em que apenas é exercida a regência. Em certos casos por serem essencialmente tutoriais, com processo de avaliação associado, noutros casos por serem lecionadas por investigadores especialistas de outras instituições que colaboram com a FCUL. Este segundo conjunto de cadeiras está listado na secção “Outras Unidades Curriculares”

O conjunto de unidades curriculares (UCs) que constitui em grande medida o serviço docente anual, na área pedagógica de Biologia Evolutiva, é composto por UCs de licenciatura, mestrado e doutoramento, e prefaz 15 a 19 horas de serviço, consoante os anos letivos. Este conjunto de UCs tem variado ao longo dos vários anos letivos, num total de 18 UCs de que fui ou sou o responsável enquanto Professor Auxiliar, todas elas com exceção de uma, concebidas e implementadas por mim. Ministrei aulas teórico-práticas ou práticas em 19 UCs, 10 das quais não era regente. A listagem completa das UCs, assim como a minha contribuição para cada uma delas é apresentada em várias secções deste capítulo.

O Quadro I e II são a síntese do serviço docente e universo dos alunos desde o ano letivo de 2008/2009, ano letivo da entrada em vigor da reforma curricular, que possibilitou a reorganização profunda do serviço docente do Departamento. Sou o responsável por todas as UCs dos Quadros I e II com exceção de Introdução ao Tratamento de Dados nos anos letivos de 2015/2016 e 2017/2018.

Atualmente o serviço docente ao nível de licenciatura é composto pela UC Biogeografia, unidade do tronco comum da licenciatura de Biologia, apenas com aulas teóricas, e que pretende dar aos alunos do 2º ano uma panorâmica geral sobre os fenómenos biogeográficos à escala global, incluindo uma dimensão evolutiva e filogeográfica. Ao nível do terceiro ano do ramo de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento da licenciatura de Biologia é lecionada a cadeira estruturante do ramo, Biologia Evolutiva. Pretende-se com este curso, dar aos alunos, simultaneamente, os fundamentos, mas também uma perspetiva contemporânea e de fronteira desta área do conhecimento.

Para os mestrados são lecionadas um conjunto de unidades curriculares, nomeadamente Filogenética, Genética e Genómica das Alterações Ambientais, Biologia Computacional e Genómica e Bioinformática Prática, que são disponibilizadas para os mestrados de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento (MBED), Bioinformática e Biologia Computacional (MBBC) e Biologia Humana e Ambiente (MBHA), e marginalmente para outros mestrados da FCUL. No mestrado de MBBC enquanto coordenador, sou o responsável pela UC de Projecto em Bioinformática e Biologia Computacional.

Adicionalmente têm sido lecionados desde 2009 cursos de formação avançada, essencialmente dirigidos a estudantes de doutoramento e a profissionais sobre Filogenética e Filogeografia. Estes cursos foram integrados na formação avançada do cE3c. A longevidade deste curso, assim como o número de participantes, atestam a pertinência das matérias lecionadas.

Desde 2016 que são lecionados cursos ao nível de mestrado na Universidade Eduardo Mondlane e no Parque Nacional da Gorongosa.

Quadro I – Quadro resumo do serviço docente entre os anos letivos de 2008/2009 e 2013/2014.

Unidade Curricular	Código FCUL	ECTS	ciclo	Anos Letivos											
				2008/2009			2009/2010			2010/2011			2011/2012		
				T	TP	Nº	T	TP	Nº	T	TP	Nº	T	TP	Nº
Biologia Evolutiva	66510	6	Licenciatura	1.5	3.5	53	1.5	3.5	42	1.5	3.5	40	1.5	3.5	49
Filogenética	465161	3	Mestrado	2.5	18		2.5	22		2.5	21		2.5	20	
Biologia Computacional e Genómica	465195	6	Mestrado				2	2	7	2	2	7	2	2	17
Genética Evolutiva e Doença Humana	465184	6	Mestrado	2	3	18	2	3	27	2	3	29	2	3	28
Filogeografia	465218	3	Pós-graduação							1	1.5	1			
Genética Evolutiva Humana	465157	3	Mestrado	1	1.5	19									
Investigação em Bioinformática	465193	3	Mestrado							9			13		
Biologia Computacional na Prática Biomédica	465227	3	Mestrado										12		
Aplicações Avançadas em Biologia	465203	3	Mestrado										13		
Análise Computacional da Morfologia e Dinâmica de Material Biológico	461173	3	Mestrado										5		
Serviço docente total em horas				15			16.5			19			16.5		

Nº - Número de alunos, T - Serviço docente Teórico, TP - Serviço docente teórico-prático

Quadro II – Quadro resumo do serviço docente entre os anos letivos de 2014/2015 e 2019/2020.

Unidade Curricular	Código FCUL	ECTS	ciclo	Anos Letivos											
				2014/2015			2015/2016			2016/2017			2017/2018		
				T	TP	Nº	T	TP	Nº	T	TP	Nº	T	TP	Nº
Biogeografia	66541	3	Licenciatura	2		261	2		316	2		288	2		263
Biologia Evolutiva	66510	6	Licenciatura	1.5	3.5	57	1.5	1.5	50	2	1	47	2	1.25	40
Introdução ao Tratamento de Dados	66547	6	Licenciatura				0.5	0.5	231	1.25		215	1.25		222
Filogenética	465161	3	Mestrado	2.5	22		1.5	23		1.5	20		0.5	17	
Biologia Computacional e Genómica	465195	6	Mestrado	2	2	31	2	2	30	2	2	28	2	2	22
Genética e Genómica das Alterações Ambientais	465215	6	Mestrado										2	3	22
Bioinformática Prática	465264	6	Mestrado										2		28
Projecto em Bioinformática e Biologia Computacional	465255	6	Mestrado											1	26
Genética Evolutiva e Doença Humana	465184	6	Mestrado	2	3	44	2	3	44	2	3	39			
Investigação em Bioinformática	465193	3	Mestrado			16			16			2			13
Biologia Computacional na Prática Biomédica	465227	3	Mestrado			17			15			18			
Aplicações Avançadas em Biologia	465203	3	Mestrado									18			19
Serviço docente total em horas				18.5			16.5			17			18		

Nº - Número de alunos, T - Serviço docente Teórico, TP - Serviço docente teórico-prático

Unidades curriculares de plano doutoral

Plano Doutoral de Biologia e Ecologia das Alterações Globais:

Biodiversidade, Adaptação e Alterações Globais. Unidade curricular de 6 European Credit Transfer System (ECTS), aulas teóricas: ano letivo 2012/2013, 2014/2015 e 2016/2017.

Unidades curriculares de pós-graduações e mestrados

Regências

Filogenética

Unidade curricular de 3 ECTS, aulas teórico-práticas (TPs), serviço docente variável, máximo 2,5 horas. Anos letivos de 2007/2008 a 2019/2020. Obrigatória no Mestrado em Biologia Evolutiva e Desenvolvimento e opcional no Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional. Menos de 25 alunos por curso.

O curso é ministrado num bloco de sete dias, no início do 1º semestre. Cada aula é composta por uma componente inicial teórica de duração variável seguido de uma parte TP em que os alunos realizam individualmente em computador uma série de tarefas e exercícios em estreita ligação com a parte teórica da aula.

Os objectivos da aprendizagem, a este nível de formação, estão relacionadas com a aquisição de conhecimentos específicos e operacionais de Filogenética, concretamente com a capacidade de autonomamente analisar, por vários métodos, e interpretar, resultados da análise de sequências de DNA. Pretende-se ainda estimular a curiosidade dos alunos em relação à actividade científica e promover a sua capacidade de formulação de questões.

A avaliação consiste num exame de natureza mais teórico sobre os conceitos ensinados e essenciais para o entendimento da execução prática, e um exame prático, realizado em computador, com análise de dados e sua interpretação. Os exames contribuem com 70% do valor da avaliação final. Adicionalmente são discutidos para avaliação dois artigos científicos durante o curso.

Genética e Genómica das Alterações Globais

Unidade curricular de 6 ECTS, aulas teóricas (2 horas serviço docente) e teórico-práticas (3 horas serviço docente). Ano letivo 2010/2011, Pós-graduação em Biodiversidade Adaptação Alterações Globais; 2017/2018 a 2019/2020 obrigatória no Mestrado em Biologia Evolutiva e Desenvolvimento e opcional no Mestrado em Biologia Humana e Ambiente. Menos de 30 alunos por curso.

O curso é ministrado num bloco de 3 semanas. Cada aula consiste numa componente inicial teórica de duração variável, seguida de uma parte TP em que os alunos realizam individualmente, em computador uma série de tarefas e exercícios em ligação com a parte teórica da aula, ou apresentam seminários sobre temas selecionados.

Pretende-se com este curso que os alunos adquiram conhecimentos teóricos, na área da Biologia das alterações globais, e práticos de análise de dados genéticos e genómicos aplicados ao estudo da adaptação biológica e das respostas dos organismo e espécies às alterações ambientais. Concretamente, a capacidade de autonomamente analisar, por vários métodos, e interpretar, resultados de sequências de DNA e SNPs obtidas pelas novas tecnologias de sequenciação. Pretende-se estimular a curiosidade dos alunos em relação à atividade científica e promover a sua capacidade de formulação de questões, bem como a aprendizagem de técnicas de apresentação e divulgação de resultados.

A avaliação consiste num exame prático, realizado em computador com análise de dados e sua interpretação, que vale 30% da avaliação. Adicionalmente são apresentados seminários individuais em temas selecionados e feita uma discussão entre alunos, após a apresentação de cada seminário.

Biologia Computacional e Genómica

Unidade curricular de 6 ECTS, aulas teóricas (2 horas serviço docente) e teórico-práticas (2 horas de serviço docente). Anos letivos de 2009/2010 a 2019/2020. É uma UC dedicada ao Mestrado em Bionformática e Biologia Computacional mas opcional para o Mestrado em Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento. Tem um funcionamento semanal com duas horas de aulas teóricas e duas teórico-práticas, ao longo do 1º semestre.

Na parte teórica, o curso aborda nove temas que permitem no seu conjunto dar aos alunos uma perspectiva compreensiva das novas gerações de tecnologias de sequenciação de DNA e das suas aplicações à área da genómica, transcriptómica, epigenómica e metagenómica. Na componente teórico-prática pretende-se a aquisição de conhecimentos específicos e operacionais de análise de dados genómicos, concretamente a capacidade de autonomamente analisar, por vários métodos, e interpretar, resultados da análise de sequências obtidas pelas novas tecnologias de sequenciação de DNA. Compreensão das aplicações das tecnologias genómicas e métodos de análise.

Pretende-se estimular a curiosidade dos alunos em relação à actividade científica e promover a sua capacidade de formulação de questões e a aprendizagem de técnicas de apresentação e divulgação de resultados.

A avaliação consiste num exame de natureza mais teórico e um exame prático, realizado em computador com análise de dados e sua interpretação, valendo os exames 45% da avaliação final. Adicionalmente são apresentados seminários individuais em temas selecionados e feita uma discussão entre alunos após a apresentação de cada seminário. São ainda discutidos para avaliação dois artigos científicos durante o curso.

Bioinformática Prática

Unidade curricular de 6 ECTS, aulas teóricas (0.5 horas de serviço docente) e teórico-práticas. Anos letivos de 2017/2018 a 2018/2020. É uma UC dedicada ao Mestrado em Biologia Humana e Ambiente.

O curso é ministrado num bloco de 3 semanas. Cada aula é composta por uma componente inicial teórica de duração variável seguido de uma parte TP em que os alunos realizam individualmente em computador uma série de tarefas e exercícios em ligação com a parte teórica da aula ou apresentem seminários sobre temas selecionados ou fazem a discussão de artigo científicos.

Com esta UC pretende-se dar aos alunos, com formações de primeiro ciclo muito diferentes e oriundos de diferentes escolas, uma formação transversal na área da bioinformática, numa perspetiva uniformizadora e de aplicação desta às ciências da vida. Pretende-se ainda que a formação adquirida nesta unidade curricular, na fase inicial do curso de mestrado, permita aos alunos um melhor aproveitamento dos conteúdos das restantes unidades curriculares.

A perspetiva prática deste curso fornece aos alunos um conjunto de ferramentas bioinformáticas que lhes permite fazer um melhor planeamento do projetos de investigação e subsequente análise dos resultados obtidos, assim como da sua apresentação. São transmitidos os princípios gerais do planeamento e execução de experiências científicas, seguido da análise e visualização dos respetivos dados.

A avaliação consiste num exame teórico e prático realizado em computador com análise de dados e sua interpretação que vale 60% da avaliação. A restante avaliação resulta da apresentação de seminários e da discussão de artigos científicos.

Genética Evolutiva e Doença Humana

Unidade curricular de 6 ECTS, aulas teóricas (2 horas de serviço docente) e teórico-práticas (3 horas de serviço docente). Anos letivos 2008/2009 a 2016/2017. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente e Mestrado em Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento.

Biologia Evolutiva e Doença Humana

Unidade curricular de 6 ECTS, aulas teóricas (2 horas de serviço docente) e teórico-práticas (3 horas de serviço docente). Ano letivo 2007/2008. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente.

Genética Evolutiva Humana

Unidade curricular de 3 ECTS, aulas teóricas (1 hora de serviço docente) e teórico-práticas (1.5 horas de serviço docente). Anos letivos 2007/2008 e 2008/2009. Mestrado em Biologia Evolutiva e Desenvolvimento.

Filogeografia

Unidade curricular de 3 ECTS, aulas teóricas (1 hora de serviço docente) e teórico-práticas (1.5 horas de serviço docente). Ano letivo 2010/2011. Pós-graduação em Biodiversidade Adaptação Alterações Globais.

Biodiversidade

Aulas teóricas e teórico-práticas. Anos letivos 2002/2003 e 2003/2004. Pós-graduação e mestrado em Bioinformática.

Introdução à Biologia Evolutiva

Aulas teóricas e teórico-práticas. Anos letivos 2004/2005 e 2005/2006. Pós-graduação e mestrado em Bioinformática.

Limites e expectativas em Bioinformática

Aulas teóricas. Ano letivo 2005/2006. Pós-graduação e mestrado em Bioinformática.

Biodiversidade Ambiente e Conservação

Aulas teóricas e teórico-práticas. Ano letivo 2005/2006. Mestrado em Biologia da Conservação.

Participação

Genética Populacional. Ano letivo 2003/2004 e 2005/2006, em colaboração com o docente convidado. Pós-graduação e mestrado em Bioinformática.

Filogenética e Evolução Molecular. Ano letivo 2005/2006, em colaboração com o docente convidado. Pós-graduação e mestrado em Bioinformática.

Biodiversidade e Conservação. Aulas teóricas. Anos letivos 2003/2004 e 2004/2005 módulo programático de 6 horas. Mestrado em Biologia da Conservação.

Genética de Conservação. Aulas teóricas. Ano letivo 2003/2004 módulo programático de 6 horas e 2004/2005 módulo programático de 3 horas. Mestrado em Biologia da Conservação.

Métodos Operacionais de Laboratório. Aulas teóricas. Anos letivos 2003/2004 e 2004/2005, módulo programático de 3 horas. Mestrado em Biologia da Conservação.

Métodos Operacionais de Campo. Aulas teóricas. Anos letivos 2003/2004 e 2004/2005, módulo programático de 3 horas. Mestrado em Biologia da Conservação.

Biodiversidade. Aulas teóricas. Ano letivo 2004/2005 módulo programático de 6 horas. Mestrado das Ciências da Vida e da Terra.

Unidades curriculares de licenciatura

Cursos teóricos, teórico-práticos e práticos de várias unidades curriculares dos planos curriculares da Licenciatura de Biologia da FCUL.

Regências

Biologia Evolutiva

Unidade curricular de 6 ECTS, do terceiro ano da licenciatura de Biologia, Ramo Biologia Evolutiva e Desenvolvimento, aulas teóricas (1.5 horas serviço docente) e teórico-práticas (variável em cada ano letivo, máximo de 3.5 horas de serviço docente). Anos letivos 2006/2007 a 2019/2020. Responsável desde o ano letivo 2007/2008. Unidade curricular lecionada em colaboração com Professora Margarida Matos do Departamento de Biologia Animal que assegura o 1/3 final do tempo letivo da cadeira. Entre 20 e 40 alunos por ano letivo.

Pretende-se nesta unidade curricular que os alunos adquiram não só as competências específicas ao âmbito da disciplina da Biologia Evolutiva, mas também fornecer bases teóricas e práticas que permitam vir a exercer uma actividade no âmbito da investigação na área da Biologia Evolutiva. Procura-se ainda dar competências abrangentes relacionadas com a capacidade de crítica, análise e discussão de ideias numa área em permanente evolução, cultivando o espírito científico com consequente desenvolvimento da capacidade de identificar problemas pertinentes e formulação de questões.

As aulas teóricas são essencialmente informativas, com recurso a datashow. Nas aulas teórico-práticas é administrado um ensino em salas dotadas de computadores, para que os alunos aprendam a resolver exercícios, analisar e interpretar dados de experiências de evolução em tempo real, e a realizar simulações informáticas. Os seminários consistem em apresentações individuais de um artigo científico seguidos de discussão entre alunos. A avaliação inside sobre todas estas componentes tendo os exames um peso 75% na avaliação final.

No ano letivo de 2018/2019, na primeira edição de um prémio instituído pela associação de estudantes, à minha prestação nesta UC, foi atribuído o prémio de Professor do semestre do Ramo de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento. [Certificado Professor do Semestre](#)

Biogeografia

Unidade curricular de 3 ECTS, do segundo ano do curso de Biologia, aulas teóricas (2 horas de serviço docente). Anos letivos de 2014/2015 a 2019/2020. UC transversal a todos os alunos da licenciatura, mais de 200 alunos por ano letivo, com uma hora de aulas duas vezes por semana. Tem como objectivo geral dar aos alunos, antes de eles se dividirem em ramos no 3ºano, que abordam escalas do conhecimento muito distintas, uma perspectiva alargada e compreensiva dos fenómenos biológicos à macroescala global. Avaliação por exame final.

Os conteúdos da UC, foram desenvolvidos naturalmente moldados aos interesses científicos e à área pedagógica em que trabalho, com o cuidado de minimizar a interferência com outras UC do tronco comum.

Introdução ao Tratamento de Dados

Unidade curricular de 3 ECTS, do primeiro ano do curso de Biologia, aulas teóricas e teórico-práticas (máximo de 1 hora serviço docente). Anos letivos 2015/2016 a 2018/2019. Responsável pela cadeira em alternância com Prof. Manuel Carmo-Gomes do Departamento de Biologia Vegetal e em colaboração com vários outros docentes, dada a dimensão do esforço docente da componente teórico-prática da UC, comportando mais de 200 alunos por ano letivo. A UC foi criada na reestruturação de 2014, com o objectivo de aumentar as capacidades dos alunos em usar folha de cálculo e realizar uma introdução ao R.

Genética Animal Aplicada

Unidade curricular de 6 ECTS, aulas práticas e teórico-práticas. Anos letivos 2004/2005 e 2005/2006. Responsável pela cadeira no ano letivo de 2006/2007. Entre 40 e 50 alunos por ano letivo.

Participação

Biossistemática. Aulas práticas e teórico-práticas. Anos letivos 2004/2005 e 2005/2006.

Bioinformática. Aulas teóricas e teórico-práticas. Ano letivo de 2004/2005.

Ecologia. Aulas práticas. Ano letivo 2002/2003.

Biologia Animal II. Aulas práticas. Ano letivo 2001/2002.

Ecologia Numérica. Aulas práticas. Ano letivo de 1999/2000.

Fisiologia Animal II. Aulas práticas. Anos letivos de 1992/1993 a 1995/1996.

Biologia Animal II. Aulas práticas. Ano letivo 1990/1991.

Biologia Animal I. Aulas práticas. Anos letivos de 1989/1990 e 1991/1992.

Técnicas Laboratoriais. Aulas práticas. Anos letivos de 1989/1990 a 1992/1993.

Biologia. Aulas práticas. Anos letivos 1990/1991, 2002/2003 e 2003/2004. Unidade do plano curricular da Licenciatura de Geologia da FCUL.

Outras Unidades Curriculares

Regência de unidades curriculares pertencentes ao plano Doutoral em Biologia e Ecologia das Alterações Globais.

Curso e Seminário Avançado I

Curso e Seminário Avançado II

Seminário de Tese

Regências das unidades curriculares pertencentes ao Mestrado de Bioinformática e Biologia Computacional

Inerentes à função de coordenador do mestrado

Dissertação em Bioinformática

Dissertação em Biologia Computacional

Dissertação em Bioinformática e Biologia Computacional

Projeto em Bioinformática e Biologia Computacional

Investigação em Bioinformática. Unidade curricular oferecida em colaboração com o Instituto Gulbenkian de Ciência

Biologia Computacional na Prática Biomédica. Unidade curricular oferecida em colaboração com o Instituto Gulbenkian de Ciência ou com o Instituto de Medicina Molecular

Análise Computacional da Morfologia e Dinâmica de Material Biológico. Unidade curricular oferecida em colaboração com o Instituto Gulbenkian de Ciência

Aplicações Avançadas em Biologia. Unidade curricular oferecida em colaboração com o Instituto Gulbenkian de Ciência e mais recentemente em colaboração com um investigador da FCUL para o qual foi passada a regência desde o ano letivo de 2018/2019.

Cursos de formação avançada

Os curso de formação avançada são oferecidos no âmbito da oferta pedagógica do cE3c e dirigidos em grande medida, mas não exclusivamente, para os alunos dos planos doutorais. A sua base é a UC de Filogenética e de Filogeografia respectivamente.

2019 – 12º Curso de Filogenética Prática (28 de Janeiro a 1 de Fevereiro). 5-6 ECTS. 16 alunos.

2018 – 11º Curso de Filogenética Prática (5 a 9 de Fevereiro). 5-6 ECTS. 12 alunos.

2017 – 10º Curso de Filogenética Prática (30 de Janeiro a 3 de Fevereiro). 5-6 ECTS. 18 alunos.

2016 - 8º Curso de Filogeografia Prática (4 a 8 de Julho). 5-6 ECTS. 12 alunos.

2015 – 7º Curso de Filogeografia Prática (6 a 10 de Julho). 5-6 ECTS. 14 alunos.

2015 – 9º Curso de Filogenética Prática (12 a 16 de Janeiro). 5-6 ECTS. 12 alunos.

2014 – 6º Curso de Filogeografia Prática (21 a 25 de Julho). 3 ECTS. 18 alunos.

2013 – 8º Curso de Filogenética Prática (4 a 8 de Fevereiro). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 9 alunos.

2012 – 7º Curso de Filogenética Prática (25 a 29 de Junho). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 8 alunos.

2012 – 4º Curso de Filogeografia Prática (20 a 24 de Fevereiro). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 15 alunos.

2012 – 6º Curso de Filogenética Prática (23 a 27 de Janeiro). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 9 alunos

2011 – 5º Curso de Filogenética Prática (18 a 22 de Julho). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 12 alunos

2011 – 3º Curso de Filogeografia Prática (20 a 24 de Junho). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 16 alunos

2011 – 4º Curso de Filogenética Prática (24 a 28 de Janeiro). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 13 alunos

2010 – 2º Curso de Filogeografia Prática (13 a 17 de Setembro). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 15 alunos

2010 – 3º Curso de Filogenética Prática (22 a 26 de Fevereiro). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 23 alunos

2010 – 1º Curso de Filogeografia Prática (25 a 29 de Janeiro). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 28 alunos

2009 – 2º Curso de Filogenética Prática (4 a 8 de Maio). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 16 alunos

2009 – 1º Curso de Filogenética Prática (9 a 13 de Fevereiro). 3 ECTS, 30 horas de contacto. 20 alunos

Outros Cursos

No ano de 2017 e 2018 foi realizado um curso de Genética de Conservação no âmbito do Mestrado numa colaboração entre a Universidade de Lisboa e um consórcio de Universidades Moçambicanas no Parque Nacional da Gorongosa em Moçambique.

Nos anos de 2016 e 2018 houve lugar à participação num módulo de Expressão Génica no Mestrado de Biotecnologia da Universidade Eduardo Mondlane em Maputo, Moçambique.

Qualidade das atividades profissionais relacionadas com a docência

Nesta secção são apresentados os resultados dos inquéritos pedagógicos realizados pela FCUL nos anos letivos 2013/2014, 2014/2015, 2015/2016, 2017/2018 e 2018/2019. Para os dois anos letivos mais recentes, com dados disponíveis, são apresentados os inquéritos sobre o docente para um conjunto de unidades curriculares, nomeadamente: Biologia Evolutiva (Quadro III e IV), Biogeografia (Quadro V e VI), Biologia Computacional e Genómica (Quadro VII e VIII), Filogenética (Quadro IX), Genética e Genómica das Alterações Ambientais (Quadro X). Para estas duas últimas UCs os dados de 2017/2018 em número reduzido e por isso não foram considerados. Considerando os resultados globais, é de salientar que mais de 50% dos alunos tem uma apreciação global do docente de nível 5 (excelente) e que mais de 85% dos alunos que manifestam opinião, atribui nível 4 ou 5 (muito bom ou excelente) para o último ano letivo de que há dados disponíveis (Figura 1). Para os restantes anos letivos os resultados são apresentados graficamente (Figuras 2 a 6) e numa escala diferente de 1 (mau) a 4 (excelente) de acordo com a informação disponibilizada pela FCUL.

Quadro III – Resultados dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2018/2019, Biologia Evolutiva.
(1 mau- 5 excelente, NS/NR não sabe não responde, NA – Ausência de informação)

	O Docente expôs a matéria com clareza nas aulas?	O docente respondeu com clareza às questões colocadas nas aulas?	O docente organizou adequadamente as aulas e fez boa gestão do tempo?	O docente esteve acessível para contactos e apoio fora das aulas?	Existiu bom relacionamento pedagógico entre o docente e os alunos?	Indique-nos qual a sua apreciação global sobre o docente
1	0	0	0	1	0	0
2	0	1	0	0	0	0
3	2	2	2	2	1	2
4	11	9	12	7	5	9
5	20	21	18	17	25	22
NS/NR	0	0	1	6	2	0
NA	4	4	4	4	4	4
Respostas	37	37	37	37	37	37

Quadro IV – Resultados dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2017/2018, Biologia Evolutiva.
(1 mau- 5 excelente, NS/NR não sabe não responde, NA – Ausência de informação)

	O Docente expôs a matéria com clareza nas aulas?	O docente respondeu com clareza às questões colocadas nas aulas?	O docente organizou adequadamente as aulas e fez boa gestão do tempo?	O docente esteve acessível para contactos e apoio fora das aulas?	Existiu bom relacionamento pedagógico entre o docente e os alunos?	Indique-nos qual a sua apreciação global sobre o docente
1	0	0	0	0	0	0
2	0	0	0	0	0	0
3	2	3	3	3	1	1
4	14	14	16	13	14	17
5	13	12	10	11	14	12
NS/NR	5	5	5	7	5	4
NA	2	2	2	2	2	2
Respostas	36	36	36	36	36	36

Quadro V – Resultados dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2018/2019, Biogeografia.
(1 mau- 5 excelente, NS/NR não sabe não responde, NA – Ausência de informação)

	O Docente expôs a matéria com clareza nas aulas?	O docente respondeu com clareza às questões colocadas nas aulas?	O docente organizou adequadamente as aulas e fez boa gestão do tempo?	O docente esteve acessível para contactos e apoio fora das aulas?	Existiu bom relacionamento pedagógico entre o docente e os alunos?	Indique-nos qual a sua apreciação global sobre o docente
1	2	2	2	2	2	2
2	2	2	3	2	1	1
3	32	24	30	21	21	27
4	70	70	61	46	69	76
5	105	113	112	82	114	105
NS/NR	27	27	30	85	31	27
NA	18	18	18	18	18	18
Respostas	256	256	256	256	256	256

Quadro VI – Resultados dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2017/2018, Biogeografia.
(1 mau- 5 excelente, NS/NR não sabe não responde, NA – Ausência de informação)

	O Docente expôs a matéria com clareza nas aulas?	O docente respondeu com clareza às questões colocadas nas aulas?	O docente organizou adequadamente as aulas e fez boa gestão do tempo?	O docente esteve acessível para contactos e apoio fora das aulas?	Existiu bom relacionamento pedagógico entre o docente e os alunos?	Indique-nos qual a sua apreciação global sobre o docente
1	5	4	4	5	4	5
2	10	8	7	5	6	9
3	56	45	50	29	40	53
4	79	80	78	49	85	92
5	56	67	61	47	59	48
NS/NR	34	36	39	104	45	32
NA	10	10	11	11	11	11
Respostas	250	250	250	250	250	250

Quadro VII – Resultados dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2018/2019, Biologia Computacional e Genómica. (1 mau- 5 excelente, NS/NR não sabe não responde, NA – Ausência de informação)

	O Docente expôs a matéria com clareza nas aulas?	O docente respondeu com clareza às questões colocadas nas aulas?	O docente organizou adequadamente as aulas e fez boa gestão do tempo?	O docente esteve acessível para contactos e apoio fora das aulas?	Existiu bom relacionamento pedagógico entre o docente e os alunos?	Indique-nos qual a sua apreciação global sobre o docente
1	2	2	2	0	0	2
2	0	0	1	0	1	0
3	4	5	5	3	2	3
4	7	5	7	9	6	8
5	3	4	1	3	7	3
NS/NR	0	0	0	1	0	0
NA	1	1	1	1	1	1
Respostas	17	17	17	17	17	17

Quadro VIII – Resultados dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2017/2018, Biologia Computacional e Genómica. (1 mau- 5 excelente, NS/NR não sabe não responde, NA – Ausência de informação)

	O Docente expôs a matéria com clareza nas aulas?	O docente respondeu com clareza às questões colocadas nas aulas?	O docente organizou adequadamente as aulas e fez boa gestão do tempo?	O docente esteve acessível para contactos e apoio fora das aulas?	Existiu bom relacionamento pedagógico entre o docente e os alunos?	Indique-nos qual a sua apreciação global sobre o docente
1	0	0	1	0	0	0
2	1	1	0	0	0	0
3	2	5	11	4	2	5
4	13	9	5	10	11	11
5	2	3	1	3	5	2
NS/NR	0	0	0	0	0	0
NA	3	3	3	4	3	3
Respostas	21	21	21	21	21	21

Quadro IX – Resultados dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2018/2019, Filogenética.
(1 mau- 5 excelente, NS/NR não sabe não responde, NA – Ausência de informação)

	O Docente expôs a matéria com clareza nas aulas?	O docente respondeu com clareza às questões colocadas nas aulas?	O docente organizou adequadamente as aulas e fez boa gestão do tempo?	O docente esteve acessível para contactos e apoio fora das aulas?	Existiu bom relacionamento pedagógico entre o docente e os alunos?	Indique-nos qual a sua apreciação global sobre o docente
1	0	0	0	0	0	0
2	0	0	0	0	0	0
3	0	0	1	0	0	0
4	2	4	1	3	1	2
5	15	13	14	10	16	15
NS/NR	0	0	1	4	0	0
NA	3	3	3	3	3	3
Respostas	20	20	20	20	20	20

Quadro X – Resultados dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2018/2019, Genética e Genómica das Alterações Ambientais. (1 mau - 5 excelente, NS/NR não sabe não responde, NA – Ausência de informação)

	O Docente expôs a matéria com clareza nas aulas?	O docente respondeu com clareza às questões colocadas nas aulas?	O docente organizou adequadamente as aulas e fez boa gestão do tempo?	O docente esteve acessível para contactos e apoio fora das aulas?	Existiu bom relacionamento pedagógico entre o docente e os alunos?	Indique-nos qual a sua apreciação global sobre o docente
1	0	0	0	0	0	0
2	0	0	0	0	0	0
3	0	0	3	0	0	0
4	3	2	2	3	0	1
5	8	9	6	8	11	10
NS/NR	0	0	0	0	0	0
NA	2	2	2	2	2	2
Respostas	13	13	13	13	13	13

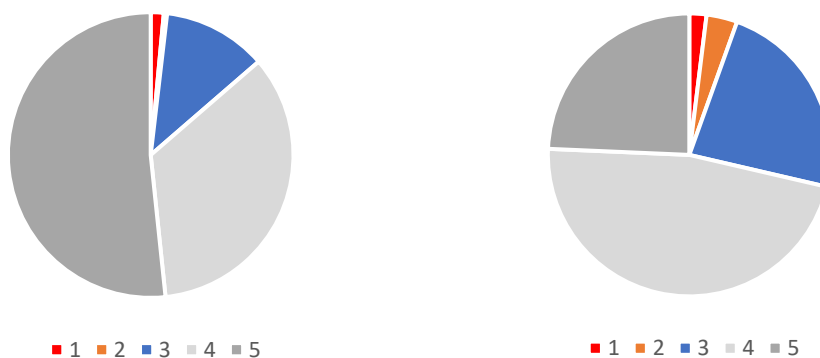


Figura 1 – Resultados globais dos inquéritos pedagógicos do ano letivo 2018/2019 (esquerda) e 2017/2018 (direita). Apreciação Global do docente (1 mau- 5 excelente)

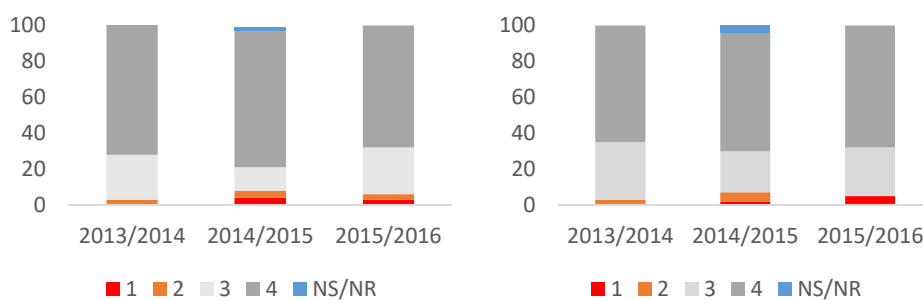


Figura 2 – Resultados em percentagem dos inquéritos pedagógicos dos anos letivos 2013 a 2016. Apreciação Global do docente em Biologia Evolutiva (Teórica – esquerda, Teórico-prática direita) (1 mau - 4 excelente)

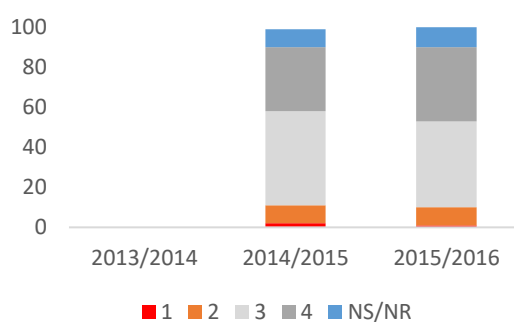


Figura 3 – Resultados em percentagem dos inquéritos pedagógicos dos anos letivos 2013 a 2016. Apreciação Global do docente em Biogeografia (1 mau - 4 excelente)

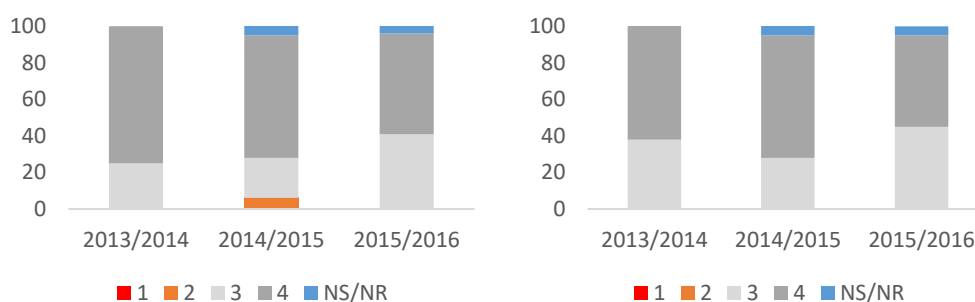


Figura 4 – Resultados em percentagem dos inquéritos pedagógicos dos anos letivos de 2013 a 2016. Apreciação Global do docente em Biologia Computacional e Genómica (Teórica – esquerda, Teórico-prática direita) (1 mau - 4 excelente)

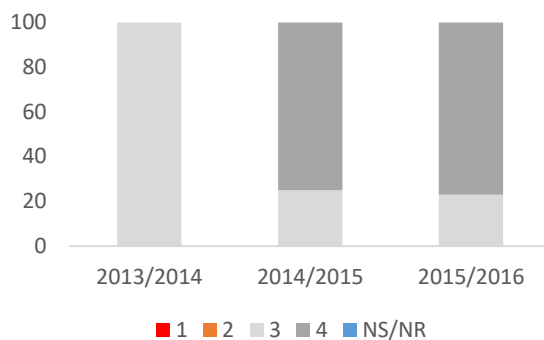


Figura 5 – Resultados em percentagem dos inquéritos pedagógicos dos anos letivos 2013 a 2016. Apreciação Global do docente em Filogenética (1 mau - 4 excelente)

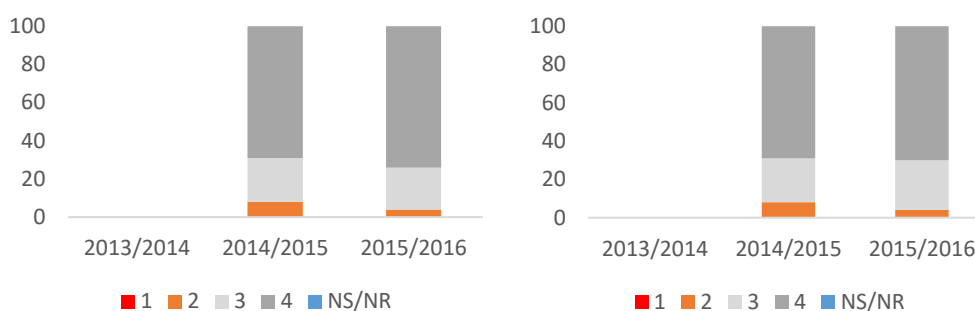


Figura 6 – Resultados em percentagem dos inquéritos pedagógicos dos anos letivos de 2013 a 2016. Apreciação Global do docente em Genética Evolutiva e Doença Humana (Teórica – esquerda, Teórico-prática direita) (1 mau - 4 excelente)

Materiais Pedagógicos

Aplicações informáticas

Esta secção repete a informação da secção “Inovação”

Na UC de Filogenética é utilizada uma aplicação informática denominada Concatenator que foi desenvolvida em grande medida para facilitar as tarefas de investigação e ensino. Esta aplicação possibilita, de forma simplificada, a conversão de formatos de ficheiros utilizados em análise filogenética. A aplicação bioinformática foi publicada no artigo:

Pina-Martins F, Paulo OS. 2008. CONCATENATOR: sequence data matrices handling made easy. *Molecular Ecology Resources* 8:1254-1255. Doi: 10.1111/j.1755-0998.2008.02164.x

Também a aplicação NCBI Mass Sequence Downloader tem sido ocasionalmente utilizada na UC de Filogenética e foi publicada no artigo:

Pina-Martins F, Paulo OS. 2016. NCBI Mass Sequence Downloader—Large dataset downloading made easy. *SoftwareX* :10-13. Doi: 10.1016/j.softx.2016.04.007

Na UC de Genética e Genómica das Alterações Ambientais tem sido utilizado a aplicação informática *Structure_threader*, como forma expedita de implementar funcionalidades complexas de análise da estrutura populacional.

Pina-Martins F, Silva DN, Fino J, Paulo OS. 2017. *Structure_threader*: An improved method for automation and parallelization of programs *structure*, *fastStructure* and *MaverickK* on multicore CPU systems. *Molecular Ecology Resources*:268–274. Doi: 10.1111/1755-0998.12702.

Inovação Pedagógica

Nesta secção são identificadas as contribuições dadas para a criação ou reestruturação de grupos de unidades curriculares, ou de planos de estudos, e da interligação entre estes dois acontecimentos. Estas contribuições só foram possíveis graças a iniciativas pedagógicas realizadas em momentos oportunos e com propostas fundamentadas, cujos detalhes ultrapassam o propósito deste documento.

São ainda recenseados os momentos de criação ou reforço de infraestruturas laboratoriais de apoio ao ensino quer de natureza experimental, quer computacional.

Na última secção são mencionadas novas iniciativas pedagógicas a serem propostas no processo de reavaliação dos mestrado a decorrer em 2020 pela A3ES.

Criação ou reestruturação de planos de estudo

Na qualidade de Professor Auxiliar participei em vários momentos com carácter estruturante na definição da oferta pedagógica do DBA enquanto unidade da FCUL. Realço a reestruturação do curso de Biologia de 2002/2003 por ter sido a primeira em que participei enquanto membro doutorado; a segunda e a mais importante que foi a reestruturação 2006/2007, conhecida como a adequação da estrutura curricular a “Bolonha”; (Decreto-Lei nº 74/2006 de 24 de Março) e a terceira e a mais recente de 2014/2015 em que tive particular intervenção na qualidade de Vice-presidente do DBA.

A segunda reestruturação é fundamental na definição da estratégia pedagógica do DBA enquanto parte da FCUL. O adequação ao “processo Bolonha” revolucionou a estrutura curricular do curso de Biologia da FCUL permitindo o surgimento de licenciaturas de 3 anos com mestrados independentes de 2 anos. O primeiro ciclo, agora de 3 anos, manteve um “tronco comum” de dois anos, isto é, todos os alunos que entram para o curso de Biologia da FCUL tem as mesmas unidades curriculares nos dois primeiros anos, a que se segue um terceiro ano com “ramos” opcionais. Foram criados originalmente cinco ramos, a saber: Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, Ramo Biologia Ambiental, Ramo Celular e Biotecnologia, Ramo Molecular e Genética, e o Ramo Funcional e de Sistemas, posteriormente reduzidos a quatro por supressão deste último. Os dois primeiros são da responsabilidade do DBA e os dois últimos do Departamento de Biologia Vegetal.

O DBA aproveitou esta reestruturação para criar cinco novos mestrados: Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, Biologia da Conservação, Biologia Humana e Ambiente e Biologia Marinha, Ecologia e Gestão Ambiental, substituindo no processo os dois mestrados pré-Bolonha.

Tive uma participação ativa no processo de criação dos Ramos sobretudo no de Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, ficando responsável por uma UC estruturante do Ramo, a UC de Biologia Evolutiva. Participei também ativamente na criação do Mestrado de Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento e Mestrado Biologia Humana e Ambiente para os quais criei de raiz as UCs de Filogenética e Genética Evolutiva Humana, para o primeiro, e Biologia Evolutiva e Doença Humana para o segundo.

Simultaneamente fui responsável pela criação do mestrado de Bioinformática e Biologia Computacional. Este mestrado viria a suceder à pós-graduação em Bioinformática da FCUL em colaboração com o Instituto Gulbenkian de Ciência, e ao Mestrado em Bioinformática da FCUL, de que fui coordenador desde 2004. Tratou-se de criar um mestrado

interdepartamental da FCUL da responsabilidade dos Departamentos de Biologia (Animal e Vegetal).

Este mestrado teve uma conceção distinta dos restantes mestrado do Departamento. Na sua génese está a ideia de que os alunos devem poder construir o seu *curricula* de acordo com as suas preferências individuais, de acordo com os seus objetivos de formação. Balizados pelo número máximo de ECTS que podem realizar por semestre, podem escolher livremente qualquer combinação de UC oferecidas pelo mestrado, desde que os seus horários sejam compatíveis. Esta “personalização” do *curricula* tem sido importante para atrair alunos com perfis de formação de 1º ciclo muito distintos e, mais recentemente, Mestres e Doutorados que vêm fazer formação na área do Mestrado. O carácter distinto desta estrutura em relação às restantes do Departamento é a expressão da minha forma de entender o ensino do 2º ciclo.

Na qualidade de Vice-presidente do DBA, participei, no terceiro momento de reestruturação curricular. Não tendo este momento a importância da anterior, permitiu refinar a oferta pedagógica do 1º ciclo. Destaco os seguintes aspetos que me parecem mais relevantes: a) a introdução da unidade curricular de Biogeografia no 2º ano da licenciatura de Biologia; b) a separação em duas unidades letivas distintas de Biologia Molecular e de Genética como unidades curriculares de licenciatura; c) a introdução de duas novas unidades curriculares denominadas Introdução ao Tratamento de Dados e Introdução ao Processamento de Dados, a primeira da responsabilidade conjunta dos Departamentos de Biologia e a segunda da responsabilidade do Departamento de Informática.

Realço estas duas últimas UCs pois elas representam a introdução ao nível do 1º ciclo de ferramentas essenciais para a Biologia contemporânea, nomeadamente, a linguagem Python, R e Linux/UNIX.

Também na qualidade de Vice-presidente do DBA participei no processo de avaliação dos mestrados do Departamento. Realço a contribuição para o Mestrado de Biologia Humana e Ambiente com a criação de dois ramos com formação alternativa, através da introdução de algumas UC opcionais. Um dos ramos foi vocacionado mais para a área Ambiental e outro para a área Biomédica. Foi também neste processo de avaliação que foi criada a UC de Bioinformática Prática, que se tem revelado estruturante na formação dos alunos deste mestrado. No mestrado de Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento a UCs de Genética e Evolutiva e Doença Humana foi substituída pela Genética e Genómica das Alterações Ambientais, para um melhor ajustamento à minha área pedagógica e científica e, por conseguinte, à formação dos alunos.

Criação ou reestruturação de unidades curriculares

Enquanto Professor-Auxiliar do DBA, criei as seguintes UCs pelas quais sou responsável e que estão atualmente em funcionamento, detalhes sobre cada UC pode ser encontrado na secção da Docência deste documento:

2º ciclo

Filogenética

Genética e Genómica das Alterações Ambientais

Biologia Computacional e Genómica

Bioinformática Prática

Projeto em Bioinformática e Biologia Computacional

1º ciclo

Biologia Evolutiva

Biogeografia

UCs criadas de que fui responsável mas atualmente fui substituído nessa função ou a UC foi entretanto desativada.

3ºciclo

Biodiversidade, Adaptação e Alterações Globais.

2º ciclo

Genética Evolutiva e Doença Humana. Desativada

Biologia Evolutiva e Doença Humana. Deu origem à UC Genética Evolutiva e Doença Humana. Mestrado de Biologia Humana e Ambiente.

Genética Evolutiva Humana. Deu origem à UC Genética Evolutiva e Doença Humana. Mestrado de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento.

Aplicações Avançadas e Biologia. Regência transferida

Filogeografia. Desativada

Biodiversidade. Desativada

Introdução à Biologia Evolutiva. Desativada

Limites e expectativas em Bioinformática. Desativada

Biodiversidade Ambiente e Conservação. Desativada

1ºciclo

Introdução ao Tratamento de Dados. Regência transferida

Fui ainda responsável durante um ano letivo da UC Genética Animal Aplicada em substituição do docente em sabática.

Criação ou reforço de infraestruturas laboratoriais

Enquanto responsável pelo grupo de investigação, promovi a criação de uma unidade de bioinformática para análise de dados genómicos resultantes das novas gerações de tecnologias de sequenciação de DNA. Esta unidade é atualmente composta por 4 High Performance Computers (HPCs) sediados no centro de informática do Edifício C1 da FCUL. Esta infraestrutura permite ao grupo uma utilização diária e não restrita de HPCs através de terminais remotos. Esta infraestrutura é essencial para o trabalho de investigação do grupo, mas também para a utilização pelo alunos dos cursos de Biologia Computacional e Genómica e, Genética e Genómica das Alterações Ambientais. Conseguiu-se desta forma articular a infraestrutura informática entre o ensino e investigação, e neste contexto usar as aplicações bioinformáticas desenvolvidas pelo grupo como parte integrante do processo de ensino e investigação.

Corresponsável pela criação do laboratório de genética de conservação no edifício C2 em 1997, ao abrigo do projeto “Genética da Conservação de Espécies Ameaçadas de vertebrados Inferiores”, PRAXIS XXI, JNICT 1996/1998 da responsabilidade científica do Professor Catedrático Eduardo G. Crespo. Este laboratório viria a desaparecer fisicamente

com a obras de renovação do Edifício C2 e a ser integrado na nova infraestrutura laboratorial departamental, então criada e denominada Laboratório de Genética.

Fui corresponsável pela criação e atualmente sou corresponsável pelo funcionamento do Laboratório de Genética do Edifício C2 da FCUL. Este laboratório cumpre a função de ser um laboratório de ensino e investigação, quer para aulas demonstrativas ou pequenos projetos do 1º ciclo, quer para trabalhos de mestrado e doutoramento.

Novas iniciativas pedagógicas

Mestrado de Biologia Humana e Ambiente

Proposta de criação de nova unidade curricular para o mestrado de Biologia Humana e Ambiente.

No último processo de avaliação deste mestrado foi criada a UC de Bioinformática prática (BP), descrita anteriormente e que se tem revelado estruturante na formação dos alunos deste mestrado. Adicionalmente foram também criados dois ramos com formação alternativa, através de UC opcionais. Um dos ramos está mais vocacionado para a área Ambiental e outro para a área Humana/Biomédica. Parece-me que a oferta pedagógica do ramo ambiental pode ser aperfeiçoada pela criação de uma nova UC que permitisse uma pedagogia mais prática e de articulação entre outras UC do 1 semestre do Mestrado.

Seria uma UC de 6 ECTS para a qual contribuiriam vários docentes/investigadores com valências diferentes e que decorreria durante o 1 semestre letivo, num período intensivo de 3 semanas, à qual os alunos estariam dedicados exclusivamente e que teria como objetivos:

- 1) Aplicação dos conhecimentos sobre desenho experimental/amostral lecionados na UC de BP.
- 2) Aprender e implementar na prática as técnicas de amostragem aprendidas durante o curso, sobretudo dirigidas a artrópodes e anfíbios em meio aquático.
- 3) Processamento das amostras obtidas e identificação e contagem dos organismos amostrados.

- 4) Aplicação dos métodos de análise aprendidos em BP para analisar a diversidade específica das amostras.
- 5) Preparação das amostras para a UC de Ecotoxicologia a ser ministrada posteriormente no semestre.
- 6) Aprendizagem de técnicas de Biologia Molecular, como a extração de DNA e sequenciação Sanger de genes mitocondriais e nucleares.
- 7) Pré-processamento das sequências de DNA e preparação de matrizes de dados a serem analisados na UC de Genética e Genômica das Alterações Ambientais

Esta UC teria como objetivo tornar o ramo ambiental mais funcional e atrativo permitindo aos alunos ter experiência prática de campo e de laboratório e articular com os conhecimentos adquiridos ou a adquirir nas outras UC deste Mestrado.

Mestrado de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento

À semelhança do que foi implementado na última avaliação do Mestrado de Biologia Humana e Ambiente, também em meu entender o Mestrado de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento beneficiaria da criação de ramos alternativos, com um conjunto de cadeiras comuns e algumas opcionais. Um ramo que fosse mais atrativo para alunos de forte vocação na área do Desenvolvimento e outro mais dedicado aos alunos com maior propensão para assuntos evolutivos. É neste contexto que pretendo fazer uma nova contribuição pedagógica, a ser materializada no novo processo de avaliação pela A3ES em 2020. Assim, proponho a criação de uma nova UC com a denominação de Filogenómica, que teria 6 ECTS e resultaria da expansão da UC Filogenética, atualmente com 3 ECTS, substituindo-a. A UC de Filogenética está presente no mestrado desde a sua génese. Na ocasião da sua criação, há mais de 10 anos, o programa da UC filogenética representava o estado da arte do que se fazia em análise filogenética de sequências de DNA, utilizando o melhor software disponível, os algoritmos mais avançados e as metodologias de ensino capazes de intervalo de tempo de uma semana e meia, ensinar os alunos a implementarem e interpretarem autonomamente árvores filogenéticas.

Atualmente e como consequência do grande desenvolvimento das tecnologias de sequenciação, houve uma sofisticação da análise de grandes volumes de sequências de DNA que a UC não teve, na prática, a possibilidades de acompanhar devido, a limitações na duração temporal do curso. A matéria dada no curso de filogenética, não pode simplesmente

ser substituída, pois é necessária para o entendimento e análise mais avançada dos dados. Portanto a transformação, de um curso de filogenética num curso de filogenómica por aumento dos ECTS de 3 para 6 parece ser a solução adequada.

Mestrado de Bioinformática e Biologia Computacional

O mestrado de Bioinformática e Biologia Computacional tem na sua génese a ideia de que os alunos devem poder construir o seu *curricula* de acordo com as suas preferências individuais e que podem escolher livremente qualquer combinação de UC, elencadas pela legislação de criação do mestrado. Contudo, pareceu razoável aquando da criação do mestrado que a cada perfil de entrada, nomeadamente os alunos com 1º ciclo nas Ciências da Vida, na Informática e noutras ciências (física, estatística etc.) correspondesse uma formação complementar da sua, a ser administrada durante o primeiro semestre do ano curricular. Assim, os alunos de um dado perfil teriam subconjuntos de cadeiras à escolha, de formação complementar à sua, num total 18 dos 30 ECTS do primeiro semestre. Por lapso administrativo, no processo de avaliação de 2014 esta obrigatoriedade desapareceu e deveria, em meu entender, ser retomada no próximo processo de avaliação. Enquanto atual coordenador do mestrado pugnarei para que tal seja reintroduzido aquando do processo de avaliação pela A3ES.

Orientação

Nesta secção é apresentada experiência enquanto supervisor/orientador de Pós-doutorados, estudantes de Doutoramento e Mestrado, estagiários de licenciatura, estudantes de pós-graduação, bolseiros de investigação e estagiários pedagógicos.

Supervisão de bolseiros de pós-doutoramento

Filipa Isabel de Almeida Monteiro, SFRH/BPD/114664/2016, 2017/presente. Unveiling the genetic potential of Portuguese wild Sugar Beet relatives for abiotic stress tolerance. Em cossupervisão com a Professora Vanda Viegas, ISA/UL e Professora Maria Romeiras ISA/UL.

Sofia Seabra, FCT SFRH/BPD/108413/2015, 2016/2019. Impact of commercial pollinators in native species – introgression patterns and parasite prevalence in bumblebees. Em cossupervisão com a Professora Elisabete Figueiredo, ISA/UL.

Andrea Chizzotti Cusatis, Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior – CAPES, processo nº 99999.006171/2014-01. 2015/2017. Variabilidade genética por marcadores moleculares em populações de *Quercus rotundifolia* (L.).

Dora Batista, FCT SFRH/BPD/104629/2014, 2015/2019. Adaptive evolution in devastating coffee fungal pathogens: an approach aiming to contribute for sustainable disease control.

Andreia Figueiredo, FCT SFRH/BPD/99712/2014, 2016/2016. Assigning a role for grapevine subtilisin-like proteases in pathogen recognition and immune priming. Em cossupervisão com o Professor Rui Malhó, BioISI/UL.

Sofia Seabra, FCT SFRH/BPD/26365/2005, 2007/2013, How pervasive is the effect of local adaptation in the genome of polymorphic populations? Em cossupervisão com o Professor JA Quartau, cE3c/UL.

Pedro L. Moreira, FCT SFRH/BPD/36028/2007, 2008/2011. Genetic benefits from promiscuity and sperm selection in female Iberian rock lizards.

Dora Batista, FCT SFRH/ BPD/20972/2004, Abril de 2009 a Julho de 2009. Assessment of the genetic resources of chestnut and cork oak in Portugal from a joint perspective of neutral and adaptive variation. Interrompida porque a postdoc foi contratado no âmbito do Programa Ciência.

Dora Batista, FCT SFRH/ BPD/20972/2004, 2008/2009 (até Abril 2009). Seleção de marcas moleculares e identificação de regiões genómicas associadas a características de resistência à doença da tinta e ao cancro do Castanheiro. Em cossupervisão com a Doutora Rita Costa da Estação Florestal Nacional.

Pedro L. Moreira, FCT SFRH/BPD/14939/2004, 2004/2007. Mechanisms and functions of sperm competition in the Iberian rock lizard (*Lacerta monticola*). Em cossupervisão com o Doutor José Martín do Departamento de Ecología Evolutiva, Museu Nacional de Ciencias Naturales, Espanha.

Pedro Aragon, FCT SFRH/BPD/20758/2004, 2005/2005. Factors affecting the evolution of mating systems: the Iberian rock-lizard (*Lacerta monticola*) as a model organism. Interrompida pelo postdoc ter sido contrato em Espanha.

Orientação de teses de doutoramento

Foram concluídas três teses de doutoramento como orientador principal, três outras como coorientador, uma delas no Reino Unido. Atualmente oriento três teses e cooriento uma quarta. Para dar a dimensão do impacto científico das teses, são indicadas abreviadamente as publicações, quartil e citações dos artigos científicos daí resultantes. A referência completa do artigo encontra-se na secção Publicações.

Ana Filipa Paulino, FCT – SFRH/BD/145383/2019, 2020/em curso na FCUL, orientador. Molecular Markers associated to the cynaropicrin trait in portuguese cardoon population. Em coorientação com as Dra. Liliana Bota Marum e Maria de Fátima Duarte do CEBAL e ICAAM.

Sara Ema Graça da Silva, FCT - PD/BD/113548/2015, 2016/em curso na FCUL, orientador. Unravelling patterns of population structure and environmental adaptation in Iberian bumblebees: an ecological genomic approach. Em coorientação com a Professora Luísa Carvalheiro, Universidade Federal de Goiás.

(Seabra et al. 2019 - Web of Science 2018 IF:5.038, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 1)

(Silva et al. 2019 - Web of Science 2018 IF: 2.203, Q3 Evolutionary Biology, nº cit. 0)

Raquel Gonçalves Mendes FCT - PD/BD/106040/2015, 2016/em curso na FCUL, coorientador. Mechanisms promoting diversity and speciation of western Mediterranean cicadas: a multidisciplinary analysis using phenotypic, genetic and ecological data. Orientação com a Professora Paula Simões, cE3c/DBA, Universidade Lisboa.

Eduardo M. Marabuto, FCT SFRH/BD/102801/2014, 2015/em curso na FCUL, orientador. From the past to the future. Phylogeographical and speciation patterns in Atlanto-Mediterranean Butterflies and the definition of hotspots of biodiversity in the context of global change.

Beatriz Cartagena, CAPES Doutoramento Sanduiche BEX5551/14-5, 2014-2015. Doutoramento no Programa de Pós-graduação em Biologia Ambiental, da Universidade Federal do Pará. A Filogeografia de *Sphoeroides testudineus* (Tetraodontiformes: Tetraodontidae) como reflexo de sua estruturação genética. Orientação de Horácio Schneider e Iracilda Sampaio, Universidade Federal do Pará.

Ana Vieira, FCT SFRH/BD/89397/2012, 2012/2018, coorientador. Unraveling the genomics of adaptation of *Colletotrichum kahawae* to *Coffea arabica*. Orientação Dora Batista CIFIC/IICT e cE3c.

(Vieira et al. 2016 - Web of Science IF: 2.806, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 8)

(Vieira et al. 2018 - Web of Science IF: 4.379, Q1 Plant Sciences, nº cit. 2)

(Vieira et al. 2019 - Web of Science 2018 IF: 4.259, Q1 Microbiology, nº cit. 0)

Diogo Silva, FCT SFRH/BD/89397/2012, 2012/2018, coorientador. Genome wide approach to understand the evolution of virulence in the rust pathogen *Hemileia vastatrix* at macro- and micro-evolutionary scales. Orientação Dora Batista CIFIC/IICT e cE3c.

(Silva et al. 2015 - Web of Science IF: 3.057, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 6)

(Silva et al. 2018 - Web of Science IF: 4.379, Q1 Plant Sciences, nº cit. 5)

Francisco Pina-Martins, FCT SFRH/BD/51411/2011, 2012/2017, orientador. Analyses of the genomic variation to study the Cork Oak evolution and adaptation: from past to future climatic changes. Em coorientação com Georgios Pappas Universidade Católica de Brasília EMBRAPA.

Esta tese recebeu os prémios "Prémio de Doutoramento em Ecologia 2019" atribuído pela Sociedade Portuguesa de Ecologia e "Prémio FCIências.ID", pela excelência da tese de Doutoramento no domínio de investigação das Ciências e Tecnologias da Vida e da Saúde.

(Pina-Martins et al. 2016 - Web of Science IF: 2.448, Q1 Mathematical and Computational Biology, nº cit. 1)

(Pina-Martins and Paulo 2016 - Scopus CiteScore 4.43, Q1 Software)

(Pina-Martins et al. 2017 - Web of Science IF: 7.059, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 10)

(Pina-Martins et al. 2019 - Web of Science 2018 IF 8.880, Q1 Biodiversity Conservation, nº cit. 2)

Ana Sofia Rodrigues, FCT SFRH/BD/73879/2010, 2012/2016, orientador. Genetic Basis of Colour Polymorphism in *Philaenus* species. Em coorientação com a Doutora Sofia Seabra cE3c/Universidade de Lisboa e Chris Jiggins, University of Cambridge.

(Rodrigues et al. 2014 - Web of Science IF: 3.234, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 4)

(Silva et al. 2015 - Web of Science IF: 1.687, Q1 Entomology, nº cit. 4)

(Rodrigues et al. 2016 - Web of Science IF: 2.266, Q3 Genetics & Heredity, nº cit. 4))

Carla A. Ribeiro, FCT SFRH/BD/68670/2010, não concluída. Genome Scan and Candidate Gene approach for the study of adaptive genetic variation in Cork Oak. Orientação com Dr. Dora Batista CEFI/IICT

Vera L. Nunes, FCT SFRH/BD/21306/2005, 2006/2011, orientador. Speciation in spatially structured populations: identifying genes responsible for local adaptation. Em coordenação com o Doutor Mark Beaumont, University of Reading e Professor Roger Butlin, University of Sheffield.

(Nunes et al. 2011a - Web of Science IF: 5.522, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 40)

(Nunes et al. 2011b - Web of Science IF: 3.276, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 16)

(Nunes et al. 2012 - Web of Science IF: 4.110, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 13)

Mário Pulquério, FCT SFRH/DB/17548/2004, não concluída. Phylogeography of Mediterranean species: assessing both the evidence and the uncertainty. Em coordenação com o Professor Richard Nichols, Queen Mary, University of London.

Andreia A. Miraldo, FCT SFRH/BD/16996/2004, 2005/2009, coorientador. Phylogeography and population dynamics of secondary contact zones of *Lacerta lepida* in the Iberian Peninsula. Orientação Doutor Brent Emerson University of East Anglia.

(Miraldo et al. 2011 - Web of Science IF: 3.521, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 45)

(Miraldo et al. 2012 - Web of Science IF: 6.275, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 20)

(Miraldo et al. 2013 - Web of Science IF: 1.910, Q3 Evolutionary Biology, nº cit. 9)

Acompanhamento de teses de doutoramento

Inês Modesto, comissão de acompanhamento, “Molecular defense response of pine trees (*Pinus* spp.) to the parasitic nematode *Bursaphelenchus xylophilus*”, Universidade Nova de Lisboa. Orientação Prof. Célia Miguel do DBV/FCUL e Isabel Carrasquinho do INIAV.

Márcia de Castro Silva, comissão de acompanhamento, “Studies on the Eucalyptus Leaf Disease Complex in Portugal”, Universidade Nova de Lisboa. Orientação Prof. Doutora Helena Machado INRB – Unidade de Proteção de Plantas e pelo Doutor Alan Phillips do Departamento de Ciências da Vida da FCT/UNL. Doutoramento concluído em 2015.

Orientação de teses de mestrado

Orientação de dez teses de mestrado e coordenação de dezanove. Em curso orientação de cinco e co-orientação de duas outras teses.

Miguel Simões Nunes, 2017/2019. Understanding the differentiation process of western Mediterranean butterflies: the case studies of *Lycaena* and *Melanargia*. Mestrado em Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com Eduardo Marabuto, cE3c/FCUL.

Ana Rita Martins Gonçalves, 2017/2019. Phylogenetics and morphological study of the Iberian flightless Tachydromiini (Diptera: Hybotidae) unveil overlooked diversity. Mestrado em Biologia da Conservação, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Catarina Isabel Rodrigues Pereira da Silva, 2018/2019. Development of a mobile application for georeferenced data collection in the field. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Ana Pena, 2016/2017. Dating evolution on island ecosystems: a case-study with the Cape Verde terrestrial biodiversity. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Professora Maria Romeiras, ISA/UL.

Carolina Barata, 2016/2017. Comparative genomic analyses of cyanobacteria. Mestrado em Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Gonçalo Costa, 2015/2017. Integrative approach unravels the evolutionary history of Western Mediterranean small cicadas (Hemiptera: Cicadettini). Mestrado em Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Luís Vieira, 2016/2017. Classificação taxonómica de procariotas com base em sequências simuladas do gene 16S rRNA. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Telma Laurentino, 2013/2015. Assessing the speciation continuum in *Timon lepidus*. Mestrado em Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Bruno Costa, 2012/2015. Signatures of natural selection in the adaptive immune system of primates. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Hélia Neves, IMM.

Joana Fino, 2013/2014. Analysis of RNA-seq data from the interaction of *Coffea* spp. - *Colletotrichum kahawae*. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Sara Pateira, 2012/2013. Genotipagem da mutação G829A no gene do piruvato quinase em indivíduos da Guiné-Bissau e sua associação com a malária. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Inês Modesto, 2010/2012. Assessing adaptive genetic variation in cork oak expressed genes. Mestrado em Biologia Evolutiva e Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Dora Batista do IICT/CIFC.

Patrícia Brás, 2010/2011. Contribuição para uma Estratégia de Conservação para o Camaleão-Comum *Chamaeleo chamaeleon* (Linnaeus, 1758) no sul de Portugal. Mestrado de Biologia da Conservação, Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Em coorientação com Prof. Francisco Andrade IO/MARE.

Catarina Dourado, 2010/2011. Phylogeny and phylogeography of Atlantic Islands' Columba species. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Deodália Dias, CESAM.

Diogo Santos, 2008/2011. Comparative analysis of 454 pyrosequencing data from coffee transcriptomes. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com Pedro Talhinhos do IICT/CIFC.

Renata Martins, 2010/2011. On the evolutionary history of the Iberian Sooty Copper butterflies. Mestrado em Biologia Evolutiva e Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Sofia Seabra do CBA/CE3c.

Joana Costa, 2009/2011. Differentiation and genetic variability in cork oak populations (*Quercus suber* L.). Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Dora Batista do IICT/CEFC.

Sara Ema da Silva, 2009/2011. Genetic variation in two littorinid gastropods along the East African coast: comparison with morphological data. Mestrado de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutor José Paula do IO.

Ana Sofia Rodrigues, 2009/2010. Estudo dos padrões filogenéticos e filogeográficos em *Philaenus spumarius* (Hemiptera, Aphrophoridae) e espécies próximas. Mestrado em Biologia Evolutiva e Desenvolvimento, Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Sofia Seabra do CBA.

Ana Vieira, 2009/2010. Identification and expression analysis of genes putatively involved in pathogenicity of *Hemileia vastatrix* to *Coffea arabica*. Mestrado de Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Helena Azinheira do CIFIC/IICT.

Joana Eça, 2008/2010. Validação da associação entre SNPs e a enfarte agudo do miocárdio Mestrado de Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Ana Maria Crespo CESAM.

Diogo Silva, 2009/2010. Analysis of the neutral and adaptive genetic variation of *Colletotrichum kahawae* and its relationship with the *C. gloeosporioides* complex. Mestrado de Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Dora Batista do CIFIC/IICT.

Inês Satar, 2008/2009. Caracterização de Microssatélites em espécies de ambientes humanizados. Mestrado de Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Sofia Seabra do CBA/CE3c.

Eduardo Marabuto, 2008/2009. Biologia e genética da Conservação da Branca-Portuguesa, *Euchloe tagis* (Hübner, 1804) em Portugal (Lepidoptera: Pieridae). Mestrado de Biologia de Conservação, Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Em coorientação com a Doutora Teresa Rebelo do CBA.

Carla Pereira, 2007/2008. Estudo da diferenciação de espécies Moçambicanas do Género *Conus* (Conidae, Gastropoda). Mestrado de Biologia de Conservação, Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Em coorientação com o Professor Paulo Fonseca.

Margarida Lopes, 2006/2007. Análise da estrutura genética do Lagarto de água, *Lacerta schreiberi* - implicações conservacionistas de um endemismo Ibérico. Mestrado de Biologia de Conservação, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Francisco Pina-Martins, 2006/2007. Filogeografia da espécie *Psammodromus algirus*. Mestrado de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Mário Pulquério, 2003/2005. Evaluation of Nested Clade Phylogeographical Analysis using simulated DNA sequence data with different population structures and histories. Mestrado em Bioinformática, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Bolsa FCT SFRH/BM/13635/2003. Em coorientação com o Dr. Mark Beaumont da Universidade de Reading.

Eduardo Barbosa, 2003/2005. Aplicações de análise multivariada para o estudo da utilização de habitats em espécies de répteis. Mestrado em Ciências da Terra e da Vida, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Enquanto Assistente adjuvou a orientação do Professor Eduardo Crespo na seguinte dissertação de Mestrado:

Pedro L. Moreira, 1995/1996. Demografia da População da Lagartixa-da-Montanha (*Lacerta monticola*, Boul.) da Serra da Estrela. - Mestrado em Biologia da Conservação, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Orientação de teses de mestrado como orientador interno da FCUL

Eric de Sousa 2016/2017. Bioinformatics Analyses and Approaches to RNA-Seq data. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Doutor João Pedro de Magalhães, University of Liverpool.

Miguel Guerreiro 2016/2017. Microbial Structure and Nitrite Reducing Communities Across the Atlantic Ocean. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Doutor Gerhard Herndl, University of Vienna.

Bruno Gonçalves, 2013/2014. ProGenViZ: a novel interactive tool for prokaryotic genome visualization and comparison. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Doutor João Carriço, Faculdade de Medicina, Universidade de Lisboa.

Gonçalo Correia, 2011/2012. Coupling Metabolic Footprinting and Flux Balance Analysis to predict how single gene knockouts perturb microbial metabolism. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Dr. David Weinkove, School of Biological and Biomedical Sciences, Durham University.

Diogo Ribeiro, 2011/2012. Studies on the influence of A to I RNA editing on protein evolution. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Doutor Alekos Athanasiadis, Instituto Gulbenkian de Ciência.

Joana Silva, 2010/2011. Caracterização molecular e funcional de variantes genéticas em factores de transcrição da tiroide em formas familiares de cancro da tiroide. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação da Doutora Branca Cavaco Centro de Investigação de Patobiologia Molecular (CIPM), do Instituto Português de Oncologia de Lisboa Francisco Gentil.

Delphine Pessoa, 2009/2010. Modelling the Dynamics of Streptococcus pneumoniae Transmission in Children. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação com a Doutor Flávio Coelho, Instituto Gulbenkian de Ciência.

Cátia Pinto, 2009/2010. Modelação do risco trombótico da população portuguesa portadora de FV Leiden por duas variantes alélicas do gene do Fibrinogénio Gama. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Doutor David Dezdo Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge.

Isadora Monteiro, 2008/2010. Genetic diversity of Plasmodium falciparum CSA-binding domains involved in placental malaria. Mestrado de Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Doutor do Alfredo Mayor, Centre de Recerca en Salut International de Barcelona, Espanha.

Cândida Delgado, 2008/2009. Desenvolvimento, implementação e avaliação de metodologias para o diagnóstico precoce das lesões associadas à infecção pelos tipos de alto risco do vírus do Papiloma Humano. Mestrado de Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação da Doutora Angela Pista, Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge.

Sara Esteves, 2008/2009. Regulação da saída de mitose em eucariotas superiores: os genes *mob* em *Drosophila*. Mestrado de Biologia Evolutiva e Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Doutor Álvaro Tavares, Universidade do Algarve.

Ana Guerreiro, 2007/2008. Caracterização da Base Molecular da Hiperplasia Suprarrenal Congénita em Doentes com Suspeita de deficiência em 11hidroxilase. Mestrado de Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Orientação do Doutor João Gonçalves do Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge.

Orientação de estágios de licenciatura

Orientou o seguinte estágio profissionalizante de alunos das Licenciatura em Biologia Aplicada ao Recursos Animais – variante terrestre da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa:

Andreia A. Miraldo, 2002/2003. Sistemas de Informação Geográfica aplicados ao estudo da população de Camaleão comum (*Chamaeleo chamaeleon* L. 1758) do sul de Portugal: área de distribuição, abundância e efectivo populacional.

Estágios de licenciatura

Enquanto, Assistente adjuvou a orientação do Professor Eduardo Crespo dos seguintes estágios profissionalizantes de licenciatura:

Constança Camilo-Alves, 1998/1999. Análise da Distribuição da Herpetofauna de Portugal Continental através dos métodos de regressão logística e análise de sobreposição.

João Pinheiro, 1998/1999. Comportamento espacial da população de Camaleões *Chamaeleo chamaeleon* na Mata de Monte Gordo, Algarve Portugal.

Carlos Dias, 1997/1998. Variação Geográfica Interpopulacional na espécie *Lacerta lepida* na Península Ibérica.

Rui Cabanita, 1997/1998. Variação Geográfica das “Histórias Vitais” de Três Populações de Sardões (*Lacerta lepida*) em Portugal: Idade, Tamanho, Longevidade e Crescimento.

Pedro Mourão, 1996/1997. Estudo de Comunidades de Anfíbios e Répteis.

Marta Maymone, 1996/1997. Técnicas de criação em Cativeiro - Planos de recuperação de duas populações de lagartos: *Lacerta schreiberi* na Serra de Sintra e *Lacerta lepida* na Ilha da Berlenga.

Ana Sofia Rodrigues, 1995/1996. Modelos de Avaliação de Áreas Prioritárias para a Conservação – Uma Aplicação a Herpetocenose.

Maria João Marques, 1995/1996. Caracterização das Herpetocenoses e Determinação de Áreas Prioritárias para a Conservação no Parque Natural de Sintra-Cascais.

Cristina Luís, 1995/1996. Elementos de Autoecologia de *Lacerta schreiberi*.

Raquel Godinho, 1994/1995. Diferenciação Genética e Morfológica de Populações de *Lacerta schreiberi*.

Nelson Raimundo, 1994/1995. Avaliação de Áreas para a Conservação: Uma aplicação à herpetocenose da Serra de S. Mamede com Recurso a um sistema de Informação Geográfica (SIG).

José Carlos Brito, 1993/1994. Áreas Potenciais para a Conservação do Lagarto-de-Água, *Lacerta schreiberi* em Portugal.

Pedro Segurado, 1993/1994. Caracterização e Estratégia de Conservação da Herpetocenose do Paul do Biquilobo.

Orientação de cursos pós-graduados de especialização em Biologia

Francisco Pina-Martins, 2005/2006. O uso de marcadores moleculares em estudos populacionais.

Supervisão de bolseiros de investigação

Duarte Balata, 2018/2019 (12 meses). Explorando o resistoma aquático – ExplorAR. FCT PTDC/BIA-BMA/31451/2017

Paulo Sousa, 2018/2019 (7 meses). Efeitos da eutrofização e clima nos polinizadores e provisão de serviços dos ecossistemas – EUCLIPO. FCT LISBOA-01-0145-FEDER-028360

André Henriques, 2018/2019 (7 meses). Efeitos da eutrofização e clima nos polinizadores e provisão de serviços dos ecossistemas – EUCLIPO. FCT LISBOA-01-0145-FEDER-028360

Pedro David, 2018/2019 (11 meses). *Limonium* spp. como modelo para a apomixia autónoma: caracterização de factores genéticos moleculares que determinam processos reprodutivos apomíticos versus sexuais – APO-MIXIS, FCT PTDC/AGRPRO/4285/2014

Francisco Pina-Martins, 2016/2018 (25 meses). *Limonium* spp. como modelo para a apomixia autónoma: caracterização de factores genéticos moleculares que determinam processos reprodutivos apomíticos versus sexuais – APOMIXIS, FCT PTDC/AGRPRO/4285/2014

Vera Nunes, 2014/2015 (12 meses). Novo processo produtivo associado ao combate das principais pragas com melhoria na qualidade do produto final e na gestão dos recursos naturais – gestão de largadas de auxiliares comerciais e ação de limitação natural (Largadas). pRoder - nº contrato 020469046220/nº 46223.

Inês Modesto, 2013/2014 (12 meses). Avaliação dos recursos genéticos e genómicos do sobreiro: bases para uma gestão prospetiva. FCT PTDC/AGR-GPL/104966/2008

Catarina Dourado, 2013 (3 meses). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013).

Sara Ema Silva, 2012/2013 (12 meses). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013).

João Silva, 2013 (3 meses). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013).

Telma Laurentino, 2013 (6 meses). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013).

Bruno Vieira, 2013 (24 meses). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013).

Tânia Paulo, 2013 (3 meses). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013).

Bruno Costa, 2013 (4 meses). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013).

Francisco Pina-Martins, 2009/2011 (18 meses). Consórcio de ESTs do Sobreiro - Detecção e validação de polimorfismos. FCT SOBREIRO/0036/2009

Vera Nunes, 2005 (5 meses). Processo de especiação: avaliação da perspectiva génica. FCT POCI/BIA/59288/2004

Cláudia Fonseca, 2005 (6 meses). Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. Financiamento do Instituto para a Conservação da Natureza.

Inês Barroso, 2004/2005 (12 meses). Processo de especiação: avaliação da perspectiva génica. FCT POCI/BIA/59288/2004

Carlos Dias, 2004 (3 meses). Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. Financiamento do Instituto para a Conservação da Natureza.

Ângela Miraldo, 2003/2004 (12 meses). Métodos de coalescência aplicados à análise populacional de microssatélites. FCT POCTI/BSE/47999/2002.

João Pinheiro, 2001/2005 (50 meses). Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. Financiamento do Instituto para a Conservação da Natureza.

Marta Maymone, 2001/2004 (44 meses). Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. Financiamento do Instituto para a Conservação da Natureza.

Orientação de estágios pedagógicos

Orientador científico dos seguintes Núcleos de Estágios Pedagógicos:

José Luís Fialho e Luís Filipe Moreira, 2002/2003. Escola Secundária Fernando Lopes Graça. Orientadora da escola, Joana Capucho; orientadora pedagógica, Dra. Ana Lopes.

Laura Anastácio e Liliana Sobra, 2001/2002. Escola Secundária Reynaldo Santos. Orientador da escola, Leopoldino Inácio; orientadora pedagógica, Dra. Ana Lopes.

Investigação

Publicações Científicas

Foram publicados um total de 76 artigos científicos dos quais dois não aparecem listados na Web of Science (WoS) e dois não surgem nas “core databases”. Uma das referências que não aparece na WoS é porque a revista não está listada (SoftwareX), mas surge listada na Scopus, e a outra porque aquele ano da revista não aparece listado (Amphibia-Reptilia 1996). Três outras publicações da WoS não surgem listadas na secção de artigos deste documento mas sim duas na secção de atas de conferências e uma como capítulo de livro. Adicionalmente foi publicado um livro como editor e três como autor, vinte e um capítulos de livro e vinte atas de conferências. Os valores bibliométricos são indicados na respetiva secção.

Publicações Seleccionadas

Foram seleccionados cinco artigos científicos que mostram simultaneamente o percurso científico e o seu impacto, assim como as atuais tendências pessoais de investigação.

Paulo OS, Dias C, Bruford MW, Jordan WC, Nichols RA. 2001. The persistence of Pliocene populations through the Pleistocene climatic cycles: evidence from the phylogeography of an Iberian lizard. *Proceedings of the Royal Society of London Series B-Biological Sciences* 268: 1625-1630. (Web of Science IF: 3.192, Q1 Biology, nº cit. 88)

Este artigo foi o primeiro a ser realizado no âmbito da tese de doutoramento e assinala um incremento na qualidade científica e uma viragem temática. Cientificamente, mostra de forma pioneira e inequívoca a existência de refúgios glaciares distintos dentro da Península Ibérica em que populações destes répteis foram capazes de persistir ao longo dos vários ciclos glaciares do Quaternário. Este resultado inspirou a ideia de “refugia within refugia”, conceito que tem caracterizado a filogeografia e conservação das espécies na Península Ibérica e, por contágio, aplicado a outras geografias.

Paulo OS, Pinheiro J, Miraldo A, Bruford MW, Jordan WC, Nichols RA. 2008. The role of vicariance vs. dispersal in shaping genetic patterns in ocellated lizard species in the western Mediterranean. *Molecular Ecology* 17: 1535–1551. (Web of Science IF: 5.325, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 69)

Este artigo é uma extensão e atualização do trabalho de tese, com novos dados de genes nucleares gerados no laboratório de genética molecular entretanto montado pós-2001 na FCUL, com financiamento competitivo obtido junto da FCT. Cientificamente, mostra a importância relativa dos processos biogeográficos de vicariância e dispersão na formação das espécies na região Oeste do Mediterrâneo e a importância de um acontecimento geológico putativamente fundacional que foi a abertura do estreito de Gibraltar. Apresenta um conjunto de análises “state of the art”, tais como a utilização de metodologias bayesianas para datação dos eventos filogenéticos.

Bradnam KR, Fass JN, Alexandrov A, Baranay P, Bechner M, Birol I, Boisvert S, Chapman JA, Chapuis G, Chikhi R, Chitsaz H, Chou W C, Corbeil J, Del Fabbro C, Docking TR, Durbin R, Earl D, Emrich S, Fedotov P, Fonseca NA, Ganapathy G, Gibbs RA, Gnerre S, Godzaridis E, Goldstein S, Haimel M, Hall G, Haussler D, Hiatt JB, Ho IY, Howard J, Hunt M, Jackman SD, Jaffe DB, Jarvis ED, Jiang H, Kazakov S, Kersey PJ, Kitzman JO, Knight JR, Koren S, Lam TW, Lavenier D, Laviolette F, Li Y, Li Z, Liu B, Liu Y, Luo R, Maccallum I, Macmanes MD, Maillet N, Melnikov S, Naquin D, Ning Z, Otto TD, Paten B, Paulo OS, Phillippy AM, Pina-Martins F, Place M, Przybylski D, Qin X, Qu C, Ribeiro FJ, Richards S, Rokhsar DS, Ruby JG, Scalabrin S, Schatz MC, Schwartz DC, Sergushichev A, Sharpe T, Shaw TI, Shendure J, Shi Y, Simpson JT, Song H, Tsarev F, Vezzi F, Vicedomini R, Vieira BM, Wang J, Worley KC, Yin S, Yiu SM, Yuan J, Zhang G, Zhang H, Zhou S, Korf IF. 2013. Assemblathon 2: evaluating de novo methods of genome assembly in three vertebrate species. *Gigascience* 2:10. (Web of Science 2015 IF: 7.463, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 333)

Este artigo científico marca a participação do grupo de investigação CoBiG2 na área da genómica e da problemática da montagem de genomas. Esta análise só foi possível pela implementação de uma infraestrutura Bioinformática, que se tornou imprescindível para a investigação do grupo realizada desde o início da década. Cientificamente, mostra a incipiência do estado da arte e a necessidade de melhorar substancialmente as ferramentas e metodologias de montagem.

Seabra SG, Silva SE, Nunes VL, Sousa VC, Martins J, Marabuto E, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Laurentino TG, Rebelo MT, Figueiredo E, Paulo OS. 2019. Genomic signatures of introgression between commercial and native bumblebees, *Bombus terrestris*, in western Iberian Peninsula—Implications for conservation and trade regulation. *Evolutionary Applications*. 12:679–691. (Web of Science 2018 IF:5.038, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 1)

Os dois últimos artigos representam a tendência mais recente da linha de investigação do grupo, a saber, o uso das novas tecnologias de sequenciação de DNA para a obtenção de marcadores moleculares que permitam fazer estudos de genómica populacional. Neste caso pretendeu-se identificar sinais de introgressão entre as formas comerciais de abelhões e as populações naturais da mesma espécie. É um exemplo patente de como estudos com estas ferramentas podem ter consequências práticas para as atividades agrícolas comerciais.

Pina-Martins F, Baptista J, Pappas G, Paulo OS. 2019. New insights into adaptation and population structure of cork oak using genotyping by sequencing. *Global Change Biology* 25:337–350. (Web of Science 2018 IF 8.880, Q1 Biodiversity Conservation, nº cit. 2)

Este artigo é uma primeira abordagem ao estabelecimento da relação entre marcadores moleculares obtidos por “Genotyping By Sequencing” e variáveis ambientais, denominada “Genotype–environment association” com o objectivo de prever as respostas evolutivas das espécies às alterações climáticas. É exatamente nesta temática que foi conseguido um dos financiamentos FCT e é exatamente nesta temática que incidirá a futura atividade de investigação.

Listagem de Publicações

Teses

Paulo OS. 2001. The phylogeography of reptiles of the Iberian Peninsula. Ph.D. University of London.

Paulo OS. 1988. Estudo Eco-Etológico da população de *Lacerta lepida* (Daudin 1802) (Sauria, Lacertidae) da Ilha da Berlenga. Relatório de Estágio para a obtenção da Licenciatura em Recursos Faunísticos e Ambiente. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Livros (autor)

Moreira PL, Almeida AP, Rosa HD, Paulo OS, Crespos EG. 1999. Bases para a Conservação da Lagartixa-da-montanha (*Lacerta monticola*). Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza.

Brito JC, Luís C, Godinho MR, Paulo OS, Crespo EG. 1999. Bases para a Conservação do Lagarto-de-água (*Lacerta schreiberi*). Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza.

Pargana JM, Paulo OS, Crespo EG. 1996. Anfíbios e Répteis do Parque Natural da Serra de S. Mamede. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza.

Livros (editor)

Loureiro A, Ferrand de Almeida N, Carretero MA, Paulo OS. 2008. Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza e da Biodiversidade. p. 257.

Capítulos de livros

Miraldo A, Paulo OS. 2008. *Chamaeleo chamaeleon*. In: Loureiro A, Ferreira S, Carretero MA, Paulo OS, editors. Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza e da Biodiversidade. p. 138-139.

Paulo OS. 2008. *Lacerta lepida*. In: Loureiro A, Ferrand de Almeida N, Carretero MA, Paulo OS, editors. Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza e da Biodiversidade. p. 144-145.

Moreira PL, Paulo OS. 2008. *Lacerta monticola*. In: Loureiro A, Ferrand de Almeida N, Carretero MA, Paulo OS, editors. Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza e da Biodiversidade. p. 148-149.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Acanthodactylus erythrurus* Lagartixa-de-dedos-denteados. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 129-129.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Caretta caretta* Tartaruga-comum. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 123-124.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Caronella austriaca* Cobra-lisa-europeia. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 137-138.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Chioglossa lusitanica* Salamandra-lusitânica. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 115-116.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Discoglossus galganoi* Rã-de-focinho-pontiagudo. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 119-120.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Emys orbicularis* cágado-de-carapaça-estriada. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM,

Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 121-122.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Hemidactylus turcicus* Osga-turca. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 125-125.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Lacerta monticola* Lagartixa-da-montanha. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 131-131.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Podarcis carbonelli* Lagartixa de Carbonell. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 133-134.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Psammodromus hispanicus* Lagartixa-do-mato-ibérica. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 135-136.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Tarentola bischoffi* Osga das Selvagens. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 127-128.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Triturus helveticus* Tritão-palmado. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 117-118.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Vipera latasti*, Víbora-cornuda. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 139-140.

Oliveira ME, Brito JC, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Loureiro A, Martins HR, Pargana J, Paulo OS, Rito P, Teixeira J. 2005. *Vipera seoanei* Víbora de Seoane. In: Cabral MJ, Almeida J, Almeida PR, Dellinger T, Ferrand de Almeida N, Oliveira ME, Palmeirim JM, Queiroz AL, Rogado L, Santos Reis M, editors. Livro Vermelho dos Vertebrados de Portugal. Lisboa: Instituto da Conservação da Natureza. p. 141-142.

Paulo OS. 1999. Recovery plan of *Gallotia simonyi*: an outsider view. In: López-Jurado LF, Mateo JA, editors. El Lagarto Gigante de El Hierro (*Gallotia simonyi*). Las Palmas de Gran Canaria: Asociacion Herpetologica Española. p. 277-288.

Viegas-Crespo AM, Pavão MR, Santos V, Cruz ML, Paulo OS, Leal J, Sarmento N, Monteiro ML, Amorim MF, Halpern MJ, et al. 1996. Selenium status and cardiovascular risk factors in populations from different portuguese regions. In: Kumpusainen J, Salonen J, editors. Natural antioxidants and food quality in atherosclerosis and cancer prevention Cambridge: Royal Society of Chemistry. p. 188-194.

Crespo EG, Oliveira ME, Zuiderwijk A, Paulo OS, Rosa HD, Viegas AM, Pargana JM, Raimundo ND, Moreira PL, Brito-E-Abreu F. 1995. Amphibian diversity in Portuguese natural parks: A study project. In: Llorente GA, Montori A, Santos X, Carretero MA, editors. Scientia Herpetologica. Barcelona, Spain: Asociacion Herpetologica Espanola p. 303-306.

Vicente LA, Paulo O. 1989. Behavioral and Morphological adaptations of the Lizard *Lacerta lepida* to particular environmental constraints. In: Blanchard RJ, Brain PF, Blanchard DC, Parmigiani S, editors. Ethoexperimental Approaches to the Study of Behavior, Nato ASI (Advanced Science Institutes) Series D: Behavioural and Social Sciences. Dordrech: Kluwer Academic Publishers. p. 640-643. (Web of Science core, nº cit. 2)

Artigos em revistas científicas internacionais com árbitros

Silva SE, Seabra SG, Carvalheiro LG, Nunes VL, Marabuto E, Mendes R, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Yurtsever S, Laurentino TG, Figueiredo E, Rebelo MT, Paulo OS. 2019. Population genomics of *Bombus terrestris* reveals high but unstructured genetic diversity in a potential glacial refugium. *Biological Journal of Linnean Society*. Doi: 10.1093/biolinnean/blz182 (Web of Science 2018 IF: 2.203, Q3 Evolutionary Biology, nº cit. 0)

Vieites-Blanco C, Paulo OS, Marabuto E, Lema M. 2019. Genetic variability on worldwide populations of the scale insect *Pulvinariella mesembryanthemi*. *Biological Invasions*. Doi: 10.1007/s10530-019-02125-3 (Web of Science 2018 IF: 2.897, Q1 Biodiversity Conservation, nº cit. 0)

Vieira A, Silva DN, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2019. Genome-Wide Signatures of Selection in *Colletotrichum kahawae* Reveal Candidate Genes Potentially Involved in Pathogenicity and Aggressiveness. *Frontiers in Microbiology* 10:1–15. Doi: 10.3389/fmicb.2019.01374 (Web of Science 2018 IF: 4.259, Q1 Microbiology, nº cit. 0)

Romeiras MM, Pena AR, Menezes T, Vasconcelos R, Monteiro F, Paulo OS, Moura M. 2019. Shortcomings of Phylogenetic Studies on Recent Radiated Insular Groups: A Meta-Analysis Using Cabo Verde Biodiversity. *International Journal of Molecular Sciences* 20:2782. Doi: 10.3390/ijms20112782 (Web of Science 2018 IF 4.183, Q1 Biochemistry and Molecular Biology, nº cit. 0)

Pina-Martins F, Baptista J, Pappas G, Paulo OS. 2019. New insights into adaptation and population structure of cork oak using genotyping by sequencing. *Global Change Biology* 25:337–350. Doi: 10.1111/gcb.14497 (Web of Science 2018 IF 8.880, Q1 Biodiversity Conservation, nº cit. 2)

Seabra SG, Silva SE, Nunes VL, Sousa VC, Martins J, Marabuto E, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Laurentino TG, Rebelo MT, Figueiredo E, Paulo OS. 2019. Genomic signatures of introgression between commercial and native bumblebees, *Bombus terrestris*, in western Iberian Peninsula—Implications for conservation and trade regulation. *Evolutionary Applications*. 12:679–691. Doi: 10.1111/eva.12732 (Web of Science 2018 IF:5.038, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 1)

Silva DN, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2018. Population genomic footprints of host adaptation, introgression and recombination in coffee leaf rust. *Molecular Plant Pathology*. 19:1742–1753. Doi: 10.1111/mpp.12657 (Web of Science IF: 4.379, Q1 Plant Sciences, nº cit. 5)

Vieira A, Silva DN, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2018. Novel insights on colonization routes and evolutionary potential of *Colletotrichum kahawae*, a severe pathogen of *Coffea arabica*. *Molecular Plant Pathology*. 19:2488–2501. Doi: 10.1111/mpp.12726 (Web of Science IF: 4.379, Q1 Plant Sciences, nº cit. 2)

Borges PAV, Rodrigues ASB, Silva SE, Seabra SG, Paulo OS, Quartau JA. 2018. New data on polymorphism of the meadow spittlebug *Philaenus spumarius* (L.) (Hemiptera: Aphrophoridae) from the island of São Miguel (Azores). *Zootaxa* 4369:144–150. Doi: 10.11646/zootaxa.4369.1.9 (Web of Science IF: 0.990, Q3 Zoology, nº cit. 1)

Monteiro F, Frese L, Castro S, Duarte MC, Paulo OS, Loureiro J, Romeiras MM. 2018. Genetic and Genomic Tools to Assist Sugar Beet Improvement: The Value of the Crop Wild Relatives. *Frontiers in Plant Science* 9:1–8. Doi: 10.3389/fpls.2018.00074 (Web of Science IF: 4.106, Q1 Plant Sciences, nº cit. 4)

Pina-Martins F, Silva DN, Fino J, Paulo OS. 2017. Structure_threader: An improved method for automation and parallelization of programs structure, fastStructure and Maverick on multicore CPU systems. *Molecular Ecology Resources* :268–274. Doi: 10.1111/1755-0998.12702 (Web of Science IF: 7.059, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 10)

Costa GJ, Nunes VL, Marabuto E, Mendes R, Laurentino TG, Quartau JA, Paulo OS, Simões PC. 2017. Morphology, songs and genetics identify two new cicada species from Morocco: *Tettigettaalna afroamissa* sp. nov. and *Berberigetta dimelodica* gen. nov. & sp. nov. (Hemiptera: Cicadettini). *Zootaxa* 4237:517–544. Doi: 10.11646/zootaxa.4237.3.4 (Web of Science IF: 0.931, Q3 Zoology, nº cit. 0)

Ramos MJN, Coito JL, Fino J, Cunha J, Silva H, de Almeida PG, Costa MMR, Amâncio S, Paulo OS, Rocheta M. 2017. Deep analysis of wild Vitis flower transcriptome reveals unexplored genome regions associated with sex specification. *Plant Molecular Biology* 93:151–170. Doi: 10.1007/s11103-016-0553-9 (Web of Science IF: 3.543, Q1 Plant Sciences, nº cit. 6)

Silva SE, Silva DN, Almeida T, Garcia CA, Paulo OS, Sim-Sim M. 2017. Age estimates of *Frullania* (Frullaniaceae, Porellales) main lineages: another example of rapid and recent diversification in liverwort evolution. *Systematics and Biodiversity*. 15:156–165. Doi: 10.1080/14772000.2016.1217096 (Web of Science IF: 2.215, Q2 Biodiversity and Conservation, nº cit. 4)

Figueiredo J, Costa GJ, Maia M, Paulo OS, Malhó R, Sousa Silva M, Figueiredo A. 2016. Revisiting *Vitis vinifera* Subtilase Gene Family: A Possible Role in Grapevine Resistance against *Plasmopara viticola*. *Frontiers in Plant Science* 7:1783. Doi: 10.3389/fpls.2016.01783 (Web of Science IF: 4.298, Q1 Plant Sciences, nº cit. 9)

Lopes-Lima M, Froufe E, Do VT, Ghamizi M, Mock KE, Kebapçı Ü, Klishko O, Kovitvadhi S, Kovitvadhi U, Paulo OS, Pfeiffer JM, Raley M, Riccardi N, Şereflişan H, Sousa R, Teixeira A, Varandas S, Wu X, Zanatta DT, Zieritz A, Bogan AE. 2016. Phylogeny of most species rich freshwater bivalve family (Bivalvia: Unionida: Unionidae): Defining modern subfamilies and tribes. *Molecular Phylogenetics and Evolution* 106:174–191. Doi: 10.1016/j.ympev.2016.08.021 (Web of Science IF: 4.419, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 54)

Ribeiro IC, Pinheiro C, Ribeiro CM, Veloso MM, Simoes-Costa MC, Evaristo I, Paulo OS, Ricardo CP. 2016. Genetic Diversity and Physiological Performance of Portuguese Wild Beet (*Beta vulgaris* spp. *maritima*) from Three Contrasting Habitats. *Frontiers in Plant Science*. 7:1293. Doi: 10.3389/fpls.2016.01293 (Web of Science IF: 4.298, Q1 Plant Sciences, nº cit. 5)

Rodrigues ASB, Silva SE, Pina-Martins F, Loureiro J, Castro M, Gharbi K, Johnson KP, Dietrich CH, Borges PA V., Quartau JA, Jiggins CD, Paulo OS, Seabra SG. 2016. Assessing genotype-phenotype associations in three dorsal colour morphs in the meadow spittlebug *Philaenus spumarius* (L.) (Hemiptera: Aphrophoridae) using genomic and transcriptomic resources. *BMC Genetics* 17:144. Doi: 10.1186/s12863-016-0455-5 (Web of Science IF: 2.266, Q3 Genetics & Heredity, nº cit. 4)

Vieira AR, Rodrigues ASB, Sequeira V, Neves A, Paiva RB, Paulo OS, Gordo LS. 2016. Genetic and Morphological Variation of the Forkbeard, *Phycis* (Pisces, Phycidae): Evidence of Panmixia and Recent Population Expansion along Its Distribution Area. *Plos One* 11:e0167045. Doi: 10.1371/journal.pone.0167045 (Web of Science IF: 2.806, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 2)

Romeiras MM, Vieira A, Silva DN, Moura M, Santos-Guerra A, Batista D, Duarte MC, Paulo OS. 2016. Evolutionary and Biogeographic Insights on the Macaronesian *Beta-Patellifolia* Species (Amaranthaceae) from a Time-Scaled Molecular Phylogeny. Plos One 11:e0152456. Doi: 10.1371/journal.pone.0152456 (Web of Science IF: 2.806, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 14)

Vieira A, Cabral A, Fino J, Azinheira HG, Loureiro A, Talhinhos P, Pires AS, Varzea V, Moncada P, Oliveira H, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2016. Comparative Validation of Conventional and RNA-Seq Data-Derived Reference Genes for qPCR Expression Studies of *Colletotrichum kahawae*. Plos One 11:e0150651. Doi: 10.1371/journal.pone.0150651 (Web of Science IF: 2.806, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 8)

Domingos S, Fino J, Cardoso V, Sanchez C, Ramalho JC, Larcher R, Paulo OS, Oliveira CM, Goulao LF. 2016. Shared and divergent pathways for flower abscission are triggered by gibberellic acid and carbon starvation in seedless *Vitis vinifera* L. BMC Plant Biology 16:38. Doi: 10.1186/s12870-016-0722-7 (Web of Science IF: 3.964, Q1 Plant Sciences, nº cit. 13)

Domingos S, Fino J, Paulo OS, Oliveira CM, Goulao LF. 2016. Molecular candidates for early-stage flower-to-fruit transition in stenospermocarpic table grape (*Vitis vinifera* L.) inflorescences ascribed by differential transcriptome and metabolome profiles. Plant Science 244:40-56. Doi: 10.1016/j.plantsci.2015.12.009 (Web of Science IF: 3.437, Q1 Plant Sciences, nº cit. 6)

Pina-Martins F, Vieira BM, Seabra SG, Batista D, Paulo OS. 2016. 4Pipe4-A 454 data analysis pipeline for SNP detection in datasets with no reference sequence or strain information. BMC Bioinformatics 17:41. Doi: 10.1186/s12859-016-0892-1 (Web of Science IF: 2.448, Q1 Mathematical and Computational Biology, nº cit. 1)

Rois AS, Sadio F, Paulo OS, Teixeira G, Paes AP, Espirito-Santo D, Sharbel TF, Caperta AD. 2016. Phylogeography and modes of reproduction in diploid and tetraploid halophytes of *Limonium* species (Plumbaginaceae): evidence for a pattern of geographical parthenogenesis. Annals of Botany 117:37-50. Doi: 10.1093/aob/mcv138 (Web of Science IF: 4.041, Q1 Plant Sciences, nº cit. 9)

Pina-Martins F, Paulo OS. 2016. NCBI Mass Sequence Downloader—Large dataset downloading made easy. SoftwareX :10-13. Doi: 10.1016/j.softx.2016.04.007 (Scopus CiteScore 4.43, Q1 Software)

Quina AS, Bastos-Silveira C, Minarro M, Ventura J, Jimenez R, Paulo OS, Mathias MdL. 2015. p53 gene discriminates two ecologically divergent sister species of pine voles. *Heredity* 115:444-451. Doi: 10.1038/hdy.2015.44 (Web of Science IF: 3.801, Q1 Ecology, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 1)

Silva DN, Duplessis S, Talhinhos P, Azinheira H, Paulo OS, Batista D. 2015. Genomic Patterns of Positive Selection at the Origin of Rust Fungi. *Plos One* 10:e0143959-e0143959. Doi: 10.1371/journal.pone.0143959 (Web of Science IF: 3.057, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 6)

Silva SE, Rodrigues ASB, Marabuto E, Yurtsever S, Borges PAV, Quartau JA, Paulo OS, Seabra SG. 2015. Differential survival and reproduction in colour forms of *Philaenus spumarius* give new insights to the study of its balanced polymorphism. *Ecological Entomology* 40:759-766. Doi: 10.1111/een.12252 (Web of Science IF: 1.687, Q1 Entomology, nº cit. 4)

Seabra SG, Bras PG, Martins J, Martins R, Wyatt N, Shirazi J, Rebelo MT, Franco JC, Mateus C, Figueiredo E, Paulo OS. 2015. Phylogeographical patterns in *Coenosia attenuata* (Diptera: Muscidae): a widespread predator of insect species associated with greenhouse crops. *Biological Journal of the Linnean Society* 114:308-326. Doi: 10.1111/bij.12419 (Web of Science IF: 1.984, Q3 Evolutionary Biology, nº cit. 10)

Seabra SG, Satar I, Paulo OS. 2014. Microsatellite loci isolated from *Chamaeleo chamaeleon*. *Journal of Genetics* 93:e144-147. Doi: 10.1007/s12041-014-0463-z (Web of Science IF: 1.093, Q4 Genetics & Heredity, nº cit. 0)

Modesto IS, Miguel C, Pina-Martins F, Glushkova M, Veloso M, Paulo OS, Batista D. 2014. Identifying signatures of natural selection in cork oak (*Quercus suber* L.) genes through SNP analysis. *Tree Genetics & Genomes* 10:1645-1660. Doi: 10.1007/s11295-014-0786-1 (Web of Science IF: 2.451, Q3 Genetics & Heredity, Q1 Forestry, nº cit. 10)

Rodrigues ASB, Silva SE, Marabuto E, Silva DN, Wilson MR, Thompson V, Yurtsever S, Halkka A, Borges PAV, Quartau JA, Paulo OS, Seabra SG. 2014. New Mitochondrial and Nuclear Evidences Support Recent Demographic Expansion and an Atypical Phylogeographic Pattern in the Spittlebug *Philaenus spumarius* (Hemiptera, Aphrophoridae). PloS One 9:12. Doi: 10.1371/journal.pone.0098375 (Web of Science IF: 3.234, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 4)

Pereira-Leal, J, Abreu I, Alabaca C, Almeida M, Almeida P, Almeida T, Amorim M, Araujo S, Azevedo H, Badia A, Batista D, Bohn A, Capote T, Carrasquinho I, Chaves I, Coelho A, Costa M, Costa R, Cravador A, Egas C, Faro C, Fortes A, Fortunato A, Gaspar M, Goncalves S, Graca J, Horta M, Inacio V, Leitao J, Lino-Neto T, Marum L, Matos J, Mendonça D, Miguel A, Miguel CM, Morais-Cecílio L, Neves I, Nóbrega F, Oliveira MM, Oliveira R, Salomé Pais M, Paiva J, Paulo OS, Pinheiro M, Raimundo JA, Ramalho JC, Ribeiro AI, Ribeiro T, Rocheta M, Rodrigues AI, Rodrigues JC, Saibo NJ, Santo TE, Margarida Santos A, Sá-Pereira P, Sebastiana M, Simões F, Sobral RS, Tavares R, Teixeira R, Varela C, Manuela Veloso M, Ricardo CP. 2014. A comprehensive assessment of the transcriptome of cork oak (*Quercus suber*) through EST sequencing. BMC Genomics 15: 371. Doi: 10.1186/1471-2164-15-371 (Web of Science IF: 3.986, Q1 Genetics & Heredity, nº cit. 19)

Sebastiana M, Vieira B, Lino-Neto T, Monteiro F, Figueiredo A, Sousa L, Pais MS, Tavares R, Paulo OS. 2014. Oak Root Response to Ectomycorrhizal Symbiosis Establishment: RNA-Seq Derived Transcript Identification and Expression Profiling. PloS One 9:13. Doi: 10.1371/journal.pone.0098376 (Web of Science IF: 3.234, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 20)

Talhinhas P, Azinheira HG, Vieira B, Loureiro A, Tavares S, Batista D, Morin E, Petitot AS, Paulo OS, Poulain J, Da Silva C, Duplessis S, Silva MdC, Fernandez D. 2014. Overview of the functional virulent genome of the coffee leaf rust pathogen *Hemileia vastatrix* with an emphasis on early stages of infection. Frontiers in Plant Science 5:17. Doi: 10.3389/fpls.2014.00088 (Web of Science IF: 3.948, Q1 Plant Sciences, nº cit. 14)

Dourado CG, Duarte MA, Grosso AR, Bastos-Silveira C, Marrero P, Oliveira P, Paulo OS, Dias D. 2014. Phylogenetic origin of the endemic pigeons from Madeira (*Columba trocaz*) and Azores Islands (*Columba palumbus azorica*). Journal of Ornithology 155:71-82. Doi: 10.1007/s10336-013-0988-6 (Web of Science IF: 1.711, Q1 Ornithology, nº cit. 3)

Simões PC, Nunes VL, Mendes R, Seabra SG, Paulo OS, Quartau JA. 2014. *Tettigettalna josei* (Boulard, 1982) (Hemiptera: Cicadoidea): first record in Spain, with notes on the distribution, genetic variation and behaviour of the species. Biodiversity Data Journal 2:e1045.doi: 10.3897/BDJ.2.e1045 (Web of Science 2018 IF: 1.029, Q3 Biodiversity Conservation, nº cit. 1)

Nunes VL, Mendes R, Marabuto E, Novais BM, Hertach T, Quartau JA, Seabra SG, Paulo OS, Simoes PC. 2014. Conflicting patterns of DNA barcoding and taxonomy in the cicada genus *Tettigettalna* from southern Europe (Hemiptera: Cicadidae). Molecular Ecology Resources 14:27-38. Doi: 10.1111/1755-0998.12158 (Web of Science IF: 3.712, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 11)

Martins RF, Zina V, Da Silva EB, Rebelo MT, Figueiredo E, Mendel Z, Paulo OS, Franco JC, Seabra SG. 2014. Isolation and characterization of fifteen polymorphic microsatellite loci for the citrus mealybug, *Planococcus citri* (Hemiptera: Pseudococcidae), and cross-amplification in two other mealybug species. Journal of Genetics 91:e75-78. (Web of Science IF: 1.093, Q4 Genetics & Heredity, nº cit. 5)

Bradnam KR, Fass JN, Alexandrov A, Baranay P, Bechner M, Birol I, Boisvert S, Chapman JA, Chapuis G, Chikhi R, Chitsaz H, Chou W C, Corbeil J, Del Fabbro C, Docking TR, Durbin R, Earl D, Emrich S, Fedotov P, Fonseca NA, Ganapathy G, Gibbs RA, Gnerre S, Godzaridis E, Goldstein S, Haimel M, Hall G, Haussler D, Hiatt JB, Ho IY, Howard J, Hunt M, Jackman SD, Jaffe DB, Jarvis ED, Jiang H, Kazakov S, Kersey PJ, Kitzman JO, Knight JR, Koren S, Lam TW, Lavenier D, Laviolette F, Li Y, Li Z, Liu B, Liu Y, Luo R, Maccallum I, Macmanes MD, Maillet N, Melnikov S, Naquin D, Ning Z, Otto TD, Paten B, Paulo OS, Phillippy AM, Pina-Martins F, Place M, Przybylski D, Qin X, Qu C, Ribeiro FJ, Richards S, Rokhsar DS, Ruby JG, Scalabrin S, Schatz MC, Schwartz DC, Sergushichev A, Sharpe T, Shaw TI, Shendure J, Shi Y, Simpson JT, Song H, Tsarev F, Vezzi F, Vicedomini R, Vieira BM, Wang J, Worley KC, Yin S, Yiu SM, Yuan J, Zhang G, Zhang H, Zhou S, Korf IF. 2013. Assemblathon 2: evaluating de novo methods of genome assembly in three vertebrate species. Gigascience 2:10. Doi: 10.1186/2047-217X-2-10 (Web of Science 2015 IF: 7.463, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 333)

Seabra SG, Bras PG, Zina V, da Silva EB, Rebelo MT, Figueiredo E, Mendel Z, Paulo OS, Franco JC. 2013. Molecular Evidence of Polyandry in the Citrus Mealybug, *Planococcus citri* (Hemiptera: Pseudococcidae). Plos One 8:e68241. Doi: 10.1371/journal.pone.0068241 (Web of Science IF: 3.534, Q1 Multidisciplinary Sciences, nº cit. 2)

Miraldo A, Faria C, Hewitt GM, Paulo OS, Emerson BC. 2013. Genetic analysis of a contact zone between two lineages of the ocellated lizard (*Lacerta lepida* Daudin 1802) in south-eastern Iberia reveal a steep and narrow hybrid zone. *Journal of Zoological Systematics and Evolutionary Research* 51:45-54. Doi: 10.1111/jzs.12005 (Web of Science IF: 1.910, Q3 Evolutionary Biology, nº cit. 9)

Silva SE, Silva IC, Madeira C, Sallema R, Paulo OS, Paula J. 2013. Genetic and morphological variation in two littorinid gastropods: evidence for recent population expansions along the East African coast. *Biological Journal of the Linnean Society* 108:494-508. Doi: 10.1111/j.1095-8312.2012.02041.x (Web of Science IF: 2.535, Q3 Evolutionary Biology, nº cit. 10)

Godinho S, Paulo OS, Morais-Cecilio L, Rocheta M. 2012. A new gypsy-like retroelement family in *Vitis vinifera*. *Vitis* 51:65-72. (Web of Science IF: 0.859, Q2 Horticulture, nº cit. 2)

Miraldo A, Hewitt GM, Dear PH, Paulo OS, Emerson BC. 2012. Numts help to reconstruct the demographic history of the ocellated lizard (*Lacerta lepida*) in a secondary contact zone. *Molecular Ecology* 21:1005-1018. Doi: 10.1111/j.1365-294X.2011.05422.x (Web of Science IF: 6.275, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 20)

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2012. Challenges and pitfalls in the characterization of anonymous outlier AFLP markers in non-model species: lessons from an ocellated lizard genome scan. *Heredity* 109:340-348. Doi: 10.1038/hdy.2012.48 (Web of Science IF: 4.110, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 13)

Silva DN, Talhinhos P, Varzea V, Cai L, Paulo OS, Batista D. 2012. Application of the Alm2/MATlocus to improve the systematics of the *Colletotrichum gloeosporioides* complex: an example from coffee (*Coffea* spp.) hosts. *Mycologia* 104:396-409. Doi: 10.3852/11-145 (Web of Science IF: 2.110, Q1 Mycology, nº cit. 70)

Silva DN, Talhinhos P, Cai L, Manuel L, Gichuru EK, Loureiro A, Varzea V, Paulo OS, Batista D. 2012. Host-jump drives rapid and recent ecological speciation of the emergent fungal pathogen *Colletotrichum kahawae*. *Molecular Ecology* 21:2655-2670. Doi: 10.1111/j.1365-294X.2012.05557.x (Web of Science IF: 6.275, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 40)

Vieira A, Talhinhos P, Loureiro A, Thuerich J, Duplessis S, Fernandez D, Silva MdC, Paulo OS, Azinheira HG. 2012. Expression profiling of genes involved in the biotrophic colonisation of *Coffea arabica* leaves by *Hemileia vastatrix*. European Journal of Plant Pathology 133:261-277. Doi: 10.1007/s10658-011-9864-5 (Web of Science IF: 1.610, Q2 Plant Sciences, nº cit. 8)

Miraldo A, Hewitt GM, Paulo OS, Emerson BC. 2011. Phylogeography and demographic history of *Lacerta lepida* in the Iberian Peninsula: multiple refugia, range expansions and secondary contact zones. BMC Evolutionary Biology 11:170. Doi: 10.1186/1471-2148-11-170 (Web of Science IF: 3.521, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 45)

Nunes VL, Miraldo A, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2011. Association of Mc1r variants with ecologically relevant phenotypes in the European ocellated lizard, *Lacerta lepida*. Journal of Evolutionary Biology 24:2289-2298. Doi: 10.1111/j.1420-9101.2011.02359.x (Web of Science IF: 3.276, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 16)

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2011. Multiple approaches to detect outliers in a genome scan for selection in ocellated lizards (*Lacerta lepida*) along an environmental gradient. Molecular Ecology 20:193-205. Doi: 10.1111/j.1365-294X.2010.04936.x (Web of Science IF: 5.522, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 40)

Romeiras MM, Paulo OS, Cristina Duarte M, Pina-Martins F, Helena Cotrim M, Carine MA, Salome Pais M. 2011. Origin and diversification of the genus *Echium* (Boraginaceae) in the Cape Verde archipelago. Taxon 60:1375-1385. Doi: 10.1002/tax.605013 (Web of Science IF: 2.703, Q3 Evolutionary Biology, nº cit. 13)

Vieira A, Talhinhos P, Loureiro A, Duplessis S, Fernandez D, Silva MdC, Paulo OS, Azinheira HG. 2011. Validation of RT-qPCR reference genes for in planta expression studies in *Hemileia vastatrix*, the causal agent of coffee leaf rust. Fungal Biology 115:891-901. Doi: 10.1016/j.funbio.2011.07.002 (Web of Science IF: 1.429, Q3 Mycology, nº cit. 27)

Pereira CM, Rosado J, Seabra SG, Pina-Martins F, Paulo OS, Fonseca PJ. 2010. *Conus pennaceus*: a phylogenetic analysis of the Mozambican molluscan complex. African Journal of Marine Science 32:591-599. Doi: 10.2989/1814232X.2010.538157 (Web of Science IF: 1.229, Q3 Marine & Freshwater Biology, nº cit. 4)

Seabra SG, Pina-Martins F, Marabuto E, Yurtsever S, Halkka O, Quartau JA, Paulo OS. 2010. Molecular phylogeny and DNA barcoding in the meadow-spittlebug *Philaenus spumarius* (Hemiptera, Cercopidae) and its related species. *Molecular Phylogenetics and Evolution* 56:462-467. Doi: 10.1016/j.ympev.2010.03.023 (Web of Science IF: 3.889, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 16)

Fonseca MM, Brito JC, Paulo OS, Carretero MA, Harris DJ. 2009. Systematic and phylogeographical assessment of the *Acanthodactylus erythrurus* group (Reptilia: Lacertidae) based on phylogenetic analyses of mitochondrial and nuclear DNA. *Molecular Phylogenetics and Evolution* 51:131-142. Doi: 10.1016/j.ympev.2008.11.021 (Web of Science IF: 3.556, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 45)

Pina-Martins F, Paulo OS. 2008. CONCATENATOR: sequence data matrices handling made easy. *Molecular Ecology Resources* 8:1254-1255. Doi: 10.1111/j.1755-0998.2008.02164.x (Web of Science 2009 IF: 1.251, Q4 Evolutionary Biology, nº cit. 41)

Fonseca PJ, Serrao EA, Pina-Martins F, Silva P, Mira S, Quartau JA, Paulo OS, Cancela L. 2008. The evolution of cicada songs contrasted with the relationships inferred from mitochondrial DNA (Insecta, Hemiptera). *Bioacoustics* 18:17-34. Doi: 10.1080/09524622.2008.9753588 (Web of Science IF: 0.722, Q3 Zoology, nº cit. 4)

Paulo OS, Pinheiro J, Miraldo A, Bruford MW, Jordan WC, Nichols RA. 2008. The role of vicariance vs. dispersal in shaping genetic patterns in ocellated lizard species in the western Mediterranean. *Molecular Ecology* 17: 1535–1551. Doi: 10.1111/j.1365-294X.2008.03706.x (Web of Science IF: 5.325, Q1 Evolutionary Biology, nº cit. 69)

Moreira PL, Nunes VL, Martin J, Paulo OS. 2007. Copulatory plugs do not assure high first male fertilisation success: sperm displacement in a lizard. *Behavioral Ecology and Sociobiology* 62: 281-288. Doi: 10.1007/s00265-007-0463-6 (Web of Science IF: 2.917, Q2 Behavioral Sciences, nº cit. 13)

Miraldo A, Pinto I, Pinheiro J, Rosário I, Maymone M, Paulo OS. 2005. Distribution and Conservation of the Common *Chamaeleo chamaeleon*, in Algarve, Southern Portugal. *Israel Journal of Zoology* 51: 157-164. Doi: 10.1560/EV2Y-9E2F-5DLY-P00N (Web of Science IF: 0.333, Q4 Zoology, nº cit. 2)

Luís C, Rebelo R, Brito JC, Godinho MR, Paulo OS, Crespo EG. 2004. Age structure in *Lacerta schreiberi* from Portugal. *Amphibia-Reptilia* 25: 336-343. (Web of Science IF: 0.407, Q4 Zoology, nº cit. 7)

Godinho MR, Paulo OS, Ferrand N, Luis C, Rosa HD, Crespo EG. 2003. Major patterns of population differentiation in the iberian schtreiber's green lizard (*Lacerta schreiberi*) inferred from protein polymorphism. *Herpetological Journal* 13: 35-42. (Web of Science IF: 0.608, Q3 Zoology, nº cit. 12)

Paulo OS, Jordan WC, Bruford MW, Nichols RA. 2002. Using nested clade analysis to assess the history of colonisation and the persistence of populations of an Iberian Lizard. *Molecular Ecology* 11: 809-819. Doi: 10.1046/j.1365-294X.2002.01484.x (Web of Science IF: 3.014, Q2 Evolutionary Biology, nº cit. 46)

Paulo OS, Pinto I, Bruford MW, Jordan WC, Nichols RA. 2002. The double origin of Iberian peninsular chameleons. *Biological Journal of the Linnean Society* 75: 1-7. Doi: 10.1046/j.1095-8312.2002.00002.x (Web of Science IF: 1.705, Q3 Evolutionary Biology, nº cit. 41)

Almeida AP, Rosa HD, Paulo OS, Crespo EG. 2002. Genetic differentiation of populations of the Iberian rock-lizards group, *Iberolacerta* (*Iberilacerta*) sensu Arribas 1999. *Journal of Zoological Systematics and Evolutionary Research* 40: 57-64. Doi: 10.1046/j.1439-0469.2002.00174.x (Web of Science IF: 2.048, Q3 Evolutionary Biology, Q1 Zoology, nº cit. 9)

Paulo OS, Dias C, Bruford MW, Jordan WC, Nichols RA. 2001. The persistence of Pliocene populations through the Pleistocene climatic cycles: evidence from the phylogeography of an Iberian lizard. *Proceedings of the Royal Society of London Series B-Biological Sciences* 268: 1625-1630. Doi: 10.1098/rspb.2001.1706 (Web of Science IF: 3.192, Q1 Biology, nº cit. 88)

Viegas-Crespo AM, Pavao ML, Paulo OS, Santos V, Santos MC, Neve J 2000. Trace element status (Se, Cu, Zn) and serum lipid profile in Portuguese subjects of San Miguel Island from Azores' archipelago. *Journal of Trace Elements in Medicine and Biology* 14: 1-5. Doi: 10.1016/S0946-672X(00)80016-4 (Web of Science IF: 1.032, Q3 Biochemistry & Molecular Biology, nº cit. 28)

Brito JC, Crespo EG, Paulo OS. 1999. Modelling wildlife distributions: Logistic multiple regression vs overlap analysis. *Ecography* 22: 251-260. Doi: 10.1111/j.1600-0587.1999.tb00500.x (Web of Science IF: 1.209, Q2 Ecology, nº cit. 78)

Brito JC, Godinho R, Luis C, Paulo OS, Crespo EG. 1999. Management strategies for conservation of the lizard *Lacerta schreiberi* in Portugal. *Biological Conservation* 89: 311-319. doi: 10.1016/S0006-3207(99)00002-6 (Web of Science IF: 1.579, Q1 Environmental Sciences, nº cit. 15)

Brito JC, Paulo OS, Crespo EG. 1998. Distribution and habitats of Schreiber's green lizard (*Lacerta schreiberi*) in Portugal. *Herpetological Journal* 8: 187-194. (Web of Science IF: 0.233, Q4 Zoology, nº cit. 14)

Brito JC, Abreu FE, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1996. Distribution of Schreiber green lizard (*Lacerta schreiberi*) in Portugal: a predictive model. *Herpetological Journal* 6: 43-47. (Web of Science 1997 IF: 0.571, Q2 Zoology, nº cit. 18)

Brito e Abreu F, Rosa HD, Paulo OS, Moreira PL, Almeida AP, Crespo, EG 1996. Morphological distinction of midwife toads: *Alytes obstetricans* may have two metacarpal tubercles. *Amphibia-Reptilia* 17:67-70. doi: 10.1163/156853896X00306 (Web of Science 2000 IF: 0.506, Q3 Zoology, nº cit. NA)

Viegas-Crespo AM, Neve J, Monteiro ML, Amorim MF, Paulo OS, Halpern MJ. 1994. Selenium and lipid parameters in plasma of Portuguese subjects. *Journal of Trace Elements and Electrolytes in Health and Disease* 8: 119-122. (Web of Science IF: NA, NA, nº cit. 13)

Artigos em revistas nacionais com árbitros

Vicente L, Vieira-de-Castro C, Paulo OS. 1987. Eco-etologia de uma População Insular de *Lacerta lepida* (Daudin, 1802).- Um Projecto. *Análise Psicológica* 2: 281-284.

Atas de conferências

Batista D, Modesto I, Loureiro A, Martins R, Pereira AP, Talhinhos P, Paulo OS, Várzea V. 2015. Highly divergent alleles in a candidate gene of *Hemileia vastatrix* suggest a putative role of adaptive significance. In: *Proceedings of the 25th International Conference on Coffee Science*,

Association for Science and Information on Coffee (ASIC) [Eds.], Armenia, Colombia, pp: pb 220.

Fino J, Figueiredo A, Loureiro A, Gichuru EK, Várzea VMP, Silva MC, Batista D, Paulo OS. 2015. Transcriptional profiling of compatible and incompatible coffee- *Colletotrichum kahawae* interactions through RNA-seq analysis. In: Proceedings of the 25th International Conference on Coffee Science, Association for Science and Information on Coffee (ASIC) [Eds.], Armenia, Colombia, pp: pb 222.

Vieira A, Cabral A, Pires AS, Fino J, Talhinhos P, Azinheira HG, Várzea VMP, Moncada P, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2015. Validation of RT-qPCR reference genes for expression data analysis in *Colletotrichum kahawae*. In: Proceedings of the 25th International Conference on Coffee Science, Association for Science and Information on Coffee (ASIC) [Eds.], Armenia, Colombia, pp: pb 223.

Silva D, Várzea V, Pereira AP, Paulo OS, Batista D. 2015. Population genomics of *Hemileia vastatrix* using RAD sequencing. In: Proceedings of the 25th International Conference on Coffee Science, Association for Science and Information on Coffee (ASIC) [Eds.], Armenia, Colombia, pp: pb 248.

Figueiredo E, Martins J, Godinho MC, Mateus C, Valério E, Silva EB, Silva R, Firmino J, Paulo OS, Gago J, Seabra SG, Rebelo MT, Mexia A. 2014. Protecção biológica de conservação e gestão de largadas de auxiliares comerciais. Revista da Unidade de Investigação do instituto Politécnico de Santarém 2(2): 112-125.

Silva DN, Vieira A, Talhinhos P, Azinheira HG, Silva MC, Fernandez D, Duplessis S, Paulo OS, Batista D. 2012. Phylogenetic analysis of *Hemileia vastatrix* and related taxa using a genome-scale approach. 24th International Conference on Coffee Science , Association for Science and Information on Coffee (ASIC); San José, México. p. 1404-1408.

Paulo OS, Costa JS, Pina-Martins F, Modesto I, Simões F, Matos J, Almeida H, Miguel C, Veloso M, Oliveira MM, Ricardo C, Batista D. 2012. Cork Oak genetic differentiation and diversity. In Oliveira MM, Matos JA, Saibo NJ, Miguel C, Gil L editors. Present and Future of Cork Oak in Portugal.; Oeiras, Portugal: Sociedade Portuguesa de Fisiologia Vegetal. p. 31-32.

Paulo OS, Pina-Martins F, Modesto I, Batista D. 2012. Cork Oak ESTs Consortium - Polymorphism detection and validation. In Oliveira MM, Matos JA, Saibo NJ, Miguel C, Gil L

editors. Present and Future of Cork Oak in Portugal.; Oeiras, Portugal: Sociedade Portuguesa de Fisiologia Vegetal. p. 129-130.

Costa J, Miguel C, Almeida H, Oliveira M, Matos J, Simoes F, Veloso M, Ricardo P, Paulo OS, Batista D. 2011. Genetic divergence in Cork Oak based on cpDNA sequence data. In Grattapaglia D editor. IUFRO Tree Biotechnology Conference: From Genomes to Integration and Delivery; Arraial d'Ajuda, Bahia, Brazil: BMC Proceedings. p. 13.

Batista D, Guerra-Guimarães L, Talhinhos P, Loureiro A, Silva D, Gonzalez L, Pereira AP, Vieira A, Azinheira HG, Struck C, et al. 2010. Analysis of population genetic diversity and differentiation in *Hemileia vastatrix* by molecular markers. 23rd International Conference on Coffee Science, Association for Science and Information on Coffee (ASIC); Bali, Indonésia. p. 738-742.

Vieira A, Talhinhos P, Loureiro A, Duplessis S, Fernandez D, Silva MC, Paulo OS, Azinheira HG. 2010. *Hemileia vastatrix* gene expression during the infection process of coffee leaves. 23rd International Conference on Coffee Science, Association for Science and Information on Coffee (ASIC); Bali, Indonesia. p. 754-758.

Talhinhos P, Azinheira HG, Loureiro A, Batista D, Vieira B, Pina-Martins F, Tisserant E, Petitot AS, Paulo OS, Duplessis S, et al. 2010. Overview of the functional virulent genome of the coffee leaf rust pathogen *Hemileia vastatrix*. 23rd International Conference on Coffee Science, Association for Science and Information on Coffee (ASIC); Bali, Indonesia. p. 414-422.

Silva DN, Talhinhos P, Várzea V, Loureiro A, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2010. Population structure of *Colletotrichum kahawae*, the causal agent of Coffe Berry Disease (CBD): insights from a multi-locus approach. 23rd International Conference on Coffee Science, Association for Science and Information on Coffee (ASIC); Bali, Indonesia. p. 529-536.

Batista D, Nunes VL, Gomes-Laranjo J, Paulo OS, Costa R. 2009. Segregation of SSR and AFLP loci in chestnut F1 hybrids (*Castanea sativa* x *C. crenata*/*C. mollissima*). 4th International Chestnut Symposium, Acta Horticulturae, ISHS Beijing, China. p. 249-255. (Web of Science core, nº cit. 0)

Batista D, Valdivieso T, Santos L, Costa R, Paulo OS, Gomes-Laranjo J. 2008. Genotyping *Castanea sativa* x *C. crenata* and *C. sativa* x *C. mollissima* F1 hybrids using nuclear SSRs. In Abreu CG, Peixoto FP, Gomes-Laranjo J editors. Proceedings of the Second Iberian Congress

on Chestnut. Acta Horticulturae, ISHS Bragança, Portugal. p. 107-112. (Web of Science core, nº cit. 3)

Carneiro LA, Paulo OS, Crespo EG. 2001. Possible demographic problems in a population of *Psammodromus algirus* (Linnaeus, 1758). In Vicente L, Crespo EG editors. Mediterranean Basin Lacertid Lizards – A Biological Approach; Faro, Portugal. p. 130-131.

Paulo OS, Rodrigues AS, Marques MJ, Rosa HD, Crespo EG. 1995. Modelo de avaliação de áreas prioritárias para a conservação das comunidades de anfíbios e répteis: o papel dos ecossistemas rebeirinhos. Congresso Nacional de Conservação da Natureza - Ecossistemas Ribeirinhos; Lisboa, Portugal: Instituto da Conservação da Natureza. p. 75-80.

Crespo EG, Paulo OS, Rosa HD, Moreira PL, Brito-e-Abreu F, Pargana JM, Raimundo N. 1994. Estudos de herpetocenose em áreas protegidas. 3º Congresso Nacional de Áreas Protegidas; Lisboa, Portugal: Instituto da Conservação da Natureza.

Brito e Abreu F, Moreira PL, Rosa HD, Paulo OS, Crespo EG. 1994. A Herpetofauna do Planalto Central da Serra da Estrela. II Seminário Técnico de Conservação da Natureza na Serra da Estrela, Conservar a Estrela; Guarda, Portugal: Parque Natural da Serra da Estrela. p. 85-98.

Paulo O, Vicente L. 1989. Novos datos sobre a distribucão e ecologia de *Rana iberica* Boulanger 1879 em Portugal. In Fontanet X, Horta N editors. Treballs Societat Catalana d'Ictiologia i Herpetologia; Benicasin, Spain: Societat Catalana d'Ictiologia i Herpetologia. p. 186-192.

Relatórios técnicos e científicos

Paulo OS. 2011. Consórcio de ESTs do Sobreiro - Detecção e validação de polimorfismos. FCT SOBREIRO/0036/2009. Relatório Execução Material Final, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 32pp

Paulo OS. 2008. Processo de especiação: avaliação da perspectiva genica. FCT POCI/BIA/59288/2004. Relatório Execução Material Final, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 85pp

Paulo OS. 2007. Métodos de coalescência aplicados à análise populacional de microssatélites. FCT POCTI/BSE/47999/2002. Relatório Execução Material Final, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 3pp.

Paulo OS. 2007. Padrões filogeográficos na bacia do mediterrâneo. FCT POCTI/BSE/48365/2002. Relatório Execução Material Final, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 3pp

Paulo OS. 2007. Processo de especiação: avaliação da perspectiva genica. 2º Relatório Execução Material, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 3pp

Paulo OS. 2006. Métodos de coalescência aplicados à análise populacional de microssatélites. 2º Relatório Execução Material, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 3pp.

Paulo OS. 2006. Padrões filogeográficos na bacia do mediterrâneo. 2º Relatório Execução Material, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 3pp

Paulo OS. 2006. Processo de especiação: avaliação da perspectiva génica. 1º Relatório Execução Material, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 3pp

Paulo OS. 2005. Métodos de coalescência aplicados à análise populacional de microssatélites. 1º Relatório Execução Material, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 3pp.

Paulo OS. 2005. Padrões filogeográficos na bacia do mediterrâneo. 1º Relatório Execução Material, Centro de Biologia Ambiental - Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 6pp.

Anónimo 2005. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. 5º Relatório intercalar de progresso, Junho de 2005. Instituto de Conservação da Natureza, Centro de Biologia Ambiental/Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa e Centro de Investigação em Biodiversidade e Recursos Genéticos ICETA/Universidade do Porto. 9pp

Anónimo 2004. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. 4º Relatório de progresso, Dezembro de 2004. Instituto de Conservação da Natureza, Centro de Biologia Ambiental/Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa e Centro de Investigação em Biodiversidade e Recursos Genéticos ICETA/Universidade do Porto. 11pp

Anónimo 2004. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. 3º Relatório intercalar de progresso, Junho de 2004. . Instituto de Conservação da Natureza, Centro de Biologia Ambiental/Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa e Centro de Investigação em Biodiversidade e Recursos Genéticos ICETA/Universidade do Porto. 8pp

Anónimo 2004. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. 2º Relatório de progresso, Março de 2004. Instituto de Conservação da Natureza, Centro de Biologia Ambiental/Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa e Centro de Investigação em Biodiversidade e Recursos Genéticos ICETA/Universidade do Porto. 11pp

Anónimo 2003. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. 1º Relatório de progresso, Março de 2003. Instituto de Conservação da Natureza, Centro de Biologia Ambiental/Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa e Centro de Investigação em Biodiversidade e Recursos Genéticos ICETA/Universidade do Porto. 10pp

Anónimo 2003. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. 3º Relatório intercalar de progresso, Dezembro de 2003. Instituto de Conservação da Natureza, Centro de Biologia Ambiental/Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa e Centro de Investigação em Biodiversidade e Recursos Genéticos ICETA/Universidade do Porto. 10pp

Anónimo 2003. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. 2º Relatório intercalar de progresso, Junho de 2003. Instituto de Conservação da Natureza, Centro de Biologia Ambiental/Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa e Centro de Investigação em Biodiversidade e Recursos Genéticos ICETA/Universidade do Porto. 8pp

Maymone M, Pinheiro J, Paulo OS. 2003. Salvamento de Répteis na Área do Regolfo da Barragem do Alqueva. Relatório Final, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 42pp

Maymone M, Pinheiro J, Paulo OS. 2003. Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.1 – Monitorização de Cágados”. Relatório de progresso, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 4pp.

Maymone M, Pinheiro J, Paulo OS. 2003. Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.3 – Monitorização de Ofídios. Relatório de progresso, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 4pp.

Maymone M, Pinheiro J, Paulo OS. 2003. Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.2 – Monitorização de Saurios. Relatório de progresso, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 4pp.

Maymone M, Pinheiro J, Pinto I, Paulo OS. 2003. Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.1 – Monitorização de Cágados”. Relatório Final, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 28pp.

Pinheiro J, Maymone M, Pinto I, Paulo OS. 2003. Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.3 – Monitorização de Ofídios”. Relatório Final, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 56pp.

Maymone M, Pinheiro J, Pinto I, Paulo OS. 2003. Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.2 – Monitorização de Saurios. Relatório Final, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 43pp.

Anónimo 2002. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. 1º Relatório intercalar de progresso, Dezembro de 2002. Instituto de Conservação da Natureza, Centro de Biologia Ambiental/Fundação da Faculdade

de Ciências da Universidade de Lisboa e Centro de Investigação em Biodiversidade e Recursos Genéticos ICETA/Universidade do Porto. 11pp

Pinheiro JP, Maymone M, Paulo OS. 2002. Salvamentos de Relas (*Hyla meridionalis*) na Área de Regolho da Barragem do Alqueva. Relatório Final, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 16pp.

Maymone M, Pinheiro JP, Paulo OS. 2001. Monitorização e Controlo da população de Lagartos Ilha da Berlenga. Relatório de progresso, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 14pp.

Pinheiro JP, Pinto I, Maymone M, Paulo OS. 2001. Programa de minimização para o património natural: estudos de Biologia e de Ecologia de Animais (área de regolho de Alqueva + Pedrogão) Bloco E) Fura-Pasto Ibérico. Relatório Final, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 58pp.

Pinto I, Pinheiro JP, Maymone M, Paulo OS. 2001. Programa de Minimização Para o Património Natural Estudos de biologia e de ecologia de animais (Área de Regolho de Alqueva+Pedrogão) bloco d) Cágados. Relatório Final, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 34pp.

Maymone M, Pinto I, Pinheiro JP, Paulo OS. 2001. Programa de Minimização Para o Património Natural Estudos de biologia e de ecologia de animais (Área de Regolho de Alqueva+Pedrogão) bloco f) Ofídios. Relatório Final, Centro de Biologia Ambiental - Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. 68pp.

Dias C, Paulo OS, Fonseca JP. 2000. Estratégia de recuperação do Lagarto-de-água (*Lacerta schreiberi*) na Serra de Sintra. Relatório Final do Projecto entre o PNSC-ICN e o CBA-FFCUL. Lisboa ,33pp.

Marques JM, Maymone M, Paulo OS. 1998. Recuperação da População de *Lacerta schreiberi* na Serra de Sintra. Relatório Final do Projecto entre o PNSC-ICN e o CBA-FFCUL. Lisboa ,74pp.

Paulo OS. 1998. Monitorização e Controlo da População de *Lacerta lepida* da Ilha da Berlenga. Relatório técnico de Progresso de Projecto entre a RNB e o CBA-FFCUL.

Moreira PL, Paulo OS, Almeida AP, Rosa HD, Crespo EG. 1996. Bases para a Conservação das populações e dos Habitats de *Lacerta monticola*. Relatório Final de Projecto entre o ICN e o CBA-FFCUL.

Godinho MR, Paulo OS, Diamantino JL, Rosa HD, Crespo EG. 1996. Estudo da Herpetocenose do Parque Natural da Serra da Estrela: distribuição e diferenciação de algumas populações. Relatório Final de Projecto entre o PNRF e o CBA-FFCUL.

Paulo OS. 1996. Monitorização e Controle da População de *Lacerta lepida* da Ilha da Berlenga. Relatório técnico de Progresso de Projecto entre a RNB e o CBA-FFCUL.

Rosário I, Pinto I, Paulo OS. 1996. Estudo da Biologia da Conservação da Espécie de Camaleão, *Chamaeleo chamaeleon* no Algarve. Relatório técnico de progresso. Projecto PNRF e o CBA-FFCUL.

Pinheiro J, Rosário I, Pinto I, Paulo OS. 1996. Estudo da Biologia da Conservação da Espécie de Camaleão, *Chamaeleo chamaeleon* no Algarve. Relatório técnico de progresso. Projecto PNRF e o CBA-FFCUL.

Brito JC, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1995. Bases para uma Estratégia de Conservação de *Lacerta schreiberi* e seus habitats. Relatório anual. Projecto entre o ICN e o CBA-FFCUL.

Marques MJ, Paulo OS, Crespo EG. 1995. Caracterização das Herpetocenoses e Determinação das Áreas Prioritárias para a Conservação do Parque Natural de Sintra-Cascais. Relatório Final de Projecto entre o PNSC e o CBA- FFCUL.

Moreira PL, Brito-e-Abreu F, Rosa HD, Paulo OS, Crespo EG. 1994. Estudo da Herpetofauna do Planalto Central da Serra da Estrela. Projecto entre o PNSE e a FCUL

Crespo EG, Raimundo N, Pargana J, Zuiderwigk A, Oliveira ME, Rosa HD, Paulo OS. 1994. Bases para a Conservação da Biodiversidade: anfíbios do Parque Natural da Serra de São Mamede. Projecto STRIDE-JNICT e a FCUL.

Raimundo N, Marques J, Paulo OS. 1994. Relatório do Grupo de Herpetologia, Projecto Stride: Caracterização da Zona Envolvente de Évora. Projecto STRIDE-JNICT e a Universidade de Évora.

Bibliometria

Identificadores individuais

Identificador individual nas principais bases de dados bibliométricas:

Orcid: 0000-0001-5408-5212

ResearcherID/Publons: D-9921-2011

Scopus Author ID: 6602677193

Google Scholar: tcAFPwEAAAAJ

Métricas

Métricas do Google Scholar e Web of Science:

Google Scholar metrics (actualizado a 4/2/2020):

Citations : 2427

h-index: 24

i10-index: 48

since 2015

Citations : 1389

h-index: 17

i10-index: 34

Web of Science metrics (actualizado a 14/1/2020):

Results found: 76

Sum of the Times cited: 1490

Average citation per item: 19.61

h-index: 18

Variação temporal das publicações e citações

Total Publications

76 Analyze

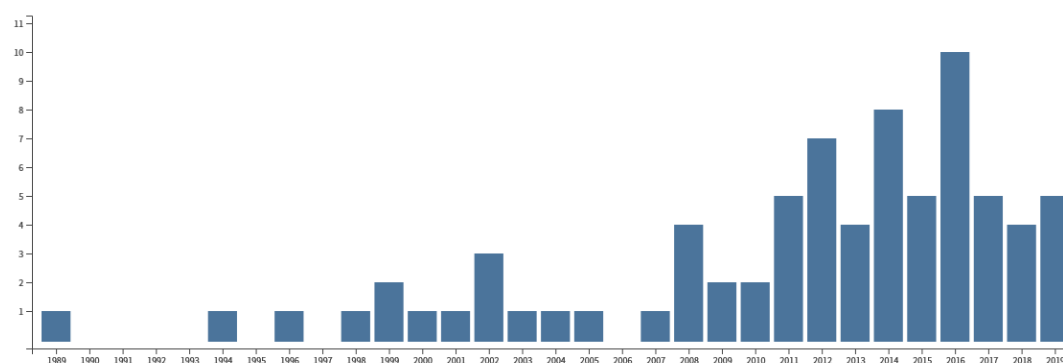


Figura 7 – Gráfico com o número de publicações por ano indexadas na Web of Science

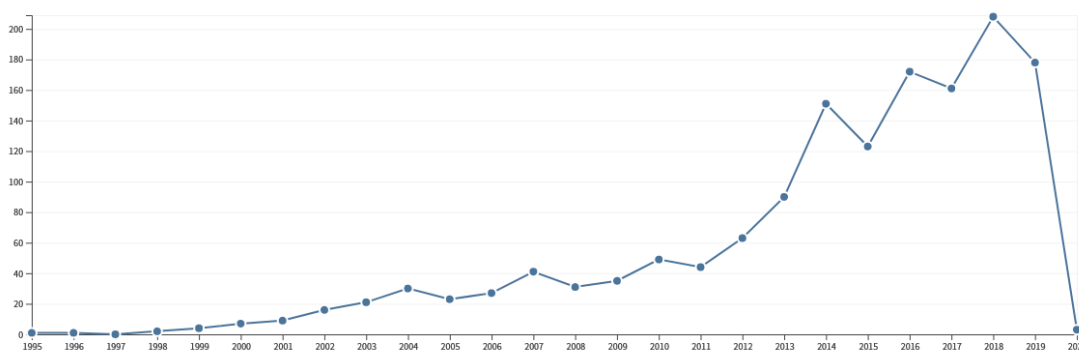


Figura 8 – Gráfico das citações por ano dos artigos científicos indexados na Web of Science

Projetos Científicos

Projetos com financiamento competitivo Internacional

Participação

Participante na ação Cost Super-B, 2016-2018.

CLiPS (Climate change and effect on Pollination Services) – Coordenação Universidade Mons e Ghent, Bélgica. Projeto financiado pelo sistema de financiamento científico Belga. Membro participante sem financiamento directo atribuído.

Projetos com financiamento competitivo Nacional

Coordenação

Para os projetos coordenados é indicado o resultado científico em termos de publicações indexadas, e teses de doutoramento e mestrado. As referências completas dos artigos mencionados encontram-se na secção de “Listagem de Publicações”. O Quadro XI resume o financiamento atribuído.

Keep Pace: Seleção de árvores capazes de acompanhar as rápidas alterações ambientais, base para a gestão de montados sustentáveis do século XXI – KeePace. LISBOA-01-0145-FEDER-029263 PTDC/ASP-SIL/29263/2017. 2018/em curso.

Consórcio de ESTs do Sobreiro - Detecção e validação de polimorfismos. FCT SOBREIRO/0036/2009, 2009/2011.

Resultados Científicos:

Projeto associado a uma tese de doutoramento, uma tese de mestrado e 4 artigos científicos: Modesto et al. 2014; Pereira-Leal et al. 2014; Sebastiana et al. 2014; Pina-Martins et al. 2016

Processo de especiação: avaliação da perspectiva génica. FCT POCI/BIA/59288/2004. 2005/2008.

Resultados Científicos:

Projeto associado a duas teses de Doutoramento e 6 artigos científicos: Miraldo et al. 2011; V. L. Nunes et al. 2011; Vera L. Nunes et al. 2011; Miraldo et al. 2012; Nunes et al. 2012; Miraldo et al. 2013.

Métodos de coalescência aplicados à análise populacional de microssatélites. FCT POCTI/BSE/47999/2002, 2003/2006.

Resultados Científicos:

Projeto associado a uma tese de mestrado e 1 artigo científico: Moreira et al. 2007.

Padrões filogeográficos na bacia do mediterrâneo. FCT POCTI/BSE/48365/2002, 2003/2006.

Resultados Científicos:

Projeto associado a uma tese de mestrado e 2 artigos científicos: Paulo et al. 2008; Fonseca et al. 2009

Quadro XI – Quadro síntese da coordenação de projetos com financiamento competitivo

Projeto	Data Início	Data Fim	Duração meses	Financiamento Total	Financiamento CBA/cE3c
Keep Pace: Seleção de árvores capazes de acompanhar as rápidas alterações ambientais, base para a gestão de montados sustentáveis do século XXI	27/09/2018	26/09/2021	36	239381,77	191486,12
Consórcio de ESTs do Sobreiro - Detecção e validação de polimorfismos	01/10/2009	31/05/2011	18	49480,00	49480,00
Processo de especiação: avaliação da perspectiva génica	01/07/2005	31/06/2008	36	50000,00	50000,00
Métodos de coalescência aplicados à análise populacional de microssatélites	01/10/2003	30/04/2007	36	55000,00	49861,00
Padrões filogeográficos na bacia do mediterrâneo	01/10/2003	30/04/2007	36	64680,00	36950,00
Total de Financiamento				458541,77	377777,12

Participação

Os Quadros XII e XIII, apresentam a síntese da participação, enquanto Doutorando, em projetos com financiamento competitivo liderados por membros do CoBiG2 ou outros, respectivamente.

Selection of *Cynara cardunculus* Genotypes for New Biotechnological Applications – the value chain improvement of cardoon, a well-adapted Mediterranean crop - MedCynaraBioTec. ALT20-03-0145-FEDER-039495. 2019/2022. Coordenação Fátima Duarte do CEBAL e ICAAM.

Climatic changes and plant genetic resources: the overlooked potential of Cabo Verde's endemic flora – CVAgrobiodiversity. AGA KHAN. 2018/em curso. Coordenação Prof. Maria Romeiras LEAF/ISA/UL.

Efeitos da eutrofização e clima nos polinizadores e provisão de serviços dos ecossistemas – EUCLIPO. FCT LISBOA-01-0145-FEDER-028360, 2018/em curso. Coordenação Prof. Luísa Carvalheiro, Universidade Federal Goiás/cE3c.

Explorando o resistoma aquático – ExplorAR. FCT PTDC/BIA-BMA/31451/2017, 2018/em curso. Coordenação Investigadora Elsa Dias INSA.

Patogenómica da ferrugem do cafeeiro para descobrir mecanismos de virulência e marcadores de diagnóstico - PATHOmics. FCT PTDC/ASP-PLA/29189/2017, 2018/em curso. Coordenação Investigadora Dora Batista cE3c-FCUL.

Uma estratégia integrada para o estudo do impacto das alterações climáticas em *Coffea* spp. - CoffeeOmic'sClimate. FCT PTDC/ASP-AGR/31257/2017. 2018/em curso Coordenação Investigador José Ramalho Cochicho, LEAF/ISA.

GO SILVPAST: Implementação custo-eficiente de mosaicos silvo-pastoris de carvalho negral. AÇÃO 1.1. GRUPOS OPERACIONAIS ID287, 2017/atualmente em curso. Coordenação Investigadora Vânia Proença, IST/Terraprima.

As ilhas da Macaronésia como laboratório para avaliar a biodiversidade em múltiplas escalas - MACDIV, FCT PTDC/BIABIC/0054/2014, 2016/2019. Coordenação Professor Paulo Borges (cE3c/UAçores).

Caracterização da formação da cortiça e da biologia reprodutiva numa população de híbridos de sobreiro - Hybridoak, FCT PTDC/AGR-FOR/3356/2014, 2016/2019. Coordenação Professora Leonor Morais Cecilio (LEAF/ISA/UL).

Limonium spp. como modelo para a apomixia autónoma: caracterização de factores genéticos moleculares que determinam processos reprodutivos apomíticos versus sexuais – APOMIXIS, FCT PTDC/AGRPRO/4285/2014, 2016/2019. Coordenação Doutora Ana Carpeta (LEAF/ISA/UL).

Genómica populacional e adaptativa da virulência na ferrugem alaranjada do cafeeiro (*Hemileia vastatrix*). FCT PTDC/AGR-GLP/119943/2010, 2012/2016. Coordenação Doutora Dora Batista (IICT/CIFC).

Novo processo produtivo associado ao combate das principais pragas com melhoria na qualidade do produto final e na gestão dos recursos naturais – gestão de largadas de

auxiliares comerciais e ação de limitação natural (Largadas). pRoder - nº contrato 020469046220/nº 46223. Participantes: Hortipor, Olhorta, ISA/UL, ESAS/IPV, FC/UL, 2013/2015.

Teste à congruência entre padrões de variação ao nível da morfologia, da acústica e da distância genética na divergência de espécies selecionadas de cigarras mediterrâneas (Insecta, Hemiptera) – CicadaCon. FCT PTDC/BIA-BIC/115511/2009, 2011/2014. Coordenação Prof. Doutora Paula Simões.

Biologia reprodutiva de cochonilhas-algodão e interações mediadas por feromonas: fundamentos para o desenvolvimento de táticas de proteção de base ecológica. FCT PTDC/AGR-AAM/099560/2008, 2010/2013. Coordenação do Prof. José Carlos Franco, ISA.

Avaliação dos recursos genéticos e genómicos do sobreiro: bases para uma gestão prospetiva. FCT PTDC/AGR-GPL/104966/2008, 2010/2013. Coordenação Dra. Dora Batista CBA/CIFC.

Valor adaptativo e base genética de um polimorfismo balanceado de coloração. FCT PTDC/BIA-BEC/098783/2008, 2010/2013. Coordenação Dra. Sofia G. Seabra, CBA/FCUL.

Promiscuidade em fêmeas: teste aos benefícios genéticos e mecanismos de seleção de espermatozoides. FCT PTDC/BIA-BDE/71390/2006, 2008/2011. Coordenação Dr. Pedro L. Moreira, CBA/FCUL.

Genética da Conservação de Espécies Ameaçadas de vertebrados Inferiores. PRAXIS XXI, JNICT 1996/1998. Responsabilidade científica do Professor Catedrático Eduardo G. Crespo.

Análise de ADN Aplicadas à Conservação da População Ameaçada de Sardões da Ilha da Berlenga. Ações Integradas Luso-britânicas 1993. Financiado pelo Conselho de Reitores Universidades Portuguesas e pelo British Council. Responsabilidade científica do Professor Catedrático Eduardo G. Crespo.

Quadro XII – Quadro síntese da participação em projetos com financiamento competitivo liderados por membros do CoBiG²

Projeto	Data Início	Data Fim	Duração meses	Investigador Principal	Financiamento Total	Financiamento CBA/cE3c
Patogenómica da ferrugem do cafeeiro para descobrir mecanismos de virulência e marcadores de diagnóstico	01/07/2018	30/06/2021	36	Dora Batista	239911,10	191473,60
Efeitos da eutrofização e clima nos polinizadores e provisão de serviços dos ecossistemas	01/07/2018	30/06/2021	36	Luisa Carvalheiro	239990,85	239990,85
Genómica populacional e adaptativa da virulência na ferrugem alaranjada do cafeeiro (<i>Hemileia vastatrix</i>)	01/03/2012	31/01/2016	42	Dora Batista	139539,00	23166,00
Teste à congruência entre padrões de variação ao nível da morfologia, da acústica e da distância genética na divergência de espécies selecionadas de cigarras mediterrâneas (Insecta, Hemiptera)	04/04/2011	03/04/2014	42	Paula Simões	122122,00	122122,00
Avaliação dos recursos genéticos e genómicos do sobreiro: bases para uma gestão prospetiva.	01/04/2010	31/03/2013	36	Dora Batista	128592,00	63496,00
Valor adaptativo e base genética de um polimorfismo balanceado de coloração	01/01/2010	31/12/2012	36	Sofia Seabra	144252,00	144252,00
Promiscuidade em fêmeas: teste aos benefícios genéticos e mecanismos de seleção de espermatozoides	01/10/2007	30/09/2010	36	Pedro Moreira	118000,00	118000,00
Total de Financiamento					1132406,95	967596,45

Quadro XIII – Quadro síntese da participação em projetos com financiamento competitivo

Projeto	Data Início	Data Fim	Duração meses	Investigador Principal	Instituição Proponente	Financiamento Total	Financiamento CBA/cE3c/FCUL
Selection of <i>Cynara cardunculus</i> Genotypes for New Biotechnological Applications – the value chain improvement of cardoon, a well-adapted Mediterranean crop	01/04/2019	01/03/2022	36	Fátima Duarte	CEBAL ICAAM	287663,84	0,00
Uma estratégia integrada para o estudo do impacto das alterações climáticas em <i>Coffea</i> spp.	01/10/2018	30/09/2021	36	José Cochicho	LEAF ISA	239981,78	19566,48
Climatic changes and plant genetic resources: the overlooked potential of Cabo Verde's endemic flora	15/11/2018	30/10/2021	36	Maria Romeiras	LEAF ISA	297123,00	27181,00
Explorando o resistoma aquático.	01/10/2018	30/09/2021	36	Elsa Dias	INSA	232148,05	33750,00
GO SILVPAST: Implementação custo-eficiente de mosaicos silvo-pastoris de carvalho negral.	01/07/2017	31/12/2021	54	Vânia Proença	Terraprima	230043,29	89462,71
Caracterização da formação da cortiça e da biologia reprodutiva numa população de híbridos de sobreiro	01/06/2016	30/11/2019	42	Leonor Cecilio	LEAF ISA	199987,00	38400,00
As ilhas da Macaronésia como laboratório para avaliar a biodiversidade em múltiplas escalas	01/06/2016	30/11/2019	42	Paulo Borges	cE3c	197628,00	0,00
<i>Limonium</i> spp. como modelo para a apomixia autónoma: caracterização de factores genéticos moleculares que determinam processos reprodutivos apomíticos versus sexuais	01/06/2016	30/11/2019	42	Ana Caperta	LEAF ISA	138336,00	80604,00
Novo processo produtivo associado ao combate das principais pragas com melhoria na qualidade do produto final e na gestão dos recursos naturais – gestão de largadas de auxiliares comerciais e ação de limitação natural (Largadas).	01/01/2013	31/12/2014	24	Elizabete Figueiredo	LEAF ISA	183253,88	53435,46
Biologia reprodutiva de cochonilhas-algodão e interações mediadas por feromonas: fundamentos para o desenvolvimento de táticas de proteção de base ecológica	01/04/2010	30/10/2013	42	José Franco	LEAF ISA	127533,00	13784,00
Total de Financiamento						2133697,89	469932,65

Contratos com financiamento competitivo Nacional

Coordenação

O Quadro XIV apresenta a síntese da coordenação de contratos com financiamento competitivo nacional.

Programa de monitorização para o património natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.1 – Monitorização de Cágados. Projecto financiado pela Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 1999/2003.

Programa de monitorização para o património natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.3 – Monitorização de Ofídios. Projecto financiado pela Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 1999/2003.

Programa de monitorização para o património natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) Projecto PMo4.2 – Monitorização de Saurios. Projecto financiado pela Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 1999/2003.

Programa de minimização para o património natural: estudos de biologia e de ecologia de animais (área de regolfo de Alqueva + Pedrogão) Bloco E) Fura-Pasto Ibérico. Projecto financiado pela Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 1999/2001.

Programa de minimização para o património natural estudos de biologia e de ecologia de animais (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) bloco d) Cágados. Projecto financiado pela Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 1999/2001.

Programa de minimização para o património natural estudos de biologia e de ecologia de animais (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) bloco f) Ofídios. Projecto financiado pela Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 1999/2001.

Quadro XIV – Quadro síntese da coordenação de contratos com financiamento competitivo.
Financiamento pela Empresa EDIA

Projecto	Data Início	Data Fim	Duração meses	Financiamento
Monitorização de Cágados - Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) EDIA Projecto PMo4.1	01/02/1999	31/12/2003	59	30000
Monitorização de Ofídios - Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) EDIA Projecto PMo4.3	01/02/1999	31/12/2003	59	28000
Monitorização de Saurios - Programa de Monitorização Para o Património Natural (Área de Regolfo de Alqueva+Pedrogão) EDIA Projecto PMo4.2	01/02/1999	31/12/2003	59	28000
Programa de minimização para o património natural: estudos de Biologia e de Ecologia de Animais (área de regolfo de Alqueva + Pedrogão) Bloco E) Fura-Pasto Ibérico.EDIA	01/02/1999	31/12/2001	35	18000
Programa de minimização para o património natural: estudos de Biologia e de Ecologia de Animais (área de regolfo de Alqueva + Pedrogão) bloco d) Cágados. EDIA	01/02/1999	31/12/2001	35	18000
Programa de minimização para o património natural: estudos de Biologia e de Ecologia de Animais (área de regolfo de Alqueva + Pedrogão) bloco f) Ofídios. EDIA	01/02/1999	31/12/2001	35	18000
Total de Financiamento				140000

Contratos com financiamento não-competitivo

Coordenação

O Quadro XV apresenta a síntese da coordenação, enquanto Doutorado, de contratos com financiamento não-competitivo nacional.

Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. Financiamento do Instituto para a Conservação da Natureza. Coordenação em colaboração com o Dr. Armando Loureiro do Instituto para a Conservação da Natureza e o Professor Doutor Nuno Ferrand da Universidade do Porto, 2002/2006.

Salvamento de Répteis na área de regolfo da barragem de Alqueva. Financiamento da Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 2003.

Identificação dos locais e respetivos proprietários para a recolocação de répteis da área do regolfo do Alqueva e Pedrógão. Financiamento da Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 2003.

Salvamentos de Rela (*Hyla meridionalis*) na Área de Regolfo da Barragem do Alqueva. Financiamento da Empresa de Desenvolvimento e Infraestruturas de Alqueva, 2002.

Monitorização e consultadoria sobre a população de Lagartos Ilha da Berlenga. Financiamento da Reserva Natural da Berlenga - Instituto de Conservação da Natureza, 2001.

Realização de sessão informática autónoma sobre a população de lagartos da Ilha da Berlenga. Financiamento da Reserva Natural da Berlenga-Instituto de Conservação da Natureza, 2001.

Estratégia de recuperação do Lagarto-de-água (*Lacerta schreiberi*) na Serra de Sintra. Financiamento do Parque Natural de Sintra Cascais – Instituto de Conservação da Natureza, 2000.

Recuperação da População de *Lacerta schreiberi* na Serra de Sintra. Financiamento do Parque Natural de Sintra Cascais – Instituto de Conservação da Natureza, 1995/1997.

Estudo da Biologia de Conservação da Espécies de Camaleão, *Chamaeleo chamaeleon* no Algarve. Financiamento do Parque Natural da Ria Formosa - Instituto de Conservação da Natureza, 1994/1999.

Monitorização e Controle da População de Lagartos *Lacerta lepida* da Ilha da Berlenga. Financiamento da Reserva Natural da Berlenga-Instituto de Conservação da Natureza, 1995/2001.

Estudo da Herpetocenose do Parque Natural da Serra da Estrela: e Distribuição e Diferenciação de Algumas Populações. Financiamento do Parque Natural da Serra da Estrela - Instituto de Conservação da Natureza. Co-responsável com o Dr. Humberto D. Rosa e o Prof. Eduardo G. Crespo. 1995.

Plano para a Conservação da População de Lagartos *Lacerta lepida* da Ilha da Berlenga. Financiamento da Reserva Natural da Berlenga-Instituto de Conservação da Natureza, 1993/1994.

Criação em Laboratório de Lagartos *Lacerta lepida* da Ilha da Berlenga. Financiamento da Reserva Natural da Berlenga, Serviço Nacional de Parques Reservas e Conservação da Natureza, 1991/1992.

Caracterização Biofísica do troço médio do Rio Guadiana. Responsável científico para a área da herpetologia. Financiamento da Comissão Coordenadora da Região Alentejo/Associação de Defesa do Património de Mértola, 1991/1992.

Estudo de referência da fauna Herpetologica da região próxima da povoação do Escoural (Montemor) para a empresa Naturiberica, 1989/1990.

Estudo do Camaleão, *Chamaeleo chamaeleon chamaeleon* na Região Algarvia. Financiado pelo Parque Natural da Ria Formosa, 1989.

Quadro XV – Quadro síntese da coordenação de contratos com financiamento não competitivo enquanto Prof.Auxiliar

Contrato	Data Início	Data Fim	Duração meses	Instituição Proponente	Financiamento Total	Entidade Financiadora	Financiamento CBA/cE3c
Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental	01/09/2002	31/12/2005	40	CBA CIBIO	262815,10	ICN	131407,60
Salvamento de Répteis na área de regolfo da barragem de Alqueva	26/05/2003	26/07/2004	14	CBA	11900,00	EDIA	11900,00
Salvamentos de Relã (<i>Hyla meridionalis</i>) na Área de Regolfo da Barragem do Alqueva.	01/03/2002	30/06/2004	28	CBA	28907,00	EDIA	28907,00
Identificação dos locais e respetivos proprietários para a recolocação de répteis da área do regolfo do Alqueva e Pedrógão.	01/03/2002	31/12/2002	10	CBA	4801,90	EDIA	4801,90
Total de Financiamento					308424,00		177016,50

Participação

Bases para uma Estratégia de Conservação de *Lacerta schreiberi* e seus Habitats. Projecto entre o Instituto de Conservação da Natureza e o Centro de Biologia Ambiental- Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa, 1994/1996. Responsabilidade científica do Professor Catedrático Eduardo G. Crespo

Bases para a Conservação das Populações e dos Habitats de *Lacerta monticola*. Projecto entre o Instituto de Conservação da Natureza e o Centro de Biologia Ambiental- Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa, 1994/1995. Responsabilidade científica do Professor Catedrático Eduardo G. Crespo.

Projecto de Caracterização da Zona Envolvente de Évora (componente da Herpetofauna) Projecto STRIDE-JNICT e a Universidade de Évora, 1994.

Bases para a Conservação da Biodiversidade – Anfíbios do Parque Natural da Serra de S.Mamede Projecto entre o programa STRIDE-JNICT (entidade financiadora) e a Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa, 1993/1994. Responsabilidade científica do Professor Catedrático Eduardo G. Crespo.

Estudo da Herpetofauna do Planalto central do Parque Natural da Serra da Estrela, 1993. Projecto entre o Parque Natural da Serra da Estrela/Serviço Nacional de Parques Reservas e Conservação da Natureza, (entidade financiadora) e Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. Responsabilidade científica do Professor Catedrático Eduardo G. Crespo.

Autonomia e liderança

Líder do grupo de investigação Computational Biology and Population Genomics Group (CoBiG²), do cE3c – Centre for Ecology, Evolution and Environmental Changes, desde a sua criação em 2008 até ao presente.

Responsável pela organização e comissão científica do XIV congresso da European Society for Evolutionary Biology, que decorreu em Lisboa em 2013 (<http://eseb2013.com/>).

Liderou a instalação de uma unidade de bioinformática para análise de dados genómicos resultantes das novas gerações de tecnologias de sequenciação de DNA. Esta unidade é atualmente composta por 4 High Performance Computers (HPCs) sediados no centro de informática do Edifício C1 da FCUL. Esta infraestrutura permite ao CoBiG² uma utilização diária e não restrita de HPCs através de terminais remotos e consequentemente um salto qualitativo substancial nas capacidades de análise bioinformática do grupo e das suas publicações.

Corresponsável pela criação e atual corresponsável pelo funcionamento do Laboratório de Genética do Edifício C2 da FCUL. Este laboratório cumpre a função de ser um laboratório de ensino e investigação.

Reconhecimento interpares

Prémios e Bolsas

1994-1999 - Bolsa Invotan 12/A/94/PO para estudos genéticos no âmbito do Doutoramento no estrangeiro por vários períodos no Institute of Zoology, The Zoological Society of London.

1993 - Análise de ADN Aplicadas à Conservação da População Ameaçada de Sardões da Ilha da Berlenga. Ações Integradas Luso-britânicas. Funded by Conselho de Reitores Universidades Portuguesas (CRUP) and British Council.

1992 – FLAD, Fundação Luso-Americana para o Desenvolvimento. Funding for participation in “The Fourth International Behavioral Ecology Congress”, University of Princeton, USA.

1989-1990 - Bolsa de Doutorado no país do Instituto Nacional de Investigação Científica entre Outubro de 1989 e Setembro 1990.

1986-1989 - Bolsa de Iniciação à Investigação do Instituto Nacional de Investigação Científica entre Outubro de 1986 e Setembro de 1989.

Atividades editoriais de avaliação em revistas científicas

Membro de conselhos editoriais

2017-2018. Editor of the Research Topic Genomics of Adaptation and Speciation. *Frontiers*, with Bart Pannebakker and Richard A. Nichols.

Review Editor da *Frontiers in Phylogenetics, Phylogenomics, and Systematics* e da *Frontiers in Evolutionary and Populations Genetics*, desde 2013.

Avaliação em revistas científicas

Indicação das revistas e número de revisões entre parênteses:

2019 – *Heredity* (1)

2018 - *Journal of Biogeography* (1)

2017 – *Journal of Biogeography* (1)

2016 – *Frontiers in Genetics* (1), *Frontiers in Plant Science* (2), *Molecular Ecology* (1).

2015 – *Journal of Biogeography* (2), *Frontiers in Plant Science* (1),

2014 - *Biological Journal of Linnean Society* (1), *Frontiers in Ecology and Evolution* (3), *Frontiers in Genetics* (2), *Journal of Mountain Science* (2), *Scientific Reports* (2), *Plant Biosystems* (3)

2013 - Scientific Reports (1), Heredity (1), Journal of Biogeography (1), Plos One (1).

2012 - Journal of Biogeography (1), Molecular Ecology (2), BMC Evolutionary Biology (1), Biological Journal of Linnean Society (1)

2011- Heredity (1), Diversity and Distribution (1), Molecular Ecology (2)

2010 - Molecular Ecology (1)

2009 - Molecular Ecology (1)

2008 - Molecular Ecology (1), Journal of Biogeography (1)

2007- Diversity and Distribution (1), Heredity (1), Molecular Ecology (1)

2006 - Molecular Phylogenetics and Evolution (3), Molecular Ecology (5)

2005 - Molecular Ecology (5), Proceedings of the Royal Society (1)

2004 - Molecular Ecology (4), Amphibia Reptilia (1)

2003- Molecular Ecology (1), Journal of Evolutionary Biology (1), Herpetological Journal (1), Molecular Phylogenetics and Evolution (1)

2001- Molecular Phylogenetics and Evolution (1)

Atividades de avaliação por pares

Esta secção repete a informação da secção “Participação na avaliação a candidaturas a programas científicos”

Avaliação de projetos

2019 – Avaliador para o programa Horizon 2020 Marie Skłodowska-Curie Actions Individual Fellowships (H2020-MSCA-IF)

2018 – Avaliador de projetos para o Comitato Nazionale dei Garanti per la Ricerca, Italy, Progetti di ricerca di Rilevante Interesse Nazionale, PRIN 2017.

2011-2012 – Avaliador de candidaturas a projetos do Sistema regional de ciência e tecnologia dos Açores.

2004 - Avaliador de projetos para o NERC – Natural Environment Research Council, UK

Avaliação de bolsas

2012 – Avaliador para a FCT de Bolsas de doutoramento e pós- doutoramento no painel das Ciências Biológicas.

2009-2012 - Avaliador para a FCT de Ações Bilaterais.

Comissões de programa de eventos científicos

Esta secção é integralmente repetida na secção “Participação e coordenação de iniciativas de divulgação científica: Junto da comunidade científica”

Coordenação

2013 – Chairman da organização do Congresso da European Society for Evolutionary Biology, 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal. <http://eseb2013.com/>

Participação

2019 – Membro da Comissão Científica e Moderador de sessões do 15º Congresso da Federação Europeia de Ecologia, 29 de Julho a 2 de Agosto, Lisboa, Portugal.

2019 – Moderador de sessão do Encontro com a Ciência e Tecnologia em Portugal, Ciência'19, 8-10 Julho, Lisboa, Portugal.

2018 – Membro da Comissão Científica do 2º Colóquio sobre a Flora e a Fauna dos Montados. 8 e 9 de Novembro, Grândola.

2006 – Membro do comité científico do IX Congreso Luso-Espanol/XIII Congreso Espanol de Herpetologia 5-8 de Outubro, San Sebastian, Espanha.

2005 – Membro do comité científico do Workshop - Bioinformatics: Knowledge discovery in Biology, 17 de Junho, Lisboa, Portugal.

2004 - Membro da comissão de organizadora do Workshop - The Quaternary Legacy – Phylogeography and climatic changes in Southern Europe, 22-23 de Outubro, Lisboa, Portugal.

1990 - Membro da comissão de organizadora do I Congresso Luso-Espanhol/V Congresso Espanhol de Herpetologia, 24 a 27 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Comunicações

Palestras por convite em eventos internacionais

2016 - Genómica, RADs e Associação Ambiental. Universidade Eduardo Mondlane, 4 de Agosto, Maputo, Moçambique.

2013 - Cork Oak: a new evolutionary perspective on the National tree. XIII Congresso Luso-Espanhol de Fisiologia Vegetal, 28 de Julho, Lisboa, Portugal.

2012 – On the origin of the Iberian Chameleons. I Congresso Internacional de Zooarqueologia em Portugal, 9 de Março, Lisboa, Portugal.

2010 - Adaptive significance and genetic basis of a balanced colour-polymorphism. 2nd UK RAD Sequencing Meeting National e-Science Centre, 31 de Agosto, Edinburgh, Reino Unido. Em colaboração com Seabra SG.

2010 - O que há de tão fantástico com a Herpetofauna Ibérica? Universidade Lusófona, 16 de Junho, Lisboa, Portugal.

2000 – The role of Pleistocene climatic conditions on the evolutionary history of an Iberian lizard *Lacerta schreiberi*. Queen Mary and Westfield College, University of London, 1 de Março, Londres, Reino Unido.

1999 – The role of Pleistocene climatic conditions on the evolutionary history of an Iberian lizard *Lacerta schreiberi*. University of Cardiff, 5 de Novembro, Cardiff, Reino Unido.

1999 – Comparative Phylogeography of two Iberian Lizards. Queen Mary and Westfield College, University of London, 2 de Novembro, Londres, Reino Unido.

1999 - Comparative Phylogeography of two Iberian Lizards. Institute of Zoology, 28 de Outubro, London, Reino Unido.

1996 – Chameleons situation in southern Portugal. Grupo de conservação da Sociedade Europeia de Herpetologia, 22 de Março, Olhão, Portugal.

Palestras por convite em eventos nacionais

2019 – O mestrado de Bioinformática e Biologia Computacional da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa. VIII Bioinformatics Open Days, 20 a 22 de Fevereiro, Universidade do Minho, Braga, Portugal.

2017 – Atividade de investigação do CoBiG2 no Sobreiro. Reunião anual do Centro de Competências do Sobreiro e da Cortiça, 26 Maio, Coruche, Portugal.

2017 - Um olhar populacional sobre a genómica de populações naturais. Universidade de Aveiro, 21 Junho, Aveiro, Portugal.

2016 - Biologia da Bata, da Bota e do Byte. IV Jornadas de Investigação em Biologia, NebFCUL. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa, 23 de Fevereiro, Lisboa, Portugal.

2015 - The Principle of Divergence. Darwin's Legacy Tea Party (Symposium and public debate). Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa, 17 de Abril, Lisboa, Portugal.

2015- The Computational Biology and Population genomics Group. Bioinformatics Open Day, 9 a 10 de Abril, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa, Portugal.

2013 – Cork Oak: the unknown history of the national tree. Geografia dos Paleoclimas e das Mudanças Climáticas. Faculdade de Letras da Universidade de Lisboa, Instituto de Geografia e Ordenamento do Território, 10 de Abril, Lisboa, Portugal.

2012 – Phylogenetic Inference. 2nd Workshop on Bio-Optimization, 22 de Setembro, Lisboa, Portugal.

2012- Western Mediterranean Phylogeography: a perspective from several case studies. Modern Biogeography - From Phylogeography and Landscape Genetics to Land-use Planning and Management. Sociedade Geográfica de Lisboa, 11 de Abril, Lisboa, Portugal.

2011 - Cork Oak genetic differentiation and diversity. Present and Future of Cork Oak in Portugal, 21 de Outubro, Oeiras, Portugal. Em colaboração com Batista D.

2011 - Do genoma Humano ao genoma de todos. Biologia na noite. Universidade de Aveiro, 2 de Maio, Aveiro, Portugal.

2010 - Aplicação de metodologias genómicas na deteção de polimorfismos no sobreiro. Ciência 2010 – Encontro com a Ciência e Tecnologia em Portugal, 5 de Julho, Lisboa. Portugal.

2010 - Biodiversidade e Conservação. 22 de Novembro, Academia das Ciências, Lisboa, Portugal. Em parceria com Romeiras MM.

2010 - MSc. Program in Bioinformatics and computational Biology. Translational Bioinformatics in Lisbon, Instituto Gulbenkian de Ciências, 14 de Junho, Oeiras, Portugal.

2010 - The Computational Biology and Population Genomics Group: a general framework and a case study. Encontros Scientia, Centro de Biologia Ambiental, 10 de Fevereiro, Lisboa, Portugal.

2009 - O legado de Darwin: as ideias que abalaram o mundo. Ciclo de conferências - A rEvolução Darwiniana A rEvolução Darwiniana, session “A evolução como ideia”. Universidade Nova de Lisboa, 11 de Março, Lisboa, Portugal. Oradora Batista D.

2009 - Illustrating Evolution: Starting from Darwin’s tree of life to the present molecular phylogenetic trees. DARWIN E A ILUSTRAÇÃO CIENTÍFICA. Colóquio e workshop organizados pelo Projecto “A Imagem na Ciência e na Arte” do Centro de Filosofia das Ciências da Universidade de Lisboa, com o apoio da Ciência Viva. 22 de Abril, Lisboa, Portugal. Oradores Romeiras MM e Paulo OS, em colaboração com Batista D

2002 - É a nested clade analysis eficiente na recuperação da história das populações? Encontros Scientia – Centro de Biologia Ambiental, Universidade de Lisboa, 29 de Janeiro, Lisboa, Portugal.

1996 - Conservação de Anfíbios e Répteis. VII Curso de Atualização em Ecologia e Conservação da Natureza, Liga para a Protecção da Natureza, 8 de Fevereiro, Lisboa, Portugal.

Palestras em conferencias internacionais

(orador sublinhado)

Silva SE, Seabra SG, Carvalheiro LG, Nunes VL, Marabuto E, Mendes R, Rodrigues ASB, Laurentino TG, Paulo OS. 2018. Unravelling patterns of population structure in *Bombus terrestris* from the Iberian Peninsula and North Africa. 8th Congress of Apidology, EurBee. 18 – 20 de Setembro, Ghent, Belgium.

Seabra SG, Silva SE, Nunes VL, Sousa VC, Martins J, Pina-Martins F, Rebelo MT, Figueiredo E, Paulo OS. 2018. Genomic signatures of introgression between commercial and native bumblebees, *Bombus terrestris*, in the Iberian Peninsula – implications for conservation and trade regulation. 8th Congress of Apidology, EurBee. 18 – 20 Setembro, Ghent, Belgium.

Batista D, Silva DN, Modesto I, Miguel C, Várzea V, Paulo OS, Silva MC. 2018. Pathogenomics of coffee rust: new Insights and future challenges. 27th International Conference on Coffee Science – ASIC 2018, 15 -20 Setembro, Portland, USA.

Costa GJ, Nunes VL, Marabuto E, Mendes R, Pons P, Bas JM, Hertach T, Paulo OS, Simões PC. 2017. Long time no see! The description and story of a small cicada lost in Africa. Comunicação oral apresentada em: Young Systematists' Forum, 1 Dezembro, Natural History Museum, London, UK.

Rodrigues AS, Silva SE, Seabra SG, Paulo OS. 2017. Adaptive significance and genetic basis of the dorsal colour polymorphism of *Philaenus spumarius*. XVI Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 20 – 25 Agosto, Groningen, the Netherlands.

Silva SE, Seabra SG, Nunes V, Marabuto E, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Laurentino TG, Rebelo MT, Martins J, Figueiredo E, Carvalheiro LG, Paulo OS. 2016. Using genomics to understand environmental adaptation of Iberian bumblebees and assess the impact of the

use of commercial lineages for crop pollination. Super-B Meeting (5 – 6 September 2016) and 7th EURBEE Congress of Apidology, 7 – 9 Setembro, Cluj – Napoca, Romania.

Seabra SG, Silva SE, Nunes V, Martins J, Marabuto E, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Laurentino TG, Rebelo MT, Carvalheiro LG, Figueiredo E, Paulo OS. 2016. Genomic approaches to assess environmental adaptation and detect signatures of introgression between commercial and native pollinators in the Iberian Peninsula XVII Congresso Ibérico de Entomologia, 5 – 8 Setembro, LNEC, Lisboa, Portugal.

Costa G, Nunes V, Marabuto E, Mendes R, Pons P, Bas JM, Hertach T, Paulo OS, Simões P. 2016. Phylogenetic multilocus assessment of the cicada genus *Tettigetta* Puissant, 2010 (Hemiptera: Cicadettini) reveals interesting details on this group's history. XVII Congresso Ibérico de Entomologia, 5 – 8 Setembro, LNEC, Lisboa, Portugal.

Romeiras MM, Vieira A, Silva D, Moura M, Santos-Guerra A, Batista D, Duarte MC, Paulo OS. 2016. Phylogenetic analysis of wild beets (*Beta* s.l. *Amaranthaceae*) suggests species radiation as a putative consequence of the Messinian Salinity Crisis. Island Biology 2016 - II International Conference on Island Evolution, Ecology, and Conservation, 18-22 Julho, Terceira Island, Azores, Portugal.

Silva DN, Várzea V, Pereira AP, Paulo OS, Batista D. 2016. Population genomic analyses of *Hemileia vastatrix* isolates reveal a host-related genetic structuring and evidence of introgression and recombination. 26th International Conference on Coffee Science – ASIC 2016, 13-19 Novembro, Kunming, China.

Vieira A, Silva DN, Várzea V, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2016. Unraveling the genomics of adaptation of *Colletotrichum kahawae* to *Coffea arabica*. 26th International Conference on Coffee Science – ASIC 2016, 13-19 Novembro, Kunming, China.

Marabuto E, Rebelo MT, Paulo OS. 2013. From Africa and back again: biogeography and differentiation of a specialist West-Mediterranean butterfly in a fragmented glacial refuge. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Pina-Martins F, Vieira BM, Seabra SG, Batista D, Paulo OS. 2013. Making the best of your 454 dataset using the 4Pipe4 analysis pipeline – from an unknown genome to a detailed SNPs analysis: A case study with a *Quercus suber* dataset. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Seabra SG, Rodrigues AS, Silva SE, Silva J, Marabuto E, Pina-Martins F, Gharbi K, Blaxter M, Borges PAV, Jiggins C, Quartau JA, Paulo OS 2013. Experimental and genomic approaches in the study of the balanced colour-polymorphism of the meadow spittlebug (*Philaenus spumarius*). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Talhinhas P, Azinheira HG, Vieira B, Loureiro A, Tavares S, Batista D, Morin E, Petitot AS, Paulo OS, Poulain J, Da Silva C, Duplessis S, Silva MC, Fernandez D. 2013. Overview of the functional virulent genome of the coffee leaf rust pathogen, *Hemileia vastatrix*. XIII Congresso Luso-Espanhol de Fisiologia Vegetal, 24-28 Julho, Lisboa, Portugal.

Simões F, Varandas M, Costa J, Ribeiro C, Mendonça D, Borges C, Veloso M, Matos J, Almeida H, Paulo OS, Batista D. 2013. Mediterranean patterns of genetic diversity and differentiation in *Quercus suber* populations. XIII Congresso Luso-Espanhol de Fisiologia Vegetal, 24 a 28 Julho, Lisboa, Portugal.

Seabra SG, Silva SE, Rodrigues AS, Yurtsever S, Quartau JA, Paulo OS. 2013. Differential survival and reproduction of the colour morphs of the meadow spittlebug, *Philaenus spumarius* (Hemiptera, Aphrophoridae). 14th International Auchenorrhyncha Congress, 7- 12 de Julho, Yangling, China.

Simões PC, Nunes VL, Mendes R, Quartau JA, Seabra SG, Paulo OS. 2013. Testing congruence among patterns of acoustic, morphological and genetic variation in genus *Tettigettalna* from southern Europe (Hemiptera: Cicadidae): introductory results. 14th International Auchenorrhyncha Congress, 7-12 de Julho, Yangling, China.

Paulo OS, Costa JS, Pina-Martins F, Modesto I, Simões F, Matos J, Almeida H, Miguel C, Veloso M, Oliveira MM, Ricardo C, Batista D. 2012. Cork Oak evolutionary history and population structure. IUFRO Conference “Genetics of Fagaceae and Nothofagaceae”, 9-12 Outubro, Bordeaux, França.

Talhinhas P, Azinheira HG, Diniz I, Santos D, Loureiro A, Várzea V, Batista D, Paulo OS, Petitot A-S, Fernandez D, Silva MC. 2012. Pre-haustorial resistance of coffee HDT832/2 to leaf rust unveiled by transcriptome 454 pyrosequencing. 10th Conference of the European Foundation for Plant Pathology, 1-5 de Outubro, Wageningen, Holanda.

Romeiras MM, Vieira A, Santos-Guerra A, Moura M, Batista D, Paulo OS, Duarte MC. 2012. Molecular phylogeny of wild relatives of sugar beet (*Beta* and *Patellifolia* genera: Amaranthaceae) in Portugal and Macaronesian Islands. FloraMac2012. International Symposium about the Macaronesian flora. 5 de Setembro, University of Madeira, Funchal, Ilha da Madeira, Portugal.

Silva DN, Talhinhos P, Loureiro A, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2012. Danger lurks from unsuspecting origins: A case of ecological speciation promoting the rapid emergence of a fungal pathogen through host-jump into coffee. 1st Joint Congress on Evolutionary Biology "Evolution 2012", 6-10 de Julho, Ottawa, Ontario, Canadá.

Talhinhos P, Azinheira HG, Vieira A, Loureiro A, Vieira B, Pina-Martins F, Batista D, Tisserant E, Morin E, Petitot AS, Paulo OS, Duplessis S, Silva MC, Fernandez D. 2010. Transcriptomic analysis of *Hemileia vastatrix* in pre and post-penetration stages. 9th Conference of the European Foundation for Plant Pathology / 6 th Congress of the Sociedade Portuguesa de Fitopatologia, 15-18 de Novembro, Évora, Portugal.

Silva DN, Talhinhos P, Várzea V, Loureiro A, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2010. Population structure of *Colletotrichum kahawae*, the causal agent of coffee berry disease (CBD): Insights from a multi-locus approach. 23rd International Conference on Coffee Science, ASIC (Association for Science and Information on Coffee), 3-8 de Outubro, Bali, Indonésia.

Talhinhos P, Azinheira HG, Loureiro A, Batista D, Vieira B, Pina-Martins F, Tisserant E, Petitot AS, Paulo OS, Duplessis S, Silva MC, Fernandez D. 2010. Overview of the functional virulent genome of the coffee leaf rust pathogen *Hemileia vastatrix*. 23rd International Conference on Coffee Science, ASIC (Association for Science and Information on Coffee), 3-8 de Outubro, Bali, Indonésia.

Mendes LF, Costa J, Bach de Roca C, Gaju-Ricart M, Fonseca P, Seabra S, Molero-Baltanás R, Paulo OS. 2010. Molecular phylogeny of some Dilita Strand, 1911 species and its relationships with the morphological data (Microcoryphia: Machilidae) The 8th International Seminar on Apterygota, 12-16 de Setembro, Certosa di Pontignano, Siena, Itália.

Vieira BM, Pina-Martins F, Seabra SG, Paulo OS. 2010. Analysis of software for the NGS technology: The Survival Guide. XXIV European Conference on Operational Research, 11-14 de Julho Lisbon, Portugal.

Costa R, Batista D, Dinis LT, Martins L, Paulo O, Araújo J, Laranjo LG. 2009. A breeding programme implemented for disease resistance in european chestnut: Inter-specific crosses between *Castanea sativa* L. and asian species. 1st European Congress on Chestnut / 5º Convegno Nazionale Castagno, 13-16 de Outubro, Cuneo, Itália.

Batista D, Nunes V, Paulo OS, Costa R. 2008. SSR and AFLP Segregation in F1 Hybrids between *C. sativa* x *C. crenata* and *C. sativa* x *C. mollissima*. IV International Chestnut Symposium, ISHS, 25-28 de Setembro, Beijing, China.

Miraldo AA, Hewitt GM, Paulo OS, Emerson BC. 2007. Mitochondrial DNA heteroplasmy and recombination in a reptilian secondary contact zone. XI Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 20-25 de Agosto, Uppsala, Suécia.

Loureiro A, Pinheiro J, Brito JC, Maymone M, Carretero M, Sillero N, Ferrand N, Ribeiro R, Ribeiro SB, Paulo OS. 2004. Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental – Evolução do Projecto. Congresso de Herpetologia, Málaga, Espanha.

Paulo OS, Jordan WC, Bruford MW, Nichols RA. 2002. Total Recall: Is nested clade analysis an efficient method to recover population history?. International Symposium in Phylogeography in Southern European Refugia, 11-15 de Março, Vairão, Portugal.

Paulo OS, Pinto I, Maymonne M, Pinheiro J. 2001. Caracterização e Conservação das populações Portuguesas de Camaleões. II Jornadas sobre a biología y conservación del camaléon, 9 de Junho, Jerez de la Frontera, Espanha.

Paulo OS, Dias C, Bruford MW, Nichols RA. 2000. Phylogeography of the Iberian Lizard *Lacerta schreiberi*. Students meeting Institute of Zoology, Zoological Society of London, London, Reino Unido.

Paulo OS, Dias C, Bruford MW, Nichols RA. 2000. Phylogeography of the Iberian lizard *Lacerta schreiberi*: the role of Pleistocene climatic conditions. VI Congreso Luso-Espanhol, X Congreso Español de Herpetología, 11-15 de Julho, Valencia, Espanha.

Paulo OS, Bruford MW, Nichols RA. 2000. The role of Pleistocene climatic conditions on the evolutionary history of an Iberian lizard *Lacerta schreiberi*. Meeting 'Population genetics group', 4-7 de Janeiro, Exeter, Reino Unido.

Paulo OS, Godinho R, Brito JC, Crespo EG, Hall H, Nichols RA, Bruford MW. 1997. Genetic differentiation of two Iberian lizard species using mtDNA sequences. III International Symposium on Mediterranean Lacertids, Croácia.

Rodrigues AS, Marques MJ, Paulo OS. 1997. Selection of priority areas for conservation: an iterative model. Annual Meeting Society for Conservation Biology, Victoria, Canada.

Paulo OS. 1996. Quem tramou os lagartos da ilha da Berlenga?. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Pinheiro JF, Maymone M, Paulo OS. 1996. Comportamento espacial e estrutura social da população de lagartos (*Lacerta lepida*) da ilha da Berlenga. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Godinho MR, Diamantino JL, Paulo OS. 1996. Análise da distribuição da herpetocenose no Parque Natural da Serra da Estrela, recorrendo à utilização de um Sistema de Informação Geográfica 1996. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Luís C, Brito JC, Rebelo R, Marques MJ, Maymone M, Paulo OS, Crespo EG. 1996. Elementos de autoecologia em populações portuguesas de *Lacerta schreiberi*. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Cabanita R, Pinheiro JF, Maymone M, Paulo OS, Crespo EG. 1996. Estrutura demográfica de três populações de Sardões (*Lacerta lepida*). IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Godinho MR, Paulo OS, Luís C, Rosa HD, Crespo EG. 1996. Diferenciação genética de algumas populações de *Lacerta schreiberi* (SAURIA; LACERTIDAE). IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Marques MJ, Mourão P, Paulo OS. 1996. Caracterização da herpetocenose do Parque Natural de Sintra-Cascais. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Marques MJ, Godinho MR, Rainho A, Paulo OS, Crespo EG. 1996. *Rana* spp. e *Alytes* spp: áreas de simpatria no Parque Natural da Serra de S. Mamede. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Marques MJ, Maymone M, Luís C, Brito JC, Catalão I, Paulo OS. 1996. Plano da Recuperação da População de *Lacerta schreiberi* (Lagarto-de-água) na Serra de Sintra. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Moreira PL, Almeida AP, Crespo EG, Paulo OS. 1996. Efectivo da população da lagartixa-da-montanha na Serra da Estrela, Portugal. 1996. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Rodrigues AS, Paulo OS. 1996. Tentando ver para além do óbvio: selecção de áreas prioritárias para a conservação 1996. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Brito JC, Crespo EG, Paulo OS. 1996. Uso de SIG e regressão logística para modelação da distribuição do Lagarto-de-água (*Lacerta schreiberi*) em Portugal: abordando a autocorrelação espacial. 1996. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Rosário I, Pinto I, Paulo OS. 1996. Comportamento espacial de *Chamaeleo chamaeleon* no Sul de Portugal. IV Congresso Luso-Espanhol/VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Brito e Abreu F, Brito JC, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1994. Projecto de estudo sobre a distribuição e os habitats de *Lacerta schreiberi* em Portugal. III Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia/VII Congresso Espanhol de Herpetologia, 19-23 de Setembro, Badajoz, Espanha.

Brito e Abreu F, Moreira PL, Rosa HD, Paulo OS, Crespo EG. 1994. A herpetofauna do Planalto Central da Serra da Estrela, Portugal III Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia/VII Congresso Espanhol de Herpetologia, 19-23 de Setembro, Badajoz, Espanha.

Raimundo N, Pargana JM, Paulo OS, Rosa HD, Viegas AM, Crespo EG. 1994. A Diversidade de anfíbios no Parque Natural da Serra de S. Mamede, Portugal. III Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia/VII Congresso Espanhol de Herpetologia, 19-23 de Setembro, Badajoz, Espanha.

Moreira P, Almeida P, Brito e Abreu F, Paulo OS, Crespo EG. 1994. Efeito do habitat na demografia e comportamento espacial de *Archaeolacerta monticola*. III Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia/VII Congresso Espanhol de Herpetologia, 19-23 de Setembro, Badajoz, Espanha.

Paulo OS. 1990. Estocástica vs Determinismo. O problema da estabilidade numa população de lagartos. I Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia/V Congresso Espanhol de Herpetologia, 24-26 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Paulo OS, Moreira F. 1990. Estudo e avaliação da importância herpetológica de uma área. I Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia/V Congresso Espanhol de Herpetologia, 24-26 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Paulo OS. 1989. Estudo eco-etológico da população de *Lacerta lepida* da Ilha da Berlenga. IV Congresso Nacional de Herpetologia, 6-8 de Dezembro, Madrid, Espanha.

Paulo OS, Vicente LA. 1987. Uma população insular de *Lacerta lepida* (Daudin, 1802) (Sauria, Lacertidae) - Novos dados eco-etológicos. II Congresso Nacional de Herpetologia, 6-8 de Dezembro, Salamanca, Espanha.

Paulo OS. 1987. A importância da Reserva Natural da Ilha da Berlenga para o estudo do modelo Réptil. I Congresso Nacional de Áreas Protegidas, 15-17 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Paulo OS, Vicente LA. 1986. Novos dados da distribuição de *Rana iberica* (Boulanger 1879) (Amphibia: Salienta) em Portugal. I Congresso Nacional de Herpetologia, 1-3 de Novembro, Benicàssim, Espanha.

Palestras em conferências nacionais

(orador sublinhado)

Batista D, Silva DN, Vieira A, Loureiro A, Pina-Martins F, Pereira AP, Guerra-Guimarães L, Azinheira HG, Miguel C, Silva MC, Várzea V, Paulo OS. 2018. An integrative genomics approach to probe virulence mechanisms and evolution in a coffee pathogen. Frontiers in E3, 4th cE3c Annual Meeting, 9-10 Julho, FCUL, Lisboa, Portugal.

Silva SE, Nunes V, Seabra SG, Marabuto E, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Rebelo MT, Martins J, Figueiredo E, Paulo OS. 2017. The buff-tailed bumblebees in Iberian Peninsula: how are populations genetically structured and how do they cope with the introduction of commercial

lineages? Frontiers in E3, 3th cE3c Annual Meeting, 5 – 6 Junho, Complexo Científico do Campus de Ponta Delgada da Universidade dos Açores.

Seabra SG, Rodrigues ASB, Silva SE, Marabuto E, Pina-Martins F, Borges PAV, Quartau JA, Paulo OS. 2017. The colour polymorphic meadow spittlebug as an ecological model species for the study of genomics of adaptation. Frontiers in E3, 3th cE3c Annual Meeting, 5 – 6 Junho, Complexo Científico do Campus de Ponta Delgada da Universidade dos Açores.

Pina-Martins F, Paulo OS. 2017. Acorns of code: The role of bioinformatics in determining the consequences of climate change for cork oak populations. 6th Bioinformatics Open Days, 22 - 24 Fevereiro. Braga. Portugal.

Silva DN, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2017. Population genomics unravels the evolutionary potential of the coffee pathogen *Hemileia vastatrix* with direct impact on disease management. Proteção das Plantas 2017 (PdP2017)- 2º Simpósio da Sociedade de Ciências Agrárias de Portugal (SCAP) de Proteção das Plantas; 8º Congresso da Sociedade Portuguesa de Fitopatologia (SPF) & 11º Encontro Nacional de Proteção Integrada. 26-27 Outubro. Escola Superior Agrária de Santarém, Santarém, Portugal.

Vieira A, Diniz I, Loureiro A, Pereira AP, Silva MC, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2017. Profiling and genome-wide association mapping of aggressiveness in *Colletotrichum kahawae*. Proteção das Plantas 2017 (PdP2017)- 2º Simpósio da Sociedade de Ciências Agrárias de Portugal (SCAP) de Proteção das Plantas; 8º Congresso da Sociedade Portuguesa de Fitopatologia (SPF) & 11º Encontro Nacional de Proteção Integrada. 26-27 Outubro. Escola Superior Agrária de Santarém, Santarém, Portugal.

Pina-Martins F, Batista D, Pappas GJ, Paulo OS. 2015. Uncorking the evolutionary history of cork oak populations. From past fragmentation to present unification – and future uncertainty. Encontro Nacional de Biologia Evolutiva. 21 Dezembro, Faculdade de Ciência e Tecnologia, Portugal.

Mendes R, Nunes VL, Marabuto E, Paulo OS, Quartau JA, Simões PC. 2015. Cryptic diversity in *Tettigettalna helianthemii* (Rambur, 1840) (Hemiptera: Cicadidae) in the Betic mountains, Spain. Encontro sobre Biodiversidade e Conservação de Invertebrados em Portugal, 12-13 Dezembro, Seia, Portugal.

Silva MC, Diniz I, Figueiredo A, Loureiro A, Fino J, Batista D, Bicho J, Ferreira LM, Lourenço AM, Guerra-Guimarães L, Azinheira H, Pereira AP, Talhinhas P, Oliveira, H, Paulo OS, Moncada P,

Pais MS, Gichuru EK, Várzea V. 2014. An Integrative Approach to Characterize Coffee Resistance to *Colletotrichum kahawae*. 1º Simpósio da Sociedade de Ciências Agrárias de Portugal (SCAP) & 7º Congresso da Sociedade portuguesa de fitopatologia (SPF) – Novos desafios na proteção de plantas, 20-21 Novembro, INIAV, Oeiras, Portugal.

Figueiredo E, Godinho MC, Mateus C, Martins J, Valério E, Silva EB, Silva R, Paulo OS, Gago G, Seabra SG, Rebelo MT, Mexia A. 2014. Protecção biológica de conservação e gestão de largadas de auxiliares comerciais. Congresso “Investigação, Inovação e Tecnologia: novos desafios”. 6-7 de Fevereiro, Santarém, Portugal.

Mateus C, Martins J, Ramos C, Matos O, Seabra SG, Paulo OS, Franco JC, Rebelo MT, Nunes R, Marcelino J, Garcia A, Brás P, Martins R, Figueiredo E. 2013. Contribuição para o conhecimento da mosca-tigre, *Coenosia attenuata* Stein (Diptera: Muscidae), como agente de luta biológica em culturas protegidas. Encontro sobre Biodiversidade e Conservação de Invertebrados em Portugal, 3-5 de Julho, Lisboa, Portugal.

Seabra SG, Rodrigues AS, Silva SE, Marabuto E, Borges P, Quartau JA & Paulo OS. 2011. Adaptive significance of a multi-allelic balanced colour-polymorphism – Experiments in captivity and population genomics approach. VII Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Coimbra, Portugal.

Silva DN, Talhinhas P, Lei C, Manuel L, Guichuru EK, Loureiro A, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2011. Host-jump drives rapid and recent ecological speciation of the emergent fungal pathogen *Colletotrichum kahawae*. VII Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Coimbra, Portugal.

Silva DN, Loureiro A, Talhinhas P, Várzea V, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2011. Coffee Berry Disease: Understanding the pathogen for disease control. Meeting on Plant Microbe Interactions, Braga, Portugal.

Nunes VL, Miraldo A, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2010. Association of Mc1r variants with ecologically relevant phenotypes in the European ocellated lizard, *Lacerta lepida*. XXXV Jornadas Portuguesas de Genética, 31 de Maio a 2 de Junho, Braga, Portugal.

Maymone M, Pinheiro JF, Barbosa E, Miraldo A, Pinto I, Geraldês P, Paulo OS. 2003. Resultados finais dos Estudos de Biologia e Ecologia e/ ou resultados da 1ª fase do Programa de Monitorização. 2º Encontro de Trabalhos em Biologia no Alqueva, 3-4 de Outubro, Évora, Portugal.

Paulo OS, Pinto I, Pinheiro J, Maymone M, Dias C. 2001. Fragmentação de populações naturais: causas e consequências para a sua gestão. 6º Encontro Nacional de Ecologia – Fragmentação de habitats e populações, 1-3 de Novembro, Lisboa, Portugal.

Pinheiro JF, Maymone M, Pinto I, Geraldès P, Paulo OS. 2000. Estudo da Distribuição de Ofídios, Cágados e Saurios na área do Regolfo de Alqueva e Pedrogão. 1º Encontro sobre os Trabalhos em Biologia no Alqueva, 7 de Junho, Beja, Portugal.

Paulo OS, Pinheiro JF, Maymone M, Geraldès P, Pinto I. 2000. Aspectos de Minimização e Monitorização dos Impactos da Barragem de Alqueva nas Populações de Répteis. 1º Encontro sobre os Trabalhos em Biologia no Alqueva, 7 de Junho, Beja, Portugal.

Brito JC, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1995. Alguns aspectos sobre o lagarto de água *Lacerta schreiberi* no Alentejo: distribuição, habitats e densidades. Jornadas sobre a Biodiversidade no Alentejo e Estremadura Espanhola, Outubro, Évora, Portugal.

Paulo OS, Rodrigues AS, Marques MJ, Rosa HD, Crespo EG. 1995. Modelo de avaliação de áreas prioritárias para a conservação das comunidades de anfíbios e répteis: o papel dos ecossistemas ribeirinhos. Congresso Nacional de Conservação da Natureza, 15-17 de Novembro, Lisboa, Portugal.

Brito JC, Brito e Abreu F, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1994. Distribuição e habitats do lagarto-de-água, *Lacerta schreiberi*, em Portugal. Congresso sobre a Fauna dos Ecossistemas Agrícolas e Silvícolas, 25-27 de Novembro, Castro Verde, Portugal.

Paulo OS, Raimundo N, Moreira PL, Carneiro L, Marques J, Crespo EG. 1994. Fauna Herpetológica do Alentejo - Os resultados de duas áreas de estudo. Congresso sobre a Fauna dos Ecossistemas Agrícolas e Silvícolas, 25-27 de Novembro, Castro Verde, Portugal.

Crespo EG, Paulo OS, Rosa HD, Moreira PL, Brito e Abreu F, Pargana JM, Raimundo N. 1994. Estudos de Herpetocenoses em Áreas Protegidas. 3º Congresso Nacional de Áreas Protegidas, 17-20 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Brito e Abreu F, Moreira PL, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1994. A Herpetofauna do Planalto Central da Serra da Estrela. II Seminário Técnico de Conservação da Natureza na Serra da Estrela, 27-28 de Maio, Guarda, Portugal.

Paulo OS. 1993. Recuperação da população de lagartos da Ilha da Berlenga. Seminário Etologia e Conservação da Natureza, 2-3 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Paulo OS. 1989. Situação atual da espécie *Chamaeleo chamaeleon* no sul de Portugal. II Congresso Nacional de Áreas Protegidas, 4-6 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Paulo OS. 1987. A importância da reserva natural da Ilha da Berlenga para o estudo do modelo réptil. I Congresso Nacional de Áreas Protegidas, 15-17 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Painéis em conferências internacionais

Seabra SG, Silva SE, Nunes VL, Sousa VC, Martins J, Marabuto E, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Laurentino TG, Rebelo MT, Paulo OS, Figueiredo E. 2018. Potential negative impacts of commercial bumblebees on native conspecifics - genetic contamination and parasite spillover. 14th Meeting of the IOBC-WPRS Working Group Integrated control in protected crops, Mediterranean climate. 4 – 7 Setembro, INIAV, Oeiras, Portugal.

Vieira A, Silva DN, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2018. Novel insights on colonization routes and evolutionary potential of *Colletotrichum kahawae*. 27th International Conference on Coffee Science – ASIC 2018, 15-20 Setembro. Portland, USA.

Cusatis AC, Rodrigues ASB, Silva SE, Modesto I, Marabuto E, Príncipe AS, Branquinho C, Paulo OS. 2016. Detecting signs of natural selection throughout environmental gradients in holm oak (*Quercus rotundifolia*). IUFRO Genomics and Forest Tree Genetics Conference, 30 Maio – 3 Junho, Arcachon, França.

Paulo OS, Pina-Martins F, Ribeiro C, Batista D. 2016. SNPs vs SSRs: different tales of two markers. IUFRO 2016 Genomics and Forest Tree Genetics, 30 Maio – 3 Junho, Arcachon, França.

Maria Romeiras MM, Branquinho C, Paulo OS. 2015. Building scientific capacity in Cape Verde Islands: integrating different approaches to study the endemic flora as natural resources. XVII Encontro da Rede de Estudos Ambientais em Países de Língua Portuguesa, 7 de Setembro, Praia, Ilha de Santiago, Cape Verde.

Paulo OS, Pina-Martins F, Modesto I, Ribeiro C, Costa J, Miguel C, Batista D. 2015. Genomic signatures of contrasting adaptation in cork oak populations across the species' range. 15th

Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2015), 10-14 Agosto, Lausanne, Suíça.

Silva DN, Duplessis S, Talhinhos P, Azinheira HG, Paulo OS, Batista D. 2015. Phylogenomics provides insights on the adaptive evolution of rust fungi. 15th Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2015), 10-14 Agosto, Lausanne, Suíça.

Vieira A, Silva DN, Paulo OS, Batista D. 2015. Genome wide approach to detect positive selection on the plant pathogen fungal genus *Colletotrichum*. 15th Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2015), 10-14 Agosto, Lausanne, Suíça.

Modesto I, Loureiro A, Martins R, Pereira AP, Várzea V, Paulo OS, Batista D, Miguel C. 2015. Analysis of expression in a putative pathogenesis-related gene of coffee leaf rust. 15th Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2015), 10-14 Agosto, Lausanne, Suíça.

Silva D, Várzea V, Pereira AP, Paulo OS, Batista D. 2014. Population genomics of *Hemileia vastatrix* using RAD sequencing. 25th International Conference on Coffee Science (ASIC). 6-13 de Setembro, Armenia, Colombia. – Poster presentation– selected for 5min oral presentation.

Fino J, Figueiredo A, Loureiro A, Gichuru EK, Várzea V, Silva, MC, Batista D, Paulo OS. 2014. Transcriptional profiling of compatible and incompatible coffee-*Colletotrichum kahawae* interactions through RNA-Seq analysis. 25th International Conference on Coffee Science (ASIC). 6-13 de Setembro, Armenia, Colombia.

Batista D, Modesto I, Loureiro A, Martins R, Pereira AP, Talhinhos P, Paulo OS, Várzea V. 2014. Highly divergent alleles in a candidate gene of *H. vastatrix* suggest a putative role of adaptive significance. 25th International Conference on Coffee Science (ASIC). 6-13 de Setembro, Armenia, Colombia.

Diniz I, Fino J, Loureiro A, Figueiredo A, Azinheira H, Pereira AP, Talhinhos P, Várzea V, Gichuru EK, Moncada P, Oliveira H, Batista D, Guerra-Guimarães L, Silva MC. 2014. Unveiling the involvement of oxidases in the resistance of *Coffea* sp. to *Colletotrichum kahawae*. 25th International Conference on Coffee Science (ASIC). 6-13 de Setembro, Armenia, Colombia.

Silva DN, Duplessis S, Paulo OS, Batista D. 2014. Phylogenomics of Basidiomycota identifies targets for evolutionary studies of adaptation and pathogenicity in rust fungi. 12th European Conference on Fungal Genetics (ECFG12), 23-27 de Março, Sevilha, Espanha.

Batista D, Loureiro A, Modesto I, Martins R, Talhinhos P, Várzea V, Paulo OS. 2014. Population genetic divergence and expression profiles in a virulence-related candidate gene of the coffee obligate pathogen, *Hemileia vastatrix*. 12th European Conference on Fungal Genetics (ECFG12), 23-27 de Março, Sevilha, Espanha.

Vieira A, Cabral A, Pires AS, Fino J, Talhinhos P, Azinheira HG, Varzea V, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2014. Validation of RT-qPCR reference genes for expression data analysis in *Colletotrichum kahawae*. The 25th International Conference on Coffee Science, 8-13 de Setembro, Armenia, Colombia.

Fino J, Azinheira H, Batista D, Loureiro A, Talhinhos P, Várzea V, Gichuru EK, Paulo OS, Silva MC. 2014. Plant molecular responses upon the pathogens switch to necrotrophy in the pathosystem coffee – *Colletotrichum kahawae*. XVI International Congress on Molecular Plant-Microbe Interactions, 6-10 de Julho, Rhodes, Grécia.

Brás PG, Martins R, Martins J, Rebelo MT, Franco JC, Mateus C, Paulo OS, Figueiredo E, Seabra SG. 2013. Patterns of genetic differentiation in a widespread predator insect species associated with greenhouse crops, *Coenosia attenuata* (Diptera: Muscidae). XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Dourado CG, Silva I, Paulo OS, Dias D. 2013. On the origin of the endemic pigeon *Columba palumbus azorica*. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Rodrigues AS, Silva SE, Marabuto E, Silva DN, Silva J, Wilson MR, Thompson V, Yurtsever S, Halkka A, Gharbi K, Blaxter m, Borges PAV, Quartau JA, Jiggins C, Paulo OS, Seabra SG. 2013. Phylogeographic structure of the spittlebug *Philaenus spumarius* (hemiptera, aphrophoridae) based on mitochondrial DNA and RAD sequencing. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Marabuto E, Martins R, Silva DN, Seabra SG, Paulo OS. 2013. Comparative phylogeography and genetic population structure of two butterfly species from the Iberian Peninsula. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Romeiras MM, Duarte MC, Santos-Guerra A, Moura M, Batista D, Vieira A, Paulo OS. 2013. Evolutionary and biogeographic history of the Macaronesian Beta-Patellifolia species

(Amaranthaceae): combining phylogenetic and ecological studies. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Fino J, Figueiredo A, Loureiro A, Silva MC, Batista D, Paulo OS. 2013. Analysis of Illumina RNA-seq data from a susceptible vs resistant coffee - *Colletotrichum kahawae* interaction. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Vieira A, Silva DN, Várzea V, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2013. Unraveling the genomics of adaptation of *Colletotrichum kahawae* to *Coffea arabica*. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Modesto IS, Miguel C, Pina-Martins F, Glushkova M, Veloso M, Batista D, Paulo OS. 2013. Identifying signatures of natural selection in cork oak (*Quercus suber* L.) genes. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Ribeiro C, Almeida MH, Rodrigues A, Glushkova M, Batista D, Paulo OS. 2013. Patterns of cork oak population differentiation in candidate genes for adaptive traits. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Silva DN, Vieira A, Talhinhos P, Azinheira HG, Silva MC, Fernandez D, Duplessis S, Batista D, Paulo OS. 2013. Phylogenomics unravels major evolutionary trends of the Basidiomycota. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Batista D, Silva DN, Martins R, Pereira AP, Guimarães L, Talhinhos P, Silva MC, Várzea V, Paulo OS. 2013. Using population genomics to uncover the genetic structure, adaptive variation and evolution of *Hemileia vastatrix*, the plant pathogen causing coffee leaf rust. XIV Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Nunes VL, Mendes R, Quartau JA, Seabra SG, Paulo OS, Simões PC. 2013. Species recognition in two sympatric European cicadas of genus *Tettigetta* (Hemiptera, Cicadidae): is acoustic behaviour enough? XIV Congress of European Society for Evolutionary Biology (ESEB2013), 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal.

Batista D, Martins R, Várzea V, Paulo OS. 2013. Signs of adaptive population divergence in a virulence-related candidate gene of coffee leaf rust. XIII Congresso Luso-Espanhol de Fisiologia Vegetal, 24-28 de Julho, Lisboa, Portugal.

Figueiredo A, Loureiro A, Batista D, Fino J, Várzea V, Gichuru EK, Paulo OS, Pais MS, Silva MC. 2013. Unravelling *Coffea* response to *C. kahawae* through Illumina RNA sequencing: establishment of reference genes and first steps on the validation of candidate genes. XIII Congresso Luso-Espanhol de Fisiologia Vegetal, 24-28 de Julho, Lisboa, Portugal.

Ribeiro C, Rodrigues A, Miguel C, Almeida HM, Glushkova M, Paulo OS, Batista D. 2013. Looking for molecular clues of local adaptation in Cork Oak through a candidate gene approach. XIII Congresso Luso-Espanhol de Fisiologia Vegetal, 24-28 de Julho, Lisboa, Portugal.

Modesto IS, Miguel C, Pina-Martins F, Glushkova M, Veloso M, Paulo OS, Batista D. 2013. Assessing adaptive genetic variation in cork oak (*Quercus suber* L.) through SNP analysis. XIII Congresso Luso-Espanhol de Fisiologia Vegetal, 24-28 de Julho, Lisboa, Portugal.

Pina-Martins F, Vieira BM, Seabra SG, Batista D, Paulo OS. 2013. The 4Pipe4 analysis pipeline – how to exploit the hidden SNPs in your 454 dataset: a test case with a *Quercus suber* dataset. XIII Congresso Luso-Espanhol de Fisiologia Vegetal, 24-28 de Julho, Lisboa, Portugal.

Modesto IS, Miguel C, Pina-Martins F, Glushkova M, Veloso M, Paulo OS, Batista D. 2013. Testing associations between genetic and environmental variation in cork oak (*Quercus suber* L.). IUFRO Tree Biotechnology, 26 Maio-1 Junho, Asheville, NC, USA.

Figueiredo E, Nunes R, Martins J, Franco JC, Garcia A, Rebelo T, Paulo OS, Seabra SG, Mateus C. 2013. 4th International Symposium on Biological Control of Arthropods, 4-8 de Março, Pucón, Chile.

Rodrigues AS, Silva SE, Marabuto E, Pina-Martins F, Fino J, Silva J, Gharbi K, Blaxter M, Castro M, Loureiro J, Borges PAV, Quartau JA, Jiggins C, Paulo OS, Seabra SG. 2012. Genetic Basis of Colour Polymorphism in *Philaenus* Species (Hemiptera, Aphrophoridae). Insect Genomics Meeting, Royal Entomological Society, 26 de Novembro, Cambridge, UK.

Silva DN, Vieira A, Talhinhos P, Azinheira HG, Silva MC, Fernandez D, Duplessis S, Paulo OS, Batista D. 2012. Phylogenetic analysis of *Hemileia vastatrix* and related taxa using a genome-

scale approach. 24th International Conference on Coffee Science – ASIC, 11-16 de Novembro, San José, Costa Rica.

Modesto I, Miguel C, Pina-Martins F, Glushkova M, Veloso M, Paulo OS, Batista D. 2012. Population frequency data of SNP markers in cork oak. IUFRO 2012 Conference “Genetics of Fagaceae and Nothofagaceae”, 9-12 de Outubro, Bordeaux, França.

Ribeiro C, Almeida MH, Rodrigues A, Glushkova M, Simões F, Matos J, Pereira JS, Paulo OS, Batista D. 2012. Unraveling population genetic variation of a candidate gene for bud burst in cork oak. IUFRO 2012 Conference “Genetics of Fagaceae and Nothofagaceae”, 9-12 de Outubro, Bordeaux, França.

Rodrigues AS, Silva SE, Marabuto E, Silva DN, Borges AV, Quartau JA, Paulo OS, Seabra SG. 2012. Phylogeography and demographic history of the spittlebug *Philaenus spumarius* (Hemiptera, Aphrophoridae): evidence of recent divergence and post-glacial expansion. XV Congresso Ibérico de Entomologia, 2–6 de Setembro, Angra do Heroísmo, Ilha Terceira, Açores, Portugal.

Seabra SG, Rodrigues AS, Silva SE, Marabuto E, Pina-Martins F, Gharbi K, Blaxter M, Borges PAV, Quartau JA, Jiggins C, Paulo OS. 2012. Population genomics and phenotype-genotype association studies using RAD sequencing in the colour-polymorphic *Philaenus spumarius* (Insecta, Hemiptera). 1st Joint Congress on Evolutionary Biology, 6-10 de Julho, Ottawa, Ontario, Canada.

Costa J, Miguel C, Almeida H, Oliveira MM, Matos JA, Simões F, Veloso M, Ricardo PC, Paulo OS, Batista D. 2011. Genetic divergence in Cork Oak based on cpDNA sequence data. IUFRO Tree Biotechnology Conference: From Genomes to Integration and Delivery, 26 Junho a 2 Julho, Arraial d Ajuda, Bahia, Brazil.

Paulo OS, Vieira A, Talhinhos P, Silva DN, Azinheira H, Silva MC, Fernandez D, Duplessis S, Batista D. 2011. A transcriptome-based phylogenetic analysis of Pucciniales within the Basidiomycota. 13th Congress of European Society for Evolutionary Biology, 20-24 de Agosto, Tübingen, Alemanha.

Vieira A, Romeiras M, Veloso M, Moura M, Batista D, Paulo OS, Duarte C. 2011. A phylogenetic patterns in Beta section (Subfamily Betoidea, Amaranthaceae) as inferred from chloroplast and nuclear DNA sequences. 13th Congress of European Society for Evolutionary Biology, 20-24 de Agosto, Tübingen, Alemanha.

Silva DN, Talinhas P, Cai L, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2011. Did the pathogenic fungus *Colletotrichum kahawae* emerged through a very recent host jump speciation event?. 13th Congress of European Society for Evolutionary Biology, 20–24 de Agosto, Tübingen, Alemanha.

Batista D, Guerra-Guimarães L, Pereira AP, Paulo OS, Várzea V. 2010. Screening for AFLP Markers Linked to Virulence Profiles in the Coffee Rust *Hemileia vastatrix*. 9th Conference of the European Foundation for Plant Pathology/ 6 th Congress of the Sociedade Portuguesa de Fitopatologia, 15-18 de Novembro, Évora, Portugal.

Silva DN, Talinhas P, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2010. Analysis of the molecular evolution of a Mating-type gene in species complex of the *Colletotrichum* genus. 9th Conference of the European Foundation for Plant Pathology/ 6th Congress of the Sociedade Portuguesa de Fitopatologia, 15-18 de Novembro, Évora, Portugal.

Talhinhos P, Azinheira HG, Vieira A, Loureiro A, Vieira B, Pina-Martins F, Batista D, Tisserant E, Morin E, Petitot AS, Paulo OS, Duplessis S, Silva MC, Fernandez D. 2010. Transcriptomic analysis of *Hemileia vastatrix* in pre and post-penetration stages. 9th Conference of the European Foundation for Plant Pathology / 6th Congress of the Sociedade Portuguesa de Fitopatologia, 15-18 de Novembro, Évora, Portugal.

Diniz I, Talhinhos P, Azinheira HG, Loureiro A, Vieira B, Pina-Martins F, Batista D, Várzea V, Oliveira H, Paulo OS, Fernandez D, Silva MC. 2010. Cellular and transcriptomic analysis of host and non-host resistance of coffee to rusts (*Hemileia vastatrix* and *Uromyces vignae*). 9th Conference of the European Foundation for Plant Pathology / 6th Congress of the Sociedade Portuguesa de Fitopatologia, 15-18 de Novembro, Évora, Portugal.

Batista D, Guerra-Guimarães L, Talhinhos P, Loureiro A, Silva D, Gonzalez L, Pereira AP, Vieira A, Azinheira HG, Struck C, Silva MC, Paulo OS, Várzea V. 2010. Analysis of population genetic diversity and differentiation in *Hemileia vastatrix* by molecular markers. 23rd International Conference on Coffee Science - ASIC (Association for Science and Information on Coffee), 3-8 de Outubro, Bali, Indonesia.

Vieira A, Talhinhos P, Loureiro A, Duplessis S, Fernandez D, Silva MC, Paulo OS, Azinheira HG. 2010. *Hemileia vastatrix* gene expression during the infection process of coffee leaves. 23rd International Conference on Coffee Science - ASIC (Association for Science and Information on Coffee), 3-8 de Outubro, Bali, Indonesia.

Romeiras MM, Loureiro J, Vieira A, Castro S, Pina-Martins F, Veloso M, Moura M, Batista D, Paulo OS, Duarte MC. 2010. Genetic diversity of the Portuguese wild Beta-Patellaria species complex using DNA barcoding and flow cytometry. International Symposium FloraMac2010, 23-25 de Setembro, Ponta Delgada, Azores, Portugal.

Romeiras MM, Paulo OS, Cotrim H, Pina-Martins F, Duarte MC, Pais MS. 2010. Colonization and diversification patterns of Cape Verde endemic *Echium* L. Species. International Symposium FloraMac2010, 23-25 de Setembro, Ponta Delgada, Azores, Portugal.

Silva D, Talhinhos P, Loureiro A, Silva MC, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2010. Insights from a multi-locus approach on the origin of *Colletotrichum kahawae* and phylogenetic relationship within the group species *Colletotrichum gloeosporioides*. 9th International Mycological Congress (IMC9: the Biology of Fungi), British Mycological Society, 1-6 de Agosto, Edinburgh, Reino Unido.

Talhinhos P, Azinheira HG, Loureiro A, Batista D, Vieira B, Pina-Martins F, Tisserant E, Petitot AS, Paulo OS, Duplessis S, Silva MC, Fernandez D. 2010. Overview of the functional virulent genome of the coffee leaf rust pathogen *Hemileia vastatrix*. 9th International Mycological Congress (IMC9: the Biology of Fungi), British Mycological Society, 1-6 de Agosto, Edinburgh, Reino Unido.

Seabra SG, Rodrigues AS, Marabuto E, Quartau JA, Paulo OS. 2010. "Patterns of genetic differentiation and detection of selection in populations of the spittlebug *Philaenus spumarius* (Hemiptera, Cercopidae)", 13th International Auchenorrhyncha Congress, 28 de Junho a 4 de Julho, Vaison-la-Romaine, França.

Costa JS, Romeiras MM, Duarte MC, Batista D, Paulo OS. 2010. DNA Barcode of *Quercus* species in Portuguese Forests. II Conference of the European Consortium for the Barcode of Life (ECBOL2), 2-4 de Junho, Braga.

Romeiras MM, Vieira A, Veloso M, Moura M, Batista D, Pina-Martins F, Paulo OS, Duarte MC. 2010. Testing a DNA barcode application on the Portuguese wild relatives of Beta species. II Conference of the European Consortium for the Barcode of Life (ECBOL2), 2-4 de Junho, Braga, Portugal

Veloso MM, Simões-Costa MC, Carneiro LC, Passarinho JA, Pinto Ricardo C, Paulo OS, Duarte MC. 2009. Genetic diversity within wild Beta populations in Portugal: *B. vulgaris* ssp. *maritima*

and B. Macrocarpa. Plant Gem Lisbon – Plant Genomics European Meeting, 7-10 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Seabra SG, Quartau JA, Paulo OS. 2009. Adaptation and gene flow in *Philaenus spumarius*, a highly colour-polymorphic species. 12th Congress of European Society for Evolutionary Biology, 24–29 de Agosto, Turin, Itália.

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2009. Ocellated lizard *Lacerta lepida* variation across Iberia Peninsula: patterns of neutral and adaptive divergence and morphology in structured populations. 12th Congress of European Society for Evolutionary Biology, 24–29 de Agosto, Turin, Itália.

Seabra SG, Paulo OS, Quartau JA. 2008. Assessing the role of natural selection and gene flow in the local adaptation of a highly colour-polymorphic species, *Philaenus spumarius* (Hemiptera, Cercopidae). XIII Congresso Ibérico de Entomologia, 8–12 de Setembro, Seia, Portugal.

Satar I, Seabra SG, Paulo OS. 2008. Isolamento de microssatélites em *Periplaneta Americana*. XIII Congresso Ibérico de Entomologia, 8–12 de Setembro, Seia, Portugal.

Costa JS, Pina-Martins F, Seabra SG, Paulo OS, Fonseca PJ, Rodrigues PD. 2008. Análise Filogenética e Filogeográfica de duas espécies do género *Dictyla* (*D. echii* e *D. nassata*). XIII Congresso Ibérico de Entomologia, 8-12 de Setembro, Seia, Portugal.

Costa JS, Pina-Martins F, Seabra SG, Paulo OS, Fonseca PJ, De Roca B, Gaju-Ricart M, Molero-Baltanás R, Mendes LF. 2008. Filogenética Molecular das espécies do género *Dilta* Strand, 1911 (Microcoryphia, Machilidae) e a sua relação. com os estudos morfológicos. XIII Congresso Ibérico de Entomologia, 8-12 de Setembro, Seia, Portugal.

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2008. AFLPs genome scan to detect genes under selection in ocellated lizards (*Lacerta lepida*). Symposium “Challenges in speciation research”, 15-18 de Setembro, Sheffield, Reino Unido.

Miraldo AA, Hewitt GM, Paulo OS, Emerson BC. 2008. Phylogeography of *Lacerta lepida* in the Iberian Peninsula. BBSRC Summer School in Molecular Evolution and Diversity Lincoln Hall, 14-19 de Julho, Nottingham, Reino Unido.

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2008. AFLPs genome scan to detect genes under selection in ocellated lizards (*Lacerta lepida*). Annual Meeting of the Society for Molecular Biology and Evolution, 5-8 de Junho, Barcelona, Espanha.

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2007. Searching genes with adaptive importance in Ocellated Lizards (*Lacerta lepida*) from Iberian Peninsula. III Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Oeiras, Portugal.

Lopes MC, Nunes VL, Pina-Martins F, Böhme UM, Berendonk TU, Ferrand N, Paulo OS. 2007. Analysis of the genetic structure of Schreiber's green lizard - conservation implications for an endemic species. XI Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 20-25 de Agosto, Uppsala, Suécia.

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2007. Searching genes with adaptive importance in Ocellated Lizards (*Lacerta lepida*) from Iberian Peninsula. XI Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 20-25 de Agosto, Uppsala, Suécia.

Batista D, Valdivieso T, Santos L, Paulo OS, Gomes-Laranjo J, Costa R. 2007. Genotyping of F1 hybrids between *C. sativa* x *C. crenata* and *C. sativa* x *C. mollissima* using nuclear SSRs. II Iberian Congress of Chestnut, 20-22 de Junho, Bragança, Portugal.

Romeiras MM, Paulo OS, Cotrim HC, Duarte MC, Pais MS. 2006. Origin and diversification of genus *Echium* L. in Cape Verde Islands: a phylogenetic study based on ITS (rDNA) and non-coding regions of cpDNA sequences. Internacional Congress: Plant GEM5, 11-14 de Outubro, Veneza, Itália.

Paulo OS, Miraldo AA, Nunes VL, Bruford MW, Jordan WC, Nichols RA. 2005. Congruence among markers suggests the persistence of phylogeographic patterns throughout interglacial periods. 10th Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 15-20 de Agosto, Cracóvia, Polónia.

Pinto I, Pinheiro JF, Maymone M, Paulo OS. 2000. The role of the Monte Gordo Pinewood on Chameleon conservation. VI Congresso Luso-Espanhol / X Congreso Español de Herpetología, 11-15 de Julho, Valencia, Espanha.

Loureiro A, Ferrand N, Paulo OS. 2000. Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal. VI Congresso Luso-Espanhol / X Congreso Español de Herpetología, 11-15 de Julho, Valencia, Espanha.

Paulo OS, Pinheiro J, Nichols RA, Bruford MW. 1999. Comparative phylogeography of two Iberian lizards, *Lacerta lepida* and *Lacerta schreiberi*. VII Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 23-28 de Agosto, Barcelona, Spain.

Paulo OS, Ricardo S, Crespo EG, Nichols R, Bruford MW, Scolaro JÁ, Cei J. 1999. Genetic evaluation of the systematic of *Liolaemus archeoforus* group from Argentina. VII Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 23-28 de Agosto, Barcelona, Spain.

Moreira PL, Segurado P, Luís C, Paulo OS, Crespo EG. 1996. Idade e crescimento corporal da lagartixa-da-montanha: esqueletocronologia. IV Congresso Luso-Espanhol / VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Pinto I, Rosário I, Paulo OS. 1996. Demografia de Camaleão (*Chamaeleo chamaeleon*) no sul de Portugal - Algarve. IV Congresso Luso-Espanhol / VIII Congresso Espanhol de Herpetologia, 5-8 de Dezembro, Porto, Portugal.

Brito e Abreu F, Brito JC, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1995. Habitat evaluation and priority areas for conservation of the Schreiberi-green lizard *Lacerta schreiberi* in Portugal. III Congresso sobre Lacertídeos Mediterrânicos.

Moreira P, Almeida P, Brito e Abreu F, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1995. Conservation of the Iberian Rock Lizard (*Lacerta monticola*) in Serra da Estrela, Portugal. III Congresso sobre Lacertídeos Mediterrânicos.

Paulo OS, Moreira P, Brito e Abreu F, Almeida P, Crespo EG. 1994. Effects of density on the spacing behavior of *Lacerta monticola*. Vth International Behavioural Ecology Congress. 14-20 de Agosto Nottingham, Reino Unido.

Brito JC, Pinto I, Rosário I, Pombo I, Monteiro JL, Brito e Abreu F, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1994. Novas populações de *Lacerta schreiberi* descobertas na Estremadura Portuguesa. III Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia / VII Congresso Espanhol de Herpetologia, 19-23 de Setembro, Badajoz, Espanha.

Godinho MR, Marques MJ, Rainho A, Paulo OS, Crespo EG. 1994. Zonas de simpatria de *Rana perezi*/*Rana iberica* e de *Alytes cisternasii*/*Alytes obstetricans* no Parque Natural da Serra de S. Mamede, Portugal. III Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia / VII Congresso Espanhol de Herpetologia, 19-23 de Setembro, Badajoz, Espanha.

Segurado P, Paulo OS, Crespo EG. 1994. Comparação de técnicas de amostragem da herpetofauna do Paúl de Boquilobo. III Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia / VII Congresso Espanhol de Herpetologia, 19-23 de Setembro, Badajoz, Espanha.

Viegas-Crespo AM, Neve J, Monteiro ML, Amorim MF, Pavão ML, Paulo OS, Halpern MJ. 1994. Relationship between serum selenium and cardiovascular risk factors in portuguese subjects. VII Congresso Luso-Espanhol de Bioquímica, 27 de Setembro a 2 de Outubro, Salamanca, Espanha.

Crespo AM, Neve J, Monteiro ML, Amorim MF, Paulo OS, Halpern MJ. 1993. Selenium concentration and its relationship with total cholesterol, HDL-cholesterol and triglycerides in plasma of Portuguese subjects. 4th International Congress on Trace Elements in Medicine and Biology.

Crespo EG, Oliveira ME, Zuiderwijk A, Paulo OS, Rosa HD, Viegas AM, Pargana JM, Raimundo ND, Moreira PL, Brito e Abreu F. 1993. Amphibian Diversity in Portuguese Natural Parks: a Study Project. 7th Ordinary General Meeting Societas Europaea Herpetologica.

Crespo AM, Nene J, Monteiro ML, Amorim MF, Paulo OS, Reis MA, Halpern MJ. 1992. Selenium and lipid parameters in plasma of portuguese subjects. International Meeting of Trace Elements in Health and Disease with Special Emphasis on Atherosclerosis.

Paulo OS, Carneiro LA, Crespo EG. 1992. Ocellated lizards on small island, are they really tolerant lizards?. 4th International Behavioral Ecology Congress, 17-23 de Agosto, Princeton, USA.

Crespo AM, Neve J, Monteiro ML, Amorim MF, Paulo OS, Reis MA, Halpern MJ. 1992. Doseamento do selénio plasmático e sua relação com alguns parâmetros lipídicos do plasma em humanos. 2º Congresso Ibérico de Espectrofotometria de Absorção Atómica.

Matos APA, Paulo OS, Crespo EG. 1990. Sobre a estrutura dos órgãos do complexo pineal em várias fases do desenvolvimento larvar de *Alytes cisternasii*. I Congresso Luso-Espanhol de Herpetologia/V Congresso Espanhol de Herpetologia, 24-26 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Painéis em conferências nacionais

Nunes MS, Marabuto E, Martins R, Mendes R, Moreira T, Seabra SG, Paulo OS. 2018. Are they different species? The evolutionary relationship of the Iberian Sooty-Copper butterflies *Lycaena tityrus* and *Lycaena bleusei* (Lepidoptera, Lycaenidae). XIV Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 11 de Outubro, Museu Nacional de História Natural e da Ciência, Lisboa, Portugal.

Vicente S, Máguas C, Paulo OS, Trindade, H. 2017. Genetic variability study of the invasive species *Acacia longifolia* on the Portuguese coast. 4th Annual Conference, rede AGRO, 3 de Maio, Reitoria Universidade de Lisboa, Portugal.

Cusatis AC, Modesto I, Rodrigues ASB, Silva SE, Modesto I, Marabuto E, Príncipe AS, Branquinho C, Paulo OS. 2016. Comparing patterns of genetic diversity between *Quercus rotundifolia* (Lam.) and *Quercus suber* (L.). 2nd Annual Meeting: Frontiers in E3, Centre for Ecology, Evolution and Environmental Changes (cE3c), 27-28 Junho, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa, Lisboa, Portugal.

Vieira A, Silva DN, Várzea V, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2016. Adaptation of *Colletotrichum kahawae* to *Coffea arabica*: a genomic approach. 2nd Annual Meeting: Frontiers in E3, Centre for Ecology, Evolution and Environmental Changes (cE3c), 27-28 Junho, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa, Lisboa, Portugal.

Figueiredo, J., Costa, G.J., Maia, M., Silva, C., Paulo, O.S., Malhó, R., Sousa Silva, M., Figueiredo, A. 2016. Characterization of grapevine subtilases associated to Plasmopara viticola resistance. XIX National Congress of Biochemistry (SPB2016), 10 de Fevereiro, Universidade do Minho, Guimarães – Portugal.

Vieira A, Silva DN, Varzea V, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2015. Unraveling the genomics of adaptation of *Colletotrichum kahawae* to *Coffea arabica*. XI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Faculdade de Ciências e Tecnologia, Universidade Nova de Lisboa, Portugal.

Laurentino TG, Pina-Martins F, Patrício P, Fino J, Ceríaco L, Alves F, Paulo OS. 2015. May the Selection be with you: the interplay of evolutionary forces in the speciation of *Timon Lepidus*. XI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Faculdade de Ciências e Tecnologia, Universidade Nova de Lisboa, Portugal.

Rodrigues ASB, Silva SE, Pina-Martins F, Seabra SG, Jiggins Chris, Paulo OS. 2015. Assessing genotype-phenotype associations between RADseq loci and three dorsal colour morphs in spittlebug *Philaenus spumarius*. XI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Faculdade de Ciências e Tecnologia, Universidade Nova de Lisboa, Portugal.

Silva SE, Nunes V, Seabra SG, Marabuto E, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Rebelo MT, Martins J, Figueiredo E, Paulo OS. 2015. The buff-tailed bumblebees in Iberian Peninsula: how are populations genetically structured and how do they cope with the introduction of commercial lineages? XI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Faculdade de Ciências e Tecnologia, Universidade Nova de Lisboa, Portugal.

Silva SE, Nunes V, Seabra SG, Marabuto E, Rodrigues ASB, Pina-Martins F, Rebelo MT, Martins J, Figueiredo E, Paulo OS. 2015. Assessing population genetic structure of *Bombus terrestris* and signatures of introgression between commercial and native bumblebees. Encontro sobre Biodiversidade e Conservação de Invertebrados em Portugal, 12-13 de Dezembro, Seia, Portugal.

Figueiredo E, Godinho MC, Mateus C, Martins J, Valério E, Silva EB, Silva R, Firmino J, Paulo OS, Gago G, Seabra SG, Rebelo MT, Mexia A. 2014. Luta biológica – estratégias de conservação e gestão de lagartas de auxiliares comerciais em cultura protegidas. 10º Encontro Nacional de Protecção Integrada, 2-3 de Maio, Beja, Portugal.

Pina-Martins F, Batista D, Paulo OS. 2014. New SNPs mined from ESTs reveal lack of genetic structuring in Cork Oak populations. X Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 22 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Laurentino TG, Pina-Martins F, Fino J, Patrício P, Paulo OS. 2014. Dorsos are green, Eyespots are blue, Does Natural Selection shape you?. X Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 22 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Laurentino TG, Pina-Martins F, Fino J, Patrício P, Paulo OS. 2014. Dorsos are green, Eyespots are blue, Does Natural Selection shape you?. cE3c Junior Researchers Meeting, 17-18 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Fino J, Figueiredo A, Loureiro A, Gichuru EK, Várzea V, Silva MC, Batista D, Paulo OS. 2014. Transcriptional profiling of compatible and incompatible coffee – *Colletotrichum kahawae* interactions through RNA-seq analysis. cE3c Junior Researchers Meeting, 17-18 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Vieira A, Cabral A, Pires AS, Fino J, Talhinhos P, Azinheira HG, Varzea V, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2014. Validation of RT-qPCR reference genes for expression data analysis in *Colletotrichum kahawae*. cE3c Junior Researchers Meeting, 17-18 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Vieira A, Cabral A, Pires AS, Fino J, Talhinhos P, Azinheira HG, Varzea V, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2014. Validation of RT-qPCR reference genes for expression data analysis in *Colletotrichum kahawae*. 1º simpósio SCAP / 7º Congresso da SPF “Novos desafios na Protecção das plantas”, 20-21 de Novembro, Oeiras, Portugal.

Simões PC, Mendes R, Nunes VL, Seabra SG, Paulo OS, Quartau JA. 2013. An approach to the conservation of some species of cicadas (Insecta, Hemiptera, Cicadoidea) in Portugal. Encontro sobre Biodiversidade e Conservação de Invertebrados em Portugal (EBCI) 2-3 de Julho, Lisboa, Portugal.

Brás PG, Martins R, Martins J, Rebelo MT, Franco JC, Mateus C, Paulo OS, Figueiredo E, Seabra SG. 2012. VIII Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Oeiras, Portugal.

Novais BM, Simões PC. 2012. Acoustic divergence in the calling song of *Tettigettalna* sp. (Hemiptera: Cicadidae) in Portugal. 9º Congresso Nacional de Etologia (SPE2012), 12-13 de Abril, Lisboa, Portugal.

Nunes VL, Mendes R, Marabuto E, Novais BM, Quartau JA, Seabra SG, Paulo OS, Simões PC. 2012. Conflicting patterns of genetic and acoustic variation in the cicada genus *Tettigettalna* from southern Europe (Hemiptera: Cicadidae). VIII Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Oeiras, Portugal.

Modesto I, Pina-Martins F, Batista D, Paulo OS. 2011. Single Nucleotide Polymorphisms validation and preliminary application as phylogeographical markers in cork oak. VII Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Coimbra, Portugal.

Ribeiro C, Almeida MH, Rodrigues A, Paulo OS, Batista D. 2011. Candidate Gene approach for the study of adaptive genetic variation in Cork Oak. VII Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Coimbra, Portugal.

Paulo OS, Pina-Martins F, Modesto I, Batista D. 2011. Cork Oak ESTs Consortium - Polymorphism detection and validation. Workshop "Present and Future of Cork Oak in Portugal", 21 de Outubro, Oeiras, Portugal.

Martins R, Seabra SG, Paulo OS, Marabuto E. 2011. First evolutionary insights on the Iberian Sooty Copper butterfly, 3rd Edition of Trends in Biodiversity and Evolution, 5-6 de Dezembro, Porto, Portugal.

Costa JS, Simões F, Almeida MH, Matos JA, Miguel C, Oliveira MM, Veloso M, Ricardo CP, Paulo OS, Batista D. 2010. Unravelling genetic variation in Cork Oak Natural Populations. VI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 22 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Martins R, Jacinto A, Nabais C, Costa J, Paulo OS, Fonseca P, Bach de Roca C., Gaju-Ricart M, Molero-Baltanás R, Mendes L. 2010. Genetic differentiation and phylogeny of several Dilta species from the Canary Islands. VI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 22 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Silva SE, Silva IC, Paulo OS, Paula J. 2010. Genetic and morphological variation of two littorinid gastropods along an East African latitudinal gradient. VI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 22 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Silva DN, Talhinhos P, Várzea V, Loureiro A, Silva MC, Paulo OS, Batista D. 2010. Insights from a multi-locus approach on the origin of *Colletotrichum kahawae* and phylogenetic relationship within the group species *Colletotrichum gloeosporioides*. VI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 22 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Rodrigues AS, Paulo OS, Quartau JA, Seabra SG. 2010. Phylogenetics and phylogeography in the spittlebug *Philaenus spumarius* and related species. VI Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 22 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Rodrigues AS, Paulo OS, Quartau JA, Seabra SG. 2010. Phylogenetics and phylogeography in the spittlebug *Philaenus spumarius* and related species. 2nd Edition of Trends in Biodiversity and Evolution, 9-10 de Dezembro, Vairão, Portugal.

Marabuto E, Rebelo MT, Paulo OS. 2010. Isolation in multiple Pleistocene glacial refugia and admixture explain the current genetic pattern in the butterfly *Euchloe tagis*. 2nd Edition of Trends in Biodiversity and Evolution, 9-10 de Dezembro, Vairão, Portugal.

Martins R, Jacinto A, Nabais C, Costa JS, Paulo OS, Fonseca PJ, Bach de Roca C, Gaju-Ricart M, Molero-Baltanás R, Mendes LF. 2010. Genetic differentiation and phylogeny of several of *Dilta* species from the Canary Islands. 2nd Edition of Trends in Biodiversity and Evolution, 9-10 de Dezembro, Vairão, Portugal.

Silva SE, Silva IC, Paulo OS, Paula J. 2010. Genetic and morphological variation of two littorinid gastropods along an East African latitudinal gradient. 2nd Edition of Trends in Biodiversity and Evolution, 9-10 de Dezembro, Vairão, Portugal

Silva DN, Talhinhos P, Loureiro A, Manuel L, Guichuru EK, Várzea V, Paulo OS, Batista D. 2010. Newly developed molecular markers reveal a potential host-shift as an alternative hypothesis for the speciation and spread of an emergent fungal pathogen on *Coffea arabica*. 2nd Edition of Trends in Biodiversity and Evolution, 9-10 de Dezembro, Vairão, Portugal.

Costa JS, Simões F, Almeida MH, Matos JA, Miguel C, Oliveira MM, Veloso M, Ricardo CP, Paulo OS, Batista D. 2010. Unravelling genetic variation in Cork Oak Natural Populations. 2nd Edition of Trends in Biodiversity and Evolution, 9-10 de Dezembro, Vairão, Portugal.

Martins R, Jacinto A, Nabais C, Costa JS, Paulo OS, Fonseca PJ, Bach de Roca C, Gaju-Ricart M, Molero-Baltanás R, Mendes LF. 2010. Phylogenetic study of several species of the genus *Dilta* Strand, 1911 (Archaeognatha, Machilidae) from the Canary Islands. 2nd Edition of Trends in Biodiversity and Evolution, 9-10 de Dezembro, Vairão, Portugal.

Costa JS, Paulo OS, Fonseca PJ, De Roca B, Gaju-Ricart M, Molero-Baltanás R, Mendes LF. 2010. Molecular Phylogeny of several species of the genus *Dilta* Strand, 1911 (Microcoryphia, Machilidae). XXXV Jornadas Portuguesas de Genética, 31 de Maio a 2 de Junho, Braga, Portugal.

Martins R, Jacinto A, Nabais C, Costa JS, Paulo OS, Fonseca PJ, Bach de Roca C, Gaju-Ricart M, Molero-Baltanás R, Mendes LF. 2010. Phylogenetic study of several species of the genus *Dilta* Strand, 1911 (Archaeognatha, Machilidae) from the Canary Islands. XXXV Jornadas Portuguesas de Genética, 31 de Maio a 2 de Junho, Braga, Portugal.

Dourado C, Silva I, Paulo OS, Dias D. 2010. Identification and Analysis of Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) in *Columba* sp. Linnaeus, 1758, XXXV Jornadas Portuguesas de Genética, 31 de Maio a 2 de Junho, Braga, Portugal.

Rodrigues AS, Paulo OS, Quartau JA, Seabra SG. 2010. Phylogenetic and phylogeographic patterns in the spittlebug *Philaenus spumarius* and related species, XXXV Jornadas Portuguesas de Genética, 31 de Maio a 2 de Junho, Braga, Portugal.

Silva SE, Silva IC, Paulo OS, Paula J. 2010. Genetic diversity and differentiation of two littorinid gastropods: comparison with morphological data, XXXV Jornadas de Genética, 31 de Maio a 2 de Junho, Braga, Portugal.

Silva D, Talhinhos P, Várzea V, Loureiro A, Paulo OS, Batista D. 2010. Resolving phylogeographical patterns in *Colletotrichum kahawae*, the causal agent of Coffee Berry Disease. XXXV Portuguese Genetics Conference, 31 Maio a 2 Junho, Braga, Portugal.

Costa JS, Simões F, Almeida MH, Matos JA, Miguel C, Oliveira MM, Veloso M, Ricardo CP, Paulo OS, Batista D. 2010. First results on the phylogeographical genetic variation of cork oak natural populations in Portugal. XXXV Jornadas Portuguesas de Genética, 31 de Maio a 2 de Junho, Braga, Portugal.

Vieira A, Talhinhos P, Loureiro A, Duplessis S, Fernandez D, Silva M, Paulo OS, Azinheira H. 2010. Identification of coffee leaf rust (*Hemileia vastatrix*) genes expressed during the first steps of the differentiation process. XXXV Jornadas Portuguesas de Genética, 31 de Maio a 2 de Junho, Braga, Portugal.

Silva D, Talhinhos P, Várzea VM, Loureiro A, Paulo OS, Batista D. 2009. First insights into the phylogeography of the fungus *Colletotrichum kahawae*, the causal agent of coffee berry disease (CBD). V Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Seabra SG, Quartau JA, Paulo OS. 2009. Adaptation and gene flow in *Philaenus spumarius*, a highly colour-polymorphic species. V Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2009. Ocellated lizard *Lacerta lepida* variation across Iberian Peninsula: patterns of neutral and adaptive divergence and morphology in structured populations. V Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Costa JS, Pina-Martins F, Seabra SG, Paulo OS, Fonseca PJ, De Roca B, Gaju-Ricart M, Molero-Baltanás R, Mendes LF. 2009 Filogenética Molecular das espécies do género *Dilta* Strand, 1911

(Microcoryphia, Machilidae) e a sua relação. com os estudos morfológicos. V Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Lisboa, Portugal.

Nunes VL, Beaumont MA, Butlin RK, Paulo OS. 2007. Searching genes with adaptive importance in Ocellated Lizards (*Lacerta lepida*) from Iberian Peninsula. III Encontro Nacional de Biologia Evolutiva, 21 de Dezembro, Oeiras. Portugal.

Brito JC, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1995. Alguns aspectos sobre o lagarto de água *Lacerta schreiberi* no Alentejo: distribuição, habitats e densidades. Jornadas sobre a Biodiversidade no Alentejo e Estremadura Espanhola, Outubro, Évora, Portugal.

Brito JC, Brito e Abreu F, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1995. Lagarto de água: conservação biológica e ecossistemas ribeirinhos. Congresso Nacional de Conservação da Natureza, 15-17 de Novembro, Lisboa, Portugal.

Segurado P, Paulo OS, Crespo EG. 1994. Estratégia de Conservação da Herpetocenose do Paúl de Boquilobo. 3º Congresso Nacional de Áreas Protegidas, 17-20 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Brito JC, Brito e Abreu F, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1994. Distribuição e caracterização do habitat do lagarto-de-água (*Lacerta schreiberi*) em Portugal. 3º Congresso Nacional de Áreas Protegidas, 17-20 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Moreira P, Almeida P, Brito e Abreu F, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1994. Bases para a conservação das populações e dos habitats da lagartixa-serrana (*Archaeolacerta monticola*). 3º Congresso Nacional de Áreas Protegidas, 17-20 de Outubro, Lisboa, Portugal.

Inovação

Esta secção repete a informação da secção “Materiais Pedagógicos”

Aplicações bioinformáticas

Foram desenvolvidas aplicações bioinformáticas usadas em investigação e ensino avançado e publicadas em artigos:

Pina-Martins F, Paulo OS. 2008. CONCATENATOR: sequence data matrices handling made easy. Molecular Ecology Resources 8:1254-1255. Doi: 10.1111/j.1755-0998.2008.02164.x

Pina-Martins F, Paulo OS. 2016. NCBI Mass Sequence Downloader—Large dataset downloading made easy. *SoftwareX* :10-13. Doi: 10.1016/j.softx.2016.04.007

Pina-Martins F, Silva DN, Fino J, Paulo OS. 2017. Structure_threader: An improved method for automation and parallelization of programs structure, fastStructure and MaverickK on multicore CPU systems. *Molecular Ecology Resources*:268–274. Doi: 10.1111/1755-0998.12702.

Outras Atividades

Ao longo dos 18 anos como Professor Auxiliar foi muito gratificante participar em atividades e/ou desempenhar funções relevantes para a missão da Universidade Lisboa. A listagem é apresentada nas secções deste capítulo, mas saliento a criação e posterior coordenação do mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, que é hoje uma história de sucesso no conjunto de mestrados da FCUL (no ano letivo de 2019/2020 teve 42 candidatos para 25 vagas) e que tem permitido, aos licenciados na área das ciências da vida, adicionar uma camada de formação pertinente para a sua vida profissional e a permitir a doutorados e mestres virem aprender novas capacidades necessárias para a sua atualização profissional.

Saliento ainda a participação em três grandes reestruturações do curso de Biologia, a realçar, a reestruturação necessária para adequar ao “processo de Bolonha” e a reestruturação efetuada enquanto Vice-presidente do Departamento, que por inerência implicou uma grande dedicação e esforço.

A realçar ainda a função de líder de grupo de investigação e, enquanto tal a participação em dois momentos de avaliação externos do cE3c, com resultado de Excelente em ambos.

Outreaching

Artigos em revistas de divulgação

Paulo OS. 2008. Como será a Biologia daqui a 10 anos? O Biólogo - Revista da Ordem dos Biólogos, Nº 7.

Rodrigues AS, Paulo OS. 1999. Seleção de áreas prioritárias para a conservação. O Biólogo - Revista da Ordem dos Biólogos, Nº 39:14-19.

Brito JC, Luís CS, Godinho MR, Paulo OS, Crespo EG. 1997. Problemática da Conservação do Lagarto-de-água em Portugal. Liberne nº61.

Brito e Abreu F, Moreira PL, Rosa HD, Paulo OS, Crespo EG. 1996. Anfíbios e Répteis do Planalto Central da Serra da Estrela. Correio da Natureza nº21:31-38.

Brito JC, Brito e Abreu F, Paulo OS, Rosa HD, Crespo EG. 1992. Distribuição e habitats do lagarto-de-água, *Lacerta schreiberi*, em Portugal. Liberne Janeiro/Fevereiro nº37.

Rosa HD, Paulo OS, Brito e Abreu F, Moreira PL. 1994. Anfíbios e Répteis do Planalto Central da Serra da Estrela: conhecê-los e conservá-los. Boletim do PNSE, nº10:6-7.

Paulo OS. 1992. O declínio das populações de Anfíbios. Liberne, 37:14-15.

Thireau M, Vicente L, Crespo EG, Paulo OS. 1985. Mission Herpétologique au Portugal. Bulletin D'Information Muséum National D'Histoire Naturelle 40: 9-13.

Conferências nacionais e internacionais

2005 - Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. Parque Natural da Arrábida, 11 de Março, Setúbal, Portugal.

2005 - Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. Parque Natural da Ria Formosa, 8 de Julho, Olhão, Portugal.

2004 - Plano Nacional de Conservação da Herpetofauna e Atlas dos Anfíbios e Répteis de Portugal Continental. Parque Natural do Vale do Guadiana, 29 de Abril, Mértola, Portugal.

2000 – O Papel da Mata Nacional das Dunas Litorais de Vila Real de Santo António na Conservação do Camaleão, *Chamaeleo chamaeleon*. Comemorações dos 25 anos do Reserva Natural Sapal de Castro Marim e Vila Real de Santo António, 27 de Março, Castro Marim, Portugal.

Serviços resultantes da atividade de I&D

Participação em atividades que envolvam o meio empresarial e/ou o sector público

2016 - Participação na elaboração Plano Nacional de Melhoramento do Pinheiro manso promovido pelo Centro de Competências do Pinheiro manso e Pinhão.

2015 - Participação na elaboração da Agenda Portuguesa de Investigação e Inovação no Sobreiro e na Cortiça – Agenda 3i9.

Participação e coordenação de iniciativas de divulgação científica:

Junto do comunidade científica

Esta secção repete o conteúdo da secção “Comissões de programa de eventos científicos mas acrescenta algumas participações com maior conteúdo de divulgação.

2019 – Membro da Comissão Científica e Moderador de sessões do 15º Congresso da Federação Europeia de Ecologia, 29 de Julho a 2 de Agosto, Lisboa, Portugal.

2019 – Moderador de sessão do Encontro com a Ciência e Tecnologia em Portugal, Ciência’19, 8-10 Julho, Lisboa, Portugal.

2018 – Membro da Comissão Científica do 2º Colóquio sobre a Flora e a Fauna dos Montados. 8 e 9 de Novembro, Grândola.

2013 – Chairman da organização do Congresso da European Society for Evolutionary Biology, 19-24 de Agosto, Lisboa, Portugal. <http://eseb2013.com/>

2006 – Membro do comité científico do IX Congreso Luso-Espanol/XIII Congreso Espanol de Herpetologia 5-8 de Outubro, San Sebastian, Espanha.

2005 – Membro do comité científico do Workshop - Bioinformatics: Knowledge discovery in Biology, 17 de Junho, Lisboa, Portugal.

2004 - Membro da comissão de organizadora do Workshop - The Quaternary Legacy – Phylogeography and climatic changes in Southern Europe, 22-23 de Outubro, Lisboa, Portugal.

2002 - Convidado para participar no workshop “Planeamento e Gestão de Áreas Protegidas – Casos de Estudo” em 19 de Julho, realizado no âmbito do projeto PROBIO do Instituto Superior Técnico.

1992 – Participação no grupo coordenador da Liga para a Protecção da Natureza, para o projeto CEE/WWF "NATURA 2000"

1992 – Participação na Comissão de Impacto Ambiental da Associação Portuguesa de Biólogos. Desde a sua fundação até Abril de 1992.

1992 – Participação na Task Force da IUCN sobre o Declínio Global das Populações de Anfíbios.

1992 – Convidado na mesa redonda sobre "Impacto Ambiental" com os Drs. Mário Silva, Daniel Moura e Jorge Silva.

1992 – Convidado na mesa redonda sobre "Perspetiva em Ciências Biológicas" com Professores António Coutinho, Alexandre Quintanilha e José Guerreiro. II Congresso Nacional de Biólogos, 30-31 de Outubro, Lisboa, Portugal.

1990 - Membro da comissão de organizadora do I Congresso Luso-Espanhol/V Congresso Espanhol de Herpetologia, 24 a 27 de Outubro, Lisboa, Portugal.

1990 – Participante no Painel "Conservação e Ordenamento Biofísico no Litoral Sudoeste" organizado pela Área de Paisagem Protegida Costa Vicentina e Sudoeste Alentejano realizado em Sines a 31 de Março e 1 de Abril.

Junto do sistema de ensino pré-Universitário

2018 - Matiné de Biologia, 28 de Março, Introdução à Filogenética (4 horas). Curso promovido pela Ordem de Biólogos para docentes do ensino secundário

2018 - Matiné de Biologia, 14 de Fevereiro, Introdução à Filogenética (4 horas). Curso promovido pela Ordem de Biólogos para docentes do ensino secundário

Junto da comunicação social e do público em geral

2010 - [Comentário a artigo da Science](#). Jornal "Público"

2004 - [Reserva Ibérica em Perigo](#). Jornal "A Capital"

2002 - [A Mata dos Camaleões](#). Revista "National Geographic Portugal"

- 2001 - [Nove mil anos não chegam](#). Revista "National Geographic Portugal"
- 2001 - [Camaleão da cor dos Sentimentos](#). Revista "Notícias Magazine"
- 2001 - [Crescei e Multiplicai-vos](#). Magazine "Ozono"
- 2000 - [Camaleões no Algarve - Viver depressa e morrer cedo](#). Revista "Forum Ambiente"
- 1998 - [A mata dos camaleões](#). Jornal "O Independente"
- 1997 - [Lagarto-de-água - Nome código schreiberi](#). Revista "Forum Ambiente"
- 1997 - [Camaleões também vão à praia](#). Jornal "Público"
- 1997 - [Camaleões vigiados na Ria Formosa](#). Jornal "Público"
- 1997 - [Cativeiro é fatal para os Camaleões](#). Jornal "Público"
- 1997 - [Um algarvio ameaçado](#). Jornal "Expresso"
- 1997 - [Lagartixa Ibérica](#). Jornal "Expresso"
- 1997 - [Lagartos-de-água reintroduzidos em Monserrate](#). Jornal "Público"
- 1996 - [Lagarto da Berlenga, Os últimos dias?](#) Revista "Forum Ambiente"
- 1996 - [Haja bom Ambiente](#). Revista "Seleções do Reader's Digest"
- 1996 - [Lagartos-de-água vêm aí](#). Jornal "Público"
- 1994 - [Sardões protegidos](#) . Jornal "Jornal de Notícias"
- 1994 - [Faculdade protege sardões nas Berlengas](#). Jornal "Jornal de Leiria"
- 1994 - [Sardões protegidos nas Berlengas](#). Jornal "Correio da Manhã"
- 1994 - [Camaleões do Algarve na Mira dos Investigadores](#) . Jornal "Público"

1994 - [Camaleões do Algarve Debaixo de Olho](#). Jornal “A Capital”

1992 - [O regresso dos sardões](#). Jornal “O Expresso”

1991 - [Biólogo contra ameaça de extinção](#). Jornal “A Capital”

Cargos e desempenhos de natureza científica e/ou académica

Cargos individuais de gestão

2008/2020. Líder do grupo de investigação Computational Biology and Population Genomics Group (CoBiG²), do cE3c – Centre for Ecology, Evolution and Environmental Changes.

2017/2020 - Coordenador do mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional da Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

2014/2017 - Cooordenador e membro da comissão científica do mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional da Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa. Em colaboração com o Prof. Francisco Couto e Francisco Dionísio.

2014/2017 – Vice-presidente do Departamento de Biologia Animal da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa.

2011/2013 – Cooordenador do programa Doutoral em Biologia e Ecologia das Alterações Ambientais.

2008/2013 – Coordenador do Mestrado de Biologia Computacional e Bioinformática da Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

2004/2007 - Por nomeação do Conselho Diretivo da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa passou a exercer o cargo de coordenador da pós-graduação em Bioinformática da Faculdade de Ciências em colaboração com o Instituto Gulbenkian de Ciência e em simultâneo coordenador do Mestrado em Bioinformática da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa.

Participação na avaliação de candidaturas a programas científicos

Esta secção repete a informação da secção “Atividades de avaliação por pares”

Avaliação de projetos

2019 – Avaliador para o programa Horizon 2020 Marie Skłodowska-Curie Actions Individual Fellowships (H2020-MSCA-IF)

2018 – Avaliador de projetos para o Comitato Nazionale dei Garanti per la Ricerca, Italy, Progetti di ricerca di Rilevante Interesse Nazionale, PRIN 2017.

2011-2012 – Avaliador de candidaturas a projetos do Sistema regional de ciência e tecnologia dos Açores.

2004 - Avaliador de projetos para o NERC – Natural Environment Research Council, UK

Avaliação de bolsas

2012 – Avaliador para a FCT de Bolsas de doutoramento e pós- doutoramento no painel das Ciências Biológicas.

2009-2012 - Avaliador para a FCT de Ações Bilaterais.

Participação em Júris de provas académicas

Participação em oito júris de doutoramento na qualidade de arguente principal e onze na qualidade de vogal. Em teses de mestrado participação em quinze arguências e três como vogal. Na qualidade de cordenador do mestrado de Bioinformática e Biologia Computacional presidi a 41 júris. Participação em oito júris de estágios profissionalizantes de licenciatura.

Júris de teses de doutoramento na qualidade de arguente

Sara de Jesus Dias Cardoso, 2019. Rna-seq applied to the peacock blenny *Salarias pavo*: unveiling the gene networks and signalling pathways behind phenotypic plasticity in a littoral fish. Universidade do Algarve.

Anabela Rodrigues Lopes, 2018. Diversity, cryptic species and sexual strategies in fungi of the order Botryosphaerales. Universidade de Aveiro.

Margarida Alexandra Duarte, 2017. Unravelling mechanisms of reproductive isolation between two sister species of Iberian voles. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Ana Sofia Róis, 2014. Strategies for Conservation of Rare and Endemic Species: Characterization of Genetic and Epigenetic Variation and Unusual Reproductive Biology of Coastal Species from *Limonium ovalifolium* and *Limonium binervosum* Complexes (Plumbaginaceae). Instituto Superior de Agronomia, Universidade de Lisboa.

João Paulo Fonseca, 2014. Filogenia e filogeografia do subgénero *Narcissus* L.. Instituto Superior de Agronomia, Universidade Técnica de Lisboa.

Leandra Rodrigues, 2013. Phytochemical and genetic diversity in *Mentha* species: assesment, valorization and conservation. Instituto Superior de Agronomia, Universidade Técnica de Lisboa.

Sónia Pascoal, 2011. *Nucella lapillus*: imposex transcriptome analysis and phenotypic plasticity. Universidade de Aveiro.

Júris de teses de doutoramento na qualidade de vogal

Susana Cristina Machado Rocha, 2018. Genetic and Ecological Consequences of a shifted phenology in a forest defoliator. Instituto Superior de Agronomia, Universidade de Lisboa.

Josiane Santos, 2016. Tracking Evolutionary paths in colonizing events: temporal changes in life-history traits, microsatellites and invasions in *Drosophila subobscura*. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Márcia Silva, 2015. Studies on the Eucalyptus Leaf Disease Complex in Portugal. Faculdade de Ciências e Tecnologia, Universidade Nova de Lisboa.

Joaquim Tapisso, 2014. How historical and presente climate conditions affected the distribution of the mediterranean water shrew? A phylogeographical and ecological approach. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Patrícia Machado, 2013. Pyruvate kinase and glucose-6-phosphate dehydrogenase deficiencies and their association with malaria – populations genetics and proteomic studies. Instituto de Higiene e Medicina Tropical, Universidade Nova de Lisboa.

Filipe Vicente, 2012. Tardigrada: a study on integrative taxonomy, impacts on biodiversity and concerns with conservation. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Vitor Sousa, 2010. Inference of admixture and population size changes in structured populations with applications to conservation genetics. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Gabriela Juma, 2008. Molecular and Acoustic Signal Evolution in Mediterranean Species of Cicada L. (Insecta: Cicadoidea). Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Pedro Simões, 2007. Evolutionary Dynamics in *Drosophila subobscura* – Analyses of the Life history Traits and Microsatellite Loci during Laboratory Adaptation. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Sofia Seabra, 2006. Patterns of Divergence of two Mediterranean Species of Genus Cicada L. (Hemiptera, Cicadidae) Based on the Microsatellite Genetic Markers and acoustic data. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Maria Romeiras, 2005. Caracterização molecular e conservação da biodiversidade de três espécies do género *Echium* (*E. hypertropicum*, *E. stenosphon* *E. vulcanorum*) endémicas de Cabo Verde. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Raquel Godinho, 2003. História Evolutiva do Lagarto-de água, *Lacerta schreiberi*, Análise filogenética reconstrução os processos de expansão, contração e miscigenação populacional, e integração no contexto da evolução biogeográfica do Noroeste da Península Ibérica. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Júris de teses de mestrado na qualidade de Presidente do Júri

Francisco Filipe Coroado Santos, 2019. Peopling of Greek Islands: Understanding the Bronze Age transition with Ancient Genomes. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Rodrigo Daniel Garrilha Santos, 2019. Construction of machine learning models to predict pharmacology properties of molecules. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Célia Patrícia Ferreira Domingues, 2019. Virulence genes and antibiotic resistance genes in microbiomes of human populations – a network perspective. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

João Santos Rebelo, 2019. Modelling phenotypic resistance to ampicillin in a Petri dish. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Leonor Fernanda Venceslau Azeredo Pontes, 2019. Entomological data processing, analysis and visualization. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Henrique Martins Espada Niza, 2019. African Marine Invertebrate Data Analysis and Imaging: a Dataset and Digital Platform for Research, Education and Outreach. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Inês Vieira Oliveura, 2019. Analysis of RAD sequencing data from species of mediterranean cicadas. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Paulo Nuno Hilário Teixeira de Sousa, 2019. A Machine Learning Based Drug Discovery Pipeline: Finding New Therapies for Cystic Fibrosis. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Vanessa Sofia Santos Almeida, 2019. Design and Implementation of a Platform for Predicting Pharmacological Properties of Molecules. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Pedro Ruas, 2019. Exploring Biomedical Ontologies, Personalized PageRank and Semantic Similarity in the Entity Linking task. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Sofia Pinheiro Rodrigues de Jesus, 2019. Information Retrieval using Machine Learning for Database Curation. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Rita Isabel Torres de Sousa, 2019. Evolving meaning: using Genetic Programming to learn similarity perspectives for mining biomedical data. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Maria Madalena Ervedosa de Lacerda Pavão, 2019. Compound matching for multiple ontologies. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Diana Francisco de Sousa, 2019. Extracting Phenotype-Gene Relations from Biomedical Literature Using Distant Supervision and Deep Learning. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Rafael Fresca Mamede, 2019. New aproches for taxonomic identification and profiling of polyclonal samples based on Next Generation sequencing. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Tiago Filipe dos Santos Pacheco, 2019. A Clustering Analysis of the Chemical Metric Space. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Rui Sérgio de Sousa Luís, 2019. The Role of Antisense Transcription on Regulation of Gene Expression. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Pedro Rafael Vila Cerqueira, 2019. Extraction of phylogenomic information for the development of new approaches for geotraceability. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Francisco Ferreira da Silva Paupério, 2019. Assessing optimal treatments for intracellular infection: host immunity, heterogeneity, and the antibiotic resistance challenge. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Sofia Isabel Ferro Pires, 2018. A supervised Learning Approach for Prognostic Prediction in ALS using Disease Progression Groups and Patient Profiles. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Tânia Sofia Guerreiro Maldonado, 2018. Extracting Biomedical Relations from Biomedical Literature. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Lúcia de Mendonça Heitor, 2018. Development of a new pharmacogenomics system for lung cancer based in next generation sequencing. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Pedro Henrique Chorão David, 2018. SimulAte: A Simulator of Antibiotic Therapy Effects on the Dynamics of Bacterial Populations. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Inês Correia Viegas, 2018. Identifying the sequence complexity of miRNAs and their functional impact in small-RNA-seq data. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Inês de Almeida Lopes, 2018. Microphages in M1/M2 states and exposed to amyloid-beta: a RNA-seq analysis in human cells. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Isabela Mott Silva, 2018. Investigating Semantic Similarity for Biomedical Ontology Alignment. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Katarzina Malgorzata Kwiatkowska, 2018. Implementation of an hybrid machine learning methodology for pharmacological modeling. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Cláudio Haupt Vieira, 2017. Online behavioral patterns in a health crisis setting: the 2009 pandemic. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Marta Maria Alves Antunes, 2017. Analysis of genomic changes during adaptive evolution in *Drosophila subobscura* populations of contrasting biogeographical history. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Ana Filipa Vale, 2017. Genomes of *Helicobacter pylori* prophages. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Marco Louro, 2016. A stochastic model of centroid assembly. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Pedro Escudeiro, 2016. Metagenomic mining of pathogenicity and antibiotic resistance traits across human populations worldwide. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Ana de Jesus, 2016. Inference of binding affinity from neuronal receptors in Humans. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Joana Barros, 2015. Mining Cardiac Side-Effects of Known Drugs. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Adriana Domingos Policarpo, 2015. Análise do pangenoma de *Streptococcus pneumoniae* e comparação de genomas dos serótipos 1 e 3. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Fernando Martins, 2011. In Silico analysis of mirna promoters. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

João Zamite, 2010. Multiscore epidemic data collector. Mestrado em Bioinformática, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

João Canhita, 2009. Protein identification in FMTS: a new scoring system and data analysis platform development. Mestrado em Bioinformática, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Sérgio Santos 2009. Desenvolvimento de Sistema online para a predição da topologia de proteínas transmembranares: Algoritmo Beth. Mestrado em Bioinformática, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Júris de teses de mestrado na qualidade de arguente

Ana Filipa Durão, 2017. Geometric Morphometric and Genetic Diversity analyses of two small mammal populations from heavy metal mines in Portugal. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Fernando Miguel Madeira Ferreira Esteves, 2017. O que leva um réptil diurno a sair à noite? Razões para a presença de lagartixas-da-Madeira (*Teira dugesii*) em ninhos de cagarra (*Calonectris borealis*) na Selvagem Grande. Mestrado em Biologia da Conservação, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Ana Santos, 2017. História da colonização do ratinho-caseiro, *Mus musculus domesticus*, em ilhas Atlânticas (Madeira, Açores e Cabo Verde): uma abordagem multilocus. Mestrado em Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Adriana Policarpo, 2015. Análise do pangenoma de *Streptococcus pneumoniae* e comparação de genomas dos serótipos 1 e 3. Mestrado em Bioinformática e Biologia Computacional, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Carolina Silva, 2015. Genetics of diversification: a hotspot locus for pigmentation evolution. Mestrado em Biologia Evolutiva e do Desenvolvimento, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Pedro Patrício, 2014. How does exposure to Fungus *Batrachochytrium dendrobatidis* affects the tadpoles of the common toad, *Bufo*, under different stresses. Mestrado em Biologia da Conservação, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Sara Henriques, 2013. Generation and characterization of novel adenoviral vectors for hybrid nuclease-mediated gene targeting. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Susana Lopes, 2012. Forensic Entomology: DNA Barcoding for Coleoptera Identification. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Cátia Gil, 2011. Crescimento individual da osga-das-selvagens (*Tarentola bischoffi*): influência das variações sazonais na disponibilidade alimentar. Mestrado em Biologia da Conservação, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Ondina Miguel, 2008. Marcadores de Reacção Inflamatórias observados em Diabéticos/Obesos seguidos em Consulta Externa Hospitalar. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Tânia Santos, 2008. Estudo molecular de doentes com dislipidemia familiar. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Inês Silva, 2007. Identificação e análise de Polimorfismos Nucleótídicos Simples (SNPs) em *Columba sp. Linnaeus 1758*: Sua aplicação a uma estratégia de conservação. O pombo como portador de agentes zoonóticos emergentes. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Pedro D. Pereira, 2007. Estudo de Polimorfismos do Gene CD40LG e a sua associação com a Ocorrência de Enfartes do Miocárdio. Mestrado em Biologia Humana e Ambiente, Faculdade de Ciências, da Universidade de Lisboa.

Diogo Alagador, 2005. Configurações espaciais no traçado de reservas ecológicas com povoamentos obrigatórios. Mestrado em Matemática Aplicada às Ciências Biológicas, Instituto Superior de Agronomia, Universidade Técnica de Lisboa.

Sofia Caetano, 2003. Filogeografia da Salamandra (caudata: Salamandridae) no Sul de Portugal. Mestrado em Gestão e Conservação da Natureza da Faculdade de Ciências do Mar e Ambiente, Universidade do Algarve.

Júris de teses de mestrado na qualidade de vogal

José Teles, 2007. RheugulationDB: Building na Integrated View On The Rheumatoid Arthritis. Mestrado em Bioinformática, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Cátia Pesquita, 2007. Improving Semantic Similarity for Proteins based on the Gene Ontology. Mestrado em Bioinformática, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Ana Rita Grosso, 2006. Statistical Methodologies for the Analysis of DNA Microarray Data. Mestrado em Bioinformática, Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Júris de teses de estágios profissionalizantes

Nomeado arguente nos seguintes estágios profissionalizantes para conclusão de licenciaturas:

Diogo D. Silva, 2008. Padrões de distribuição e abundância da Herpetofauna nos Parques de Sintra - Monte da Lua. Licenciatura em Biologia da Universidade Lusófona.

Pedro Andrade, 2004. Segregação espacial de *Hyla arborea* e *Hyla meridionalis* na região do Vale do Sado e Serra de Grândola. Licenciatura em Biologia Aplicada aos Recursos Animais – variante terrestre. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Pedro Tavares, 2004. Effects of temperature, prey size and photoperiod on the circadian feeding and locomotor activity of the cuttlefish *Sepia officinalis* L. (Mollusca: Cephalopoda). Licenciatura em Biologia Aplicada aos Recursos Animais – variante marinha. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Diogo Sayanda, 2003. Estudo da distribuição da variabilidade genética em populações de *Squalius carolitertii* e sua relação com os períodos glaciais, recorrendo ao uso de metodologias estatísticas tradicionais e da análise de clades agrupados. Licenciatura em Biologia Aplicada aos Recursos Animais – variante marinhos. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Bruno Nevado, 2003. Different responses to water level fluctuations in four tribes (Ectodini, Ertmodini, Lamprologini and Tropheini) of Cichlid fishes from Lake Tanganyika inferred from mitochondrial DNA sequences. Licenciatura em Biologia Aplicada aos Recursos Animais – variante marinhos. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Ana Rita Grosso, 2002. Análise genética do pombo-torcaz (*Columba palumbus*) filogeografia e identificação do pseudogene citocromo b. Licenciatura em Biologia Aplicada aos Recursos Animais – variante terrestre. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Sílvia Carvalho, 2001. Avaliação do habitat para o Texugo (*Meles, L.*) na Serra de Grândola: uma abordagem utilizando um SIG. Licenciatura em Biologia Aplicada aos Recursos Animais – variante terrestre. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Vera Domingues, 2001. Filogeografia do Lagarto-de-água (*Lacerta schreiberi*) baseada na análise de sequências parciais do gene C-MOS e de Microsatélites. Licenciatura em Biologia Aplicada aos Recursos Animais – variante terrestre. Faculdade de Ciências, Universidade de Lisboa.

Participação em jurís de concursos

Na qualidade de Presidente

Concurso internacional para o recrutamento de um investigador com doutoramento, na FCIÊNCIAS.ID - Associação Para a Investigação e Desenvolvimento de Ciências, no âmbito do Projecto KeePace AAC nº 02/SAICT/2017, na modalidade de contrato a termo resolutivo incerto, nos termos do Código do Trabalho e do Decreto-Lei n.º 57/2016, de 19 de julho com a redação dada pela Lei n.º 57/2017, de 29 de agosto.

Na qualidade de Vogal

Concurso internacional de recrutamento de um Investigador Doutorado na FCIÊNCIAS.ID - Associação Para a Investigação e Desenvolvimento de Ciências, no âmbito do projeto " PATHOmics, ref. LISBOA-01-0145-FEDER-029189", na modalidade de contrato a termo resolutivo incerto, nos termos do Código do Trabalho e do Decreto-Lei n.º 57/2016, de 19 de julho com a redação dada pela Lei n.º 57/2017, de 29 de agosto.

Concurso internacional de recrutamento de um Investigador Doutorado na FCIÊNCIAS.ID - Associação Para a Investigação e Desenvolvimento de Ciências, no âmbito do projeto " EUCLIPO, LISBOA-01-0145-FEDER-028360", na modalidade de contrato a termo resolutivo incerto, nos termos do Código do Trabalho e do Decreto-Lei n.º 57/2016, de 19 de julho com a redação dada pela Lei n.º 57/2017, de 29 de agosto.

Concurso Ref.^a ISA n.º 3/LEAF, referente ao Aviso n.º 12456/2018 publicado no Diário da República, 2.^a série, N.º 167, 30 de agosto de 2018.

Concurso de seleção internacional para a contratação de doutorado(a) ao abrigo do Decreto -Lei n.º 57/2016, de 29 de agosto, com as alterações introduzidas pela Lei n.º 57/2017, de 19 de julho e legislação complementar. Ref.^a ISA n.º 6/2018/SAICT2017. “Uma estratégia integrada para o estudo do impacto das alterações climáticas em *Coffea spp.*”, com a referência PTDC/ASP -AGR/31257/2017.

Concurso de seleção internacional para a contratação de doutorado/a no âmbito do projeto n.º PTDC/BIA-BMA/31451/2017 – “Explorando o Resistoma Aquático”. Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, IP (INSA, IP)

Presidente ou vogal do júri de todos os bolseiros de investigação mencionadas na secção “Supervisão de bolseiros de investigação” em concursos promovidos pela Fundação da Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa ou mais recentemente pela FCIências.ID ou ainda pela FCUL.

Outros cargos

Membro das seguintes sociedades científicas e organizações:

European Society for Evolutionary Biology
British Genetic Society
Associação Portuguesa de Biologia Evolutiva
Sociedade Portuguesa de Genética
Sociedade Portuguesa de Ecologia
Colégio F3
Ordem dos Biólogos